

Ringversuch: **IG2/25**
im Monat: **April 2025**
Teilnehmer-Nr.: **0000002**
Gültig ab: **26.04.25**



Medizinische Hochschule Hannover
Institut für Klinische Chemie
Prof. Dr. med. Brand
z.Hd. Dr. Grote-Koska
Carl-Neuberg-Str. 1
30625 Hannover



Bonn, 14. Mai 2025

Zertifikat

Wir bestätigen Ihnen hiermit, dass Sie am Ringversuch für Proteinbestimmungen im Serum teilgenommen haben.

Dieses Zertifikat ist gemäß aktueller Version der RiliBÄK gültig bis einschließlich Oktober 2025.

Sie haben die Anforderungen des Ringversuches für folgende Messgrößen erfüllt:

Albumin	(4)	Transferrin	(4)	IgA	(4)
IgG	(4)	IgM	(4)	a1-Antitrypsin	(4)
Coeruloplasmin	(4)	Haptoglobin	(4)	C3-Komplement	(4)
C4-Komplement	(4)	CRP	(4)	IgE	(5)
Cystatin C	(4)	Lösl.Transf.Rez.	(4)	IgG1	(2)
IgG2	(2)	IgG3	(2)	IgG4	(2)

Prof. Dr. Dr. K. P. Kohse
Ringversuchsleitung

Dr. Anja Kessler
Leitung Referenzinstitut

Dr. Marika Enders
EQAS-Board

Die hinter jedem Analyten angegebene Ziffer kennzeichnet die angewendete Analysenmethode.
Die Zuordnung der Ziffer zur jeweiligen Methode ist der Gesamtauswertung zu entnehmen.

Dieses Zertifikat ist in Verbindung mit dem Abschlussbericht vom 14.05.25 gültig.
Dieser steht im RfB-Online System zum Download zur Verfügung.

Ringversuch: **IG2/25**
im Monat: **April 2025**
Teilnehmer-Nr.: **0000002**

Auflistung und Bewertung aller Ihrer Ergebnisse

Erläuterungen

Zertifikat

Ein Zertifikat wird nur dann für eine Messgrösse ausgestellt, wenn die Grundlagen für die Bewertung der Richtigkeit durch die Richtlinie der Bundesärztekammer gegeben ist bzw. wenn eine Bewertung in Analogie zu dieser Richtlinie (s. Hinweise zur Auswertung) möglich ist, und wenn beide Ergebnisse innerhalb der vorgegebenen Grenzen liegen. (Kennzeichnung unter B: +)

Teilnahmebescheinigung

In der Teilnahmebescheinigung sind alle Messgrössen aufgeführt, welche die Liste auf dieser Seite enthält.
Wenn alle untersuchten Messgrössen im Zertifikat aufgeführt sind, entfällt der Ausdruck einer Teilnahmebescheinigung.

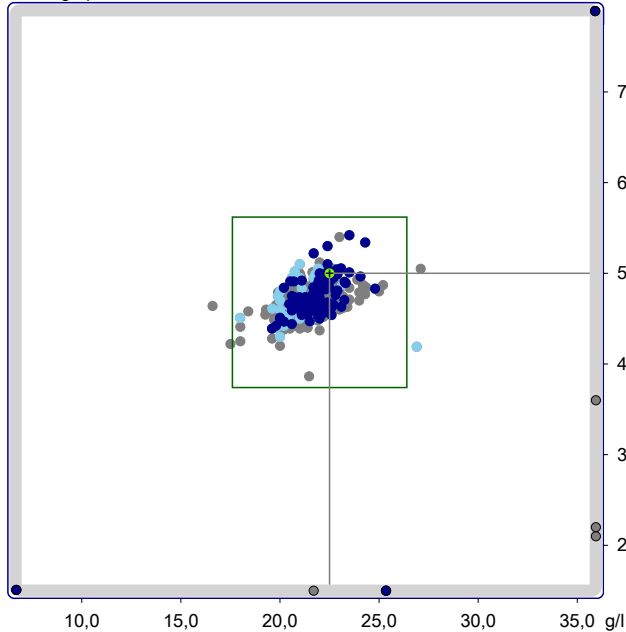
Zeichenerklärung: B=Bewertung, M=Methoden-Nr., E=Ihr Ergebnis, D=Abweichung (E-ZW) Dmax=Betrag der maximal zulässigen Messabweichung, z. T. vorgegeben durch die Anlage 1 der jeweils gültigen Richtlinie der BÄK. ZW=Zielwert, ggf. Referenzmethodenwert o. Sollwert, UG OG = untere bzw. obere Grenze	Bewertung: + = erfüllt (Quotient D/Dmax ≤ 1.0) - = nicht erfüllt (Quotient D/Dmax > 1.0 ± = Bewertung entfällt aus analytischen oder technischen Gründen
--	--

	B	M	E	D/Dmax	ZW	UG	OG								
Albumin [g/l]	+	4	A	22.5	0.11	22.0	17.6	26.4							
			B	50.0	0.34	46.8	37.4	56.2							
Transferrin [g/l]	+	4	A	1.29	-0.47	1.37	1.20	1.54							
			B	3.76	-0.04	3.78	3.32	4.24							
IgA [g/l]	+	4	A	0.990	-0.10	1.01	0.808	1.22							
			B	3.33	-0.06	3.37	2.69	4.05							
IgG [g/l]	+	4	A	4.84	-0.17	4.99	4.09	5.89							
			B	18.0	-0.03	18.1	14.8	21.4							
IgM [g/l]	+	4	A	0.480	-0.08	0.490	0.362	0.618							
			B	3.00	0.13	2.90	2.14	3.66							
a1-Antitrypsin [g/l]	+	4	A	0.730	-0.09	0.750	0.525	0.975							
			B	1.62	-0.16	1.70	1.19	2.21							
Coeruloplasmin [mg/l]	+	4	A	103	0.10	100	70.0	130							
			B	249	0.12	240	168	312							
Haptoglobin [g/l]	+	4	A	0.690	0.15	0.660	0.462	0.858							
			B	1.78	0.09	1.73	1.21	2.25							
C3-Komplement [g/l]	+	4	A	0.430	0.07	0.420	0.294	0.546							
			B	0.920	0	0.920	0.644	1.20							
C4-Komplement [g/l]	+	4	A	0.030	0	0.030	0	0.080							
			B	0.080	0.17	0.076	0.053	0.099							
CRP [mg/l]	+	4	A	9.45	-0.10	9.64	7.71	11.6							
			B	52.9	-0.54	59.3	47.4	71.2							
IgE [U/ml]	+	5	A	99.7	0.11	96.4	67.4	126							
			B	236	0.13	227	158	296							
Cystatin C [mg/l]	+	4	A	0.400	0.75	0.093	0	0.500							
			B	0.400	0.72	0.135	0	0.500							
Lösl. Transf. Rez. [nmol/l]	+	4	A	16.2	-0.06	16.5	11.5	21.5							
			B	44.4	0	44.4	30.9	57.8							
IgG1 [g/l]	+	2	A	2.96	0.11	2.90	2.37	3.43							
			B	11.3	0.04	11.2	9.18	13.3							
IgG2 [g/l]	+	2	A	1.69	-0.06	1.71	1.40	2.02							
			B	6.35	0.13	6.20	5.08	7.32							
IgG3 [g/l]	+	2	A	0.010	0.27	0.002	0	0.031							
			B	0.160	0.06	0.158	0.129	0.187							
IgG4 [g/l]	+	2	A	0.425	0.02	0.423	0.346	0.500							
			B	1.06	0	1.06	0.869	1.26							

Analyt **Albumin**
Methode Alle Methoden

Erfolgsquote 97,9 %

Ausreisser 7



Teilnehmerzahl	533		
Probe/Einheit	A	g/l	B
Mittelwert	21.5		46.9
Standardabweichung	1.15		1.80
Variationskoeffizient	5.34		3.84

Probe A [g/l]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max	
Alle	533		0.021	20.5	21.4	22.6	21800	
1	30	6	20.8		21.5		23.0	
2	13	5	19.8		20.6		21.3	
2	28	21	21.0	21.4	22.1	22.7	47.0	
4	4	12	20.0	20.1	20.5	21.8	21.9	
4	30	106	0.021	20.8	22.0	22.8	21800	
4	38	6	19.8		21.0		21.6	
4	43	7	19.6		21.0		26.9	
4	328	9	18.0	19.1	20.0	21.0	21.0	
7	4	65	19.9	20.2	21.0	21.1	46.9	
7	30	186	17.5	21.0	22.0	23.0	25.2	
7	38	38	19.8	20.3	20.8	21.5	22.4	
7	40	8	19.8	19.8	20.0	21.0	21.0	
7	43	33	19.3	20.0	21.0	21.4	22.0	
7	328	7	19.9		21.0		22.1	

Probe B [g/l]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max	
Alle	533		0.045	45.1	46.8	48.7	44800	
1	30	6	44.7		46.4		48.1	
2	13	5	45.4		46.2		48.9	
2	28	21	22.0	45.6	48.0	49.6	50.5	
4	4	12	43.0	44.3	46.1	49.9	50.5	
4	30	106	0.045	45.6	46.8	49.6	44800	
4	38	6	44.0		45.4		45.9	
4	43	7	41.9		48.0		49.1	
4	328	9	45.1	45.6	48.0	50.1	51.0	
7	4	65	21.0	45.0	47.7	48.9	50.1	
7	30	186	42.0	45.2	46.4	47.5	54.0	
7	38	38	43.0	44.6	45.9	47.2	48.8	
7	40	8	45.4	45.4	46.8	48.6	49.0	
7	43	33	38.6	46.3	48.0	49.0	50.4	
7	328	7	47.8		49.0		49.5	

Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt:

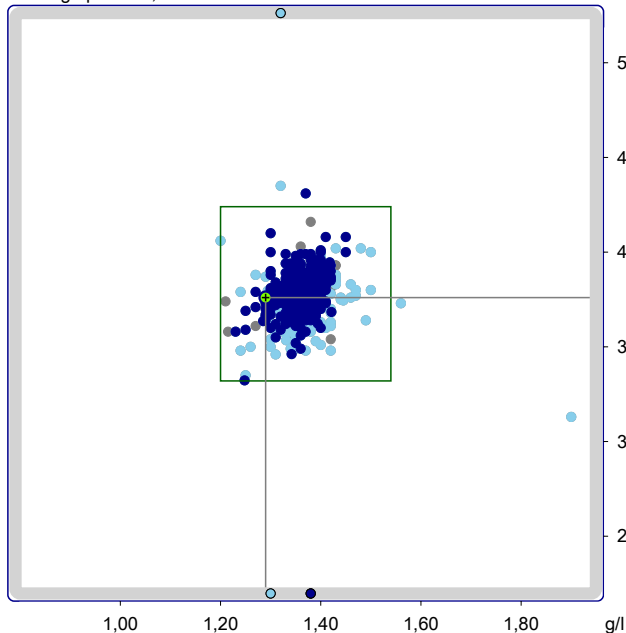
A 2.2 %
B 6.8 %

Andere Kits (Anzahl):
1-04(1), 2-30(3), 2-38(1), 2-43(2), 2-140(1), 2-228(1), 4-12(1), 4-13(1), 4-40(2), 4-140(2), 6-08(1), 7-12(1), 7-13(2), 7-32(1), 7-126(4),

Analyt **Transferrin**
Methode Alle Methoden

Erfolgsquote 98,4 %

Ausreisser 5



Teilnehmerzahl	647		
Probe/Einheit	A	g/l	B
Mittelwert	1.37		3.76
Standardabweichung	0.045		0.118
Variationskoeffizient	3.34		3.14

Probe A [g/l]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max	
Alle	647		1.20	1.33	1.37	1.40	3.90	
1	30	3	1.31		1.37		1.40	
2	28	11	1.22	1.27	1.36	1.38	1.42	
4	4	98	1.30	1.34	1.37	1.40	3.90	
4	30	381	1.23	1.33	1.37	1.40	1.45	
4	38	51	1.20	1.32	1.37	1.40	1.48	
4	40	12	1.31	1.34	1.37	1.47	1.49	
4	43	48	1.29	1.35	1.40	1.43	1.90	
4	126	5	1.32		1.38		1.50	
4	328	15	1.24	1.25	1.32	1.37	1.56	

Probe B [g/l]

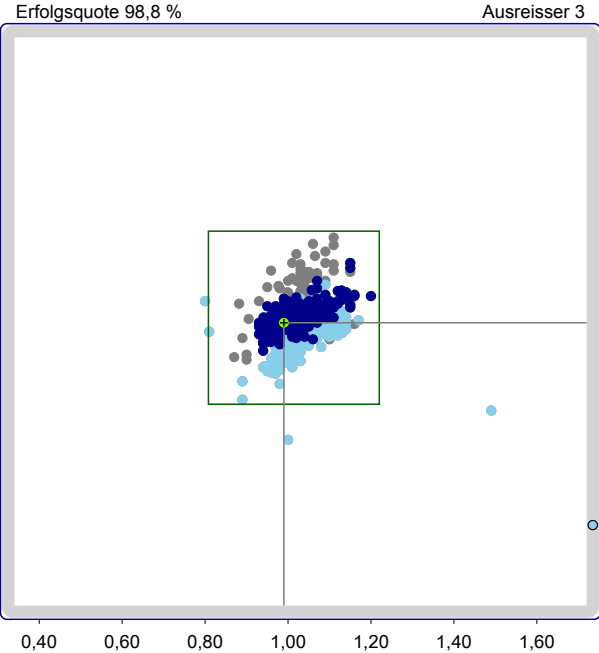
M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max	
Alle	647		0.392	3.66	3.76	3.87	43.3	
1	30	3	3.61		3.70		3.75	
2	28	11	3.54	3.58	3.65	4.04	4.16	
4	4	98	1.44	3.67	3.75	3.84	4.02	
4	30	381	0.392	3.68	3.78	3.88	4.31	
4	38	51	0.430	3.72	3.80	3.84	4.06	
4	40	12	3.46	3.50	3.65	3.76	3.80	
4	43	48	3.13	3.54	3.70	3.77	4.00	
4	126	5	3.73		3.80		43.3	
4	328	15	3.35	3.49	3.62	3.76	4.35	

Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt:

A -5.8 %
B -0.5 %

Andere Kits (Anzahl):
1-04(2), 2-13(2), 2-30(2), 2-38(1), 2-43(2), 2-228(1), 4-13(2), 4-16(1), 4-128(1), 4-154(1), 5-04(1), 5-30(1), 6-30(1), 7-30(1), 7-38(2), 7-43(2),

Analyt **IgA**
Methode Alle Methoden



Teilnehmerzahl	538		
Probe/Einheit	A	g/l	B
Mittelwert	1.03		3.35
Standardabweichung	0.060		0.179
Variationskoeffizient	5.91		5.35

B

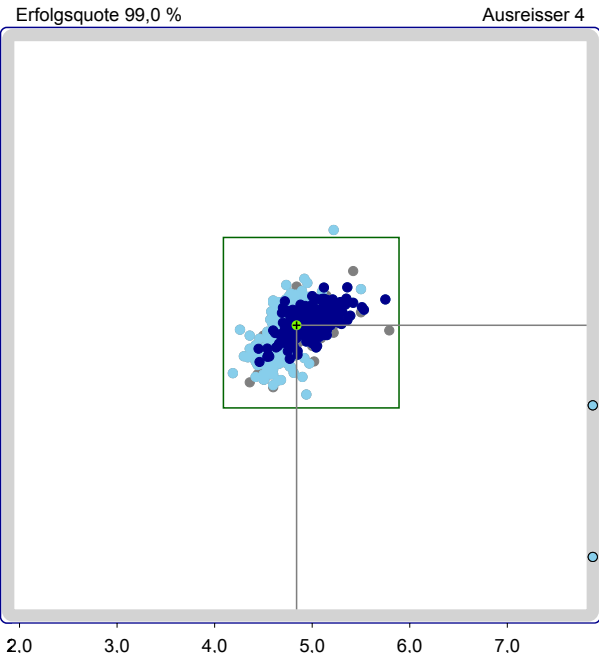
Probe A [g/l]								
M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max	
Alle	538		0.800	0.970	1.02	1.09	3.63	
2	13	10	0.870	0.879	0.903	0.987	0.999	
2	28	48	0.950	0.995	1.03	1.11	3.63	
2	43	3	0.969		1.02		1.09	
4	4	81	0.890	1.03	1.07	1.10	1.17	
4	30	276	0.930	0.970	1.01	1.07	1.20	
4	38	39	0.800	1.06	1.10	1.13	1.15	
4	40	13	0.940	0.948	0.982	1.00	1.03	
4	43	39	0.890	0.974	1.01	1.06	1.49	
4	140	6	0.970		0.998		1.02	
4	328	5	0.810		1.01		1.09	

Probe B [g/l]								
M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max	
Alle	538		1.02	3.21	3.34	3.48	4.00	
2	13	10	3.04	3.06	3.36	3.52	3.60	
2	28	48	1.02	3.48	3.68	3.79	4.00	
2	43	3	2.98		3.09		3.66	
4	4	81	2.73	3.21	3.30	3.37	3.53	
4	30	276	3.11	3.29	3.37	3.47	3.80	
4	38	39	3.07	3.23	3.29	3.38	3.50	
4	40	13	2.98	2.99	3.07	3.20	3.20	
4	43	39	2.64	2.95	3.08	3.23	3.41	
4	140	6	3.01		3.12		3.23	
4	328	5	3.26		3.38		3.63	

Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt: A -1.9 % B -1.1 %

Andere Kits (Anzahl): 1-04(1), 1-30(2), 2-30(2), 2-126(1), 2-140(1), 2-228(1), 4-13(2), 4-126(2), 4-128(1), 4-154(1), 5-04(1), 6-30(1), 7-30(1), 7-38(1),

Analyt **IgG**
Methode Alle Methoden



Teilnehmerzahl	536		
Probe/Einheit	A	g/l	B
Mittelwert	4.87		17.9
Standardabweichung	0.234		0.773
Variationskoeffizient	4.81		4.32

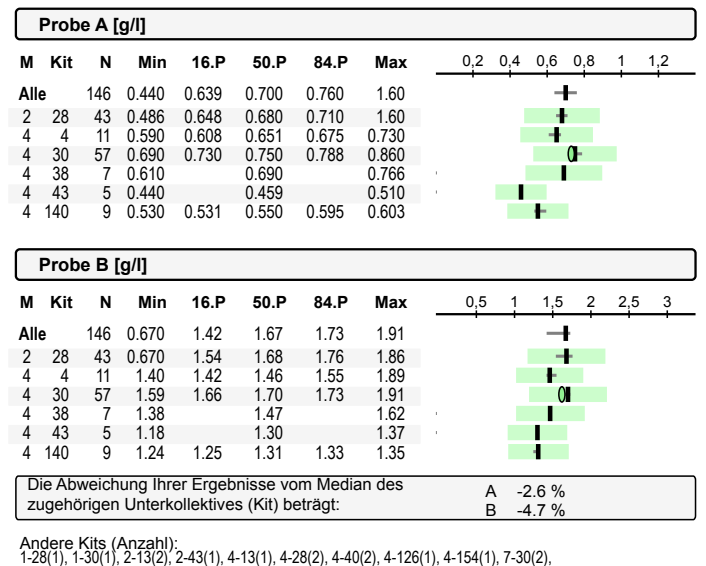
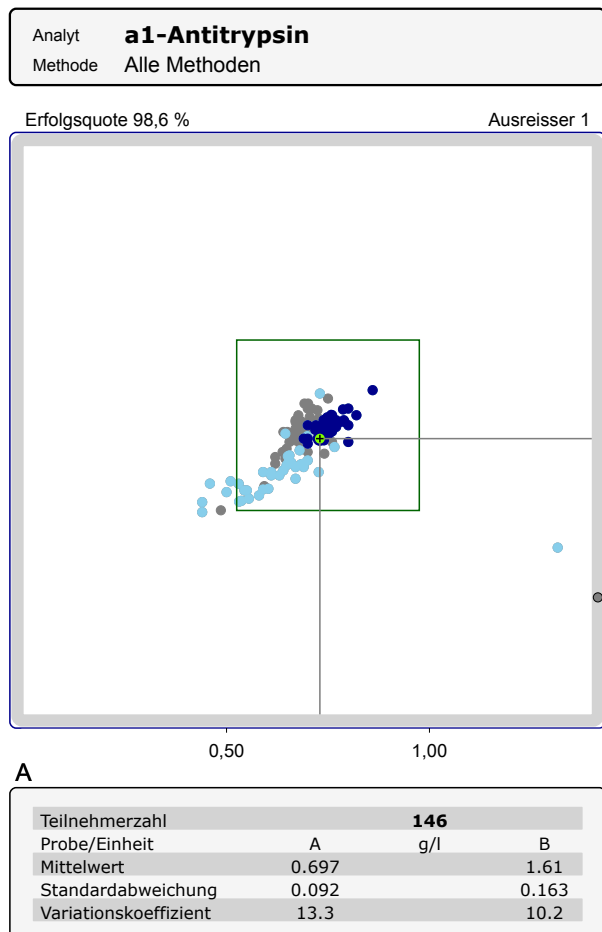
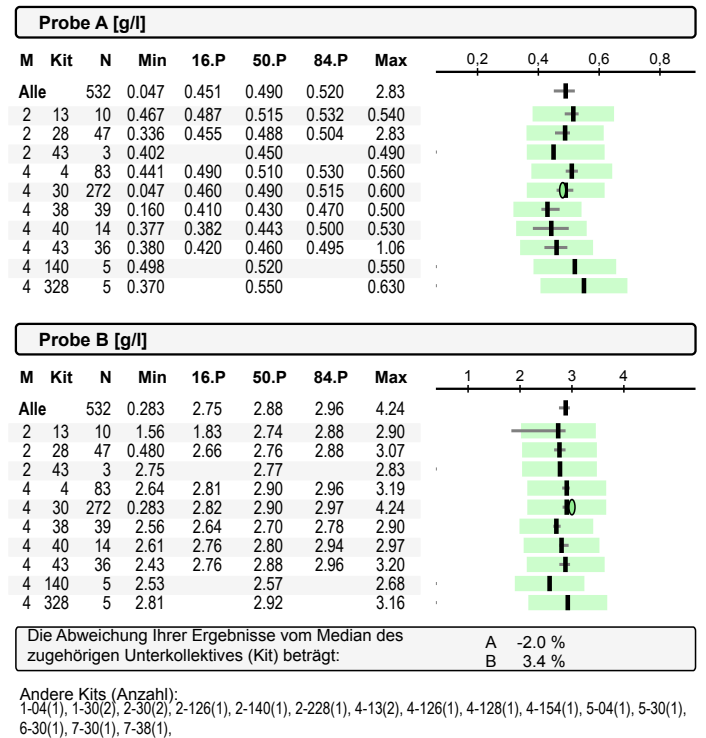
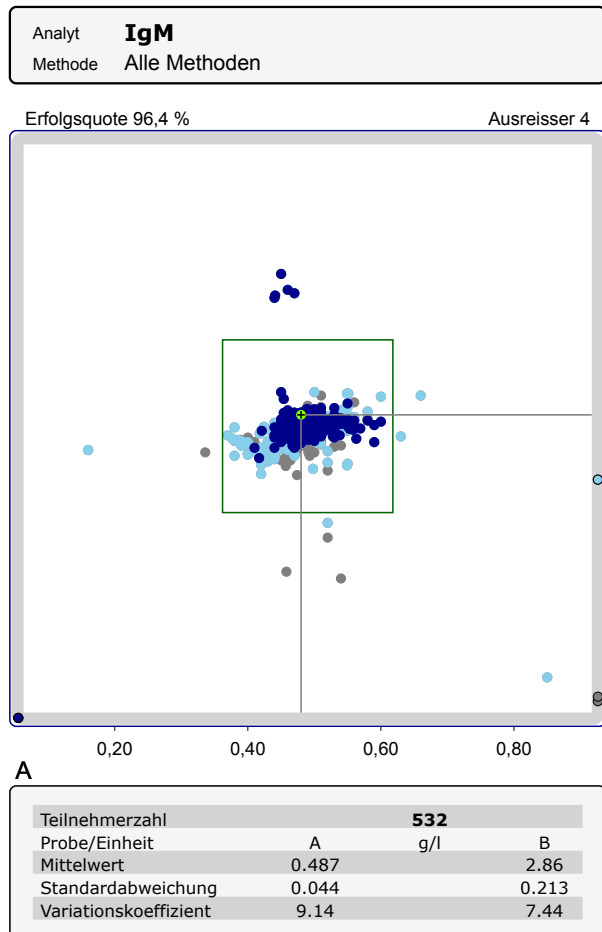
B

Probe A [g/l]								
M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max	
Alle	536		4.19	4.64	4.88	5.11	18.4	
2	13	11	4.41	4.44	4.50	4.76	4.90	
2	28	47	4.51	4.71	4.92	5.10	18.4	
2	43	3	4.71		4.83		5.16	
4	4	83	4.26	4.61	4.73	4.86	5.16	
4	30	276	4.45	4.80	4.99	5.16	5.75	
4	38	39	4.43	4.51	4.61	4.81	4.97	
4	40	13	4.46	4.55	4.70	4.84	4.86	
4	43	36	4.30	4.47	4.68	4.99	7.83	
4	140	5	4.19		4.39		4.42	
4	328	5	4.60		4.85		5.50	

Probe B [g/l]								
M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max	
Alle	536		4.88	17.2	18.0	18.6	21.7	
2	13	11	16.1	16.3	17.1	17.6	18.0	
2	28	47	4.88	17.3	18.0	18.6	20.1	
2	43	3	17.9		18.0		18.2	
4	4	83	17.1	17.8	18.3	19.0	19.8	
4	30	276	16.6	17.6	18.1	18.6	19.5	
4	38	39	15.7	16.1	16.6	17.1	17.5	
4	40	13	17.3	17.4	18.0	18.2	18.2	
4	43	36	14.9	16.7	17.5	18.2	21.7	
4	140	5	16.0		16.8		17.0	
4	328	5	16.9		18.2		19.4	

Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt: A -2.9 % B -0.5 %

Andere Kits (Anzahl): 1-04(1), 1-30(2), 2-30(2), 2-126(1), 2-140(1), 2-228(1), 4-13(2), 4-126(2), 4-128(1), 4-154(1), 5-04(1), 6-30(1), 7-30(1), 7-38(1),

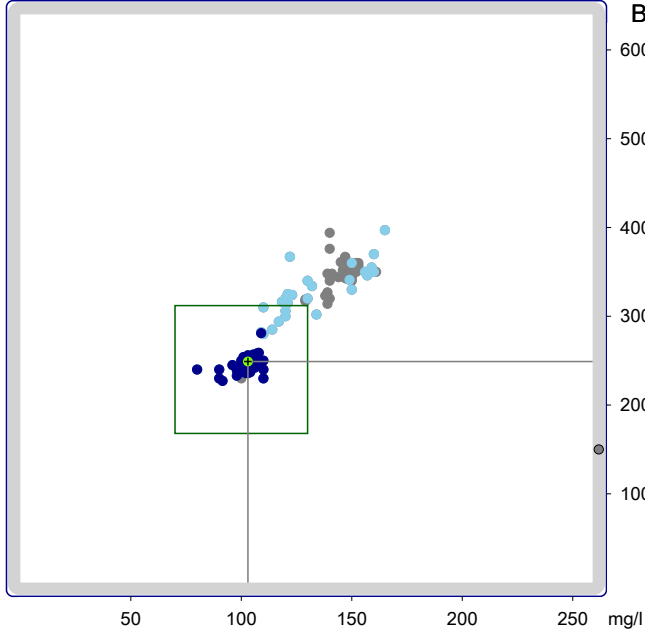


Analyt **Coeruloplasmin**

Methode Alle Methoden

Erfolgsquote 95,3 %

Ausreisser 1

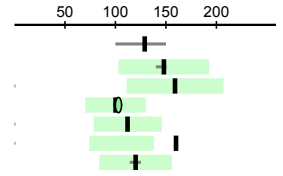


A

Teilnehmerzahl	129		
Probe/Einheit	A	mg/l	B
Mittelwert	126		303
Standardabweichung	23.1		51.1
Variationskoeffizient	18.4		16.9

Probe A [mg/l]

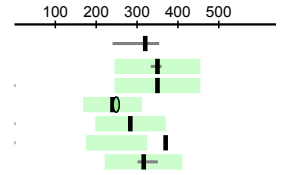
M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		129	80.0	100	129	150	350
2	28	45	138	140	148	151	350
4	4	7	149		159		160
4	30	48	80.0	97.7	100	107	110
4	38	6	109		112		130
4	43	3	150		160		165
4	140	9	110	114	120	125	130



B

Probe B [mg/l]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		129	150	240	320	354	397
2	28	45	150	334	350	360	394
4	4	7	341		350		370
4	30	48	227	236	240	251	281
4	38	6	280		284		320
4	43	3	360		370		397
4	140	9	294	301	316	351	367



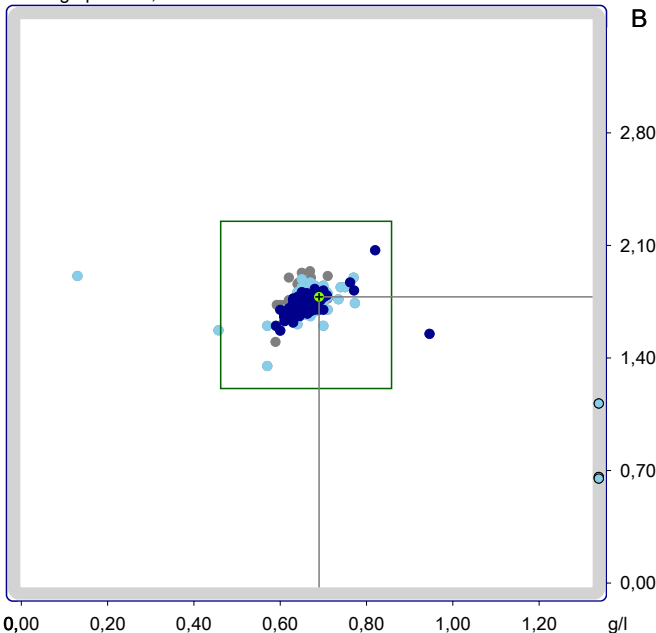
Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt:

A 2.8 %
B 3.7 %Andere Kits (Anzahl):
1-28(1), 1-30(1), 2-04(1), 2-13(2), 2-40(1), 2-43(1), 4-13(1), 4-40(1), 4-45(1), 4-126(1),Analyt **Haptoglobin**

Methode Alle Methoden

Erfolgsquote 98,7 %

Ausreisser 3

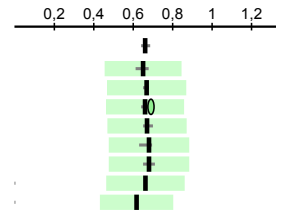


A

Teilnehmerzahl	396		
Probe/Einheit	A	g/l	B
Mittelwert	0.662		1.75
Standardabweichung	0.042		0.062
Variationskoeffizient	6.44		3.58

Probe A [g/l]

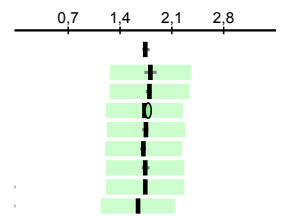
M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		396	0.130	0.640	0.661	0.686	1.83
2	28	19	0.589	0.612	0.650	0.678	0.700
4	4	59	0.620	0.650	0.668	0.680	1.83
4	30	223	0.590	0.640	0.660	0.680	0.946
4	38	23	0.640	0.650	0.670	0.700	0.708
4	40	8	0.630	0.630	0.680	0.696	0.700
4	43	39	0.640	0.650	0.680	0.710	0.770
4	140	4	0.610		0.662		0.686
4	328	5	0.457		0.617		0.773



B

Probe B [g/l]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		396	0.650	1.70	1.74	1.80	2.07
2	28	19	1.50	1.73	1.81	1.89	1.93
4	4	59	0.650	1.75	1.80	1.83	1.87
4	30	223	1.55	1.70	1.73	1.77	2.07
4	38	23	1.60	1.70	1.75	1.78	1.81
4	40	8	1.67	1.67	1.72	1.75	1.76
4	43	39	1.61	1.69	1.74	1.80	1.90
4	140	4	1.70		1.74		1.76
4	328	5	1.57		1.64		1.74



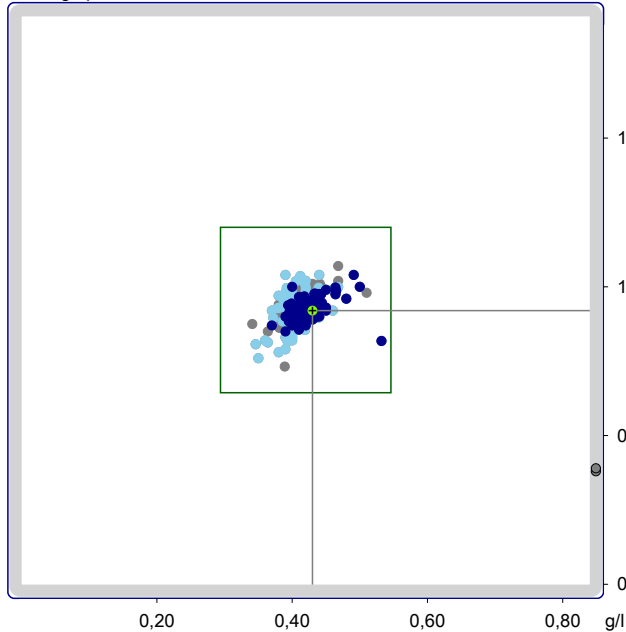
Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt:

A 4.5 %
B 2.8 %Andere Kits (Anzahl):
1-04(1), 1-30(1), 2-13(2), 2-43(2), 2-140(1), 4-12(1), 4-13(1), 4-45(1), 4-126(1), 4-154(1), 5-04(1), 6-30(1), 7-38(1), 7-43(1),

Analyt **C3-Komplement**
Methode Alle Methoden

Erfolgsquote 99,2 %

Ausreisser 2



A

Teilnehmerzahl	285		
Probe/Einheit	A	g/l	B
Mittelwert	0.417		0.935
Standardabweichung	0.023		0.049
Variationskoeffizient	5.73		5.31

Probe A [g/l]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max		0,2	0,4	0,6
Alle		285	0.341	0.398	0.420	0.435	0.940			+	
2	13	6	0.380		0.399		0.420				
2	28	63	0.341	0.394	0.417	0.438	0.940			+	
2	43	4	0.380		0.408		0.415			+	
4	4	26	0.410	0.420	0.426	0.433	0.450			+	
4	30	118	0.370	0.402	0.420	0.440	0.532			0	
4	38	16	0.346	0.357	0.400	0.425	0.440			+	
4	40	5	0.387		0.391		0.412			+	
4	43	16	0.370	0.380	0.400	0.418	0.440			+	
4	126	7	0.386		0.410		0.440			+	
4	140	8	0.364	0.368	0.424	0.460	0.468			+	

Probe B [g/l]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max	
								0,5 1 1,5
Alle		285	0.380	0.896	0.939	0.980	1.07	</

Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des
zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt:

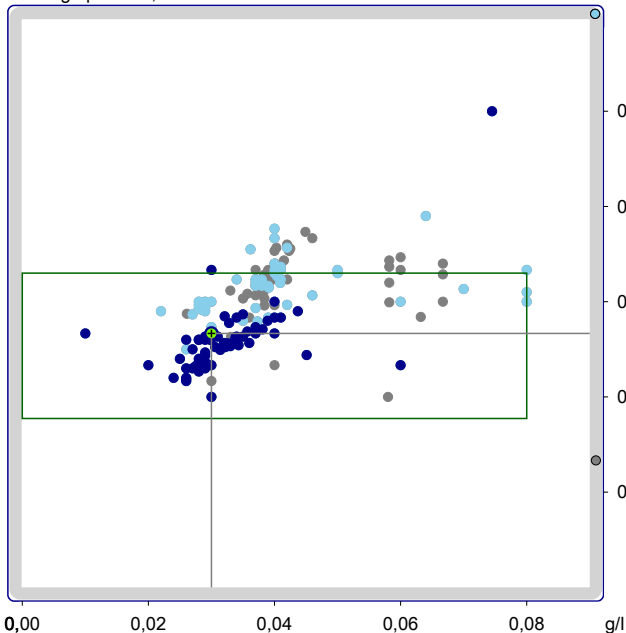
A 2.3 %
B 0 %

Andere Kits (Anzahl):
1-28(1), 1-30(1), 2-30(1), 2-126(1), 2-140(1), 2-228(2), 3-40(1), 4-12(1), 4-28(1), 4-328(2), 5-04(1), 5-43(1), 6-30(1), 7-38(1),

Analyt **C4-Komplement**
Methode Alle Methoden

Erfolgsquote 97,9 %

Ausreisser 2



A

Teilnehmerzahl	286		
Probe/Einheit	A	g/l	B
Mittelwert	0.036		0.087
Standardabweichung	0.010		0.012
Variationskoeffizient	28.0		14.7

Probe A [g/l]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max		0,02	0,04	0,06	0,08
Alle		286	0.010	0.030	0.036	0.040	0.274					
2	13	7	0.040		0.042		0.046					
2	28	62	0.030	0.038	0.039	0.056	0.100					
2	43	3	0.026		0.039		0.060					
4	4	25	0.037	0.038	0.040	0.041	0.070					
4	30	118	0.010	0.028	0.030	0.035	0.074					
4	38	16	0.020	0.028	0.038	0.080	0.080					
4	40	6	0.028		0.029		0.050					
4	43	17	0.027	0.028	0.030	0.030	0.030					
4	126	7	0.036		0.040		0.060					
4	140	8	0.035	0.035	0.039	0.040	0.040					

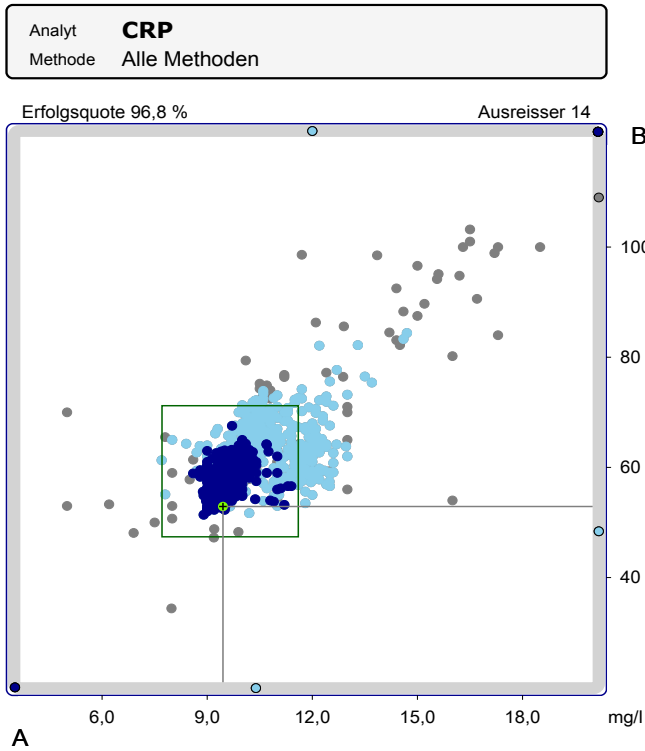
Probe B [g/l]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max			0,03	0,06	0,09	0,12	0,15
Alle		286	0.040	0.070	0.089	0.100	0.208							
2	13	7	0.103		0.107		0.112							
2	28	62	0.040	0.090	0.096	0.100	0.108							
2	43	3	0.086		0.098		0.100							
4	4	25	0.094	0.096	0.100	0.102	0.113							
4	30	118	0.060	0.070	0.076	0.080	0.150							
4	38	16	0.070	0.080	0.090	0.097	0.100							
4	40	6	0.087		0.090		0.099							
4	43	17	0.080	0.080	0.090	0.090	0.100							
4	126	7	0.090		0.100		0.110							
4	140	8	0.080	0.081	0.089	0.106	0.110							

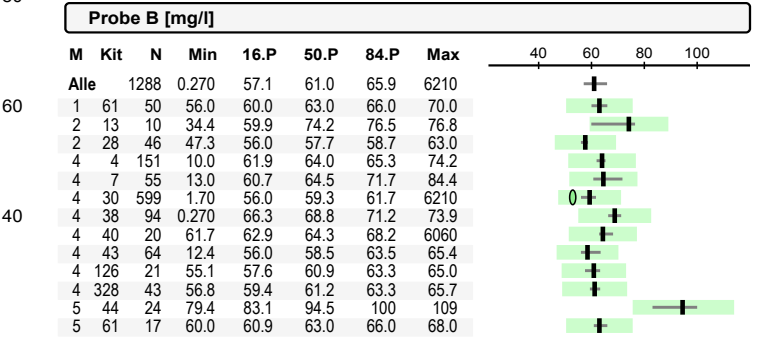
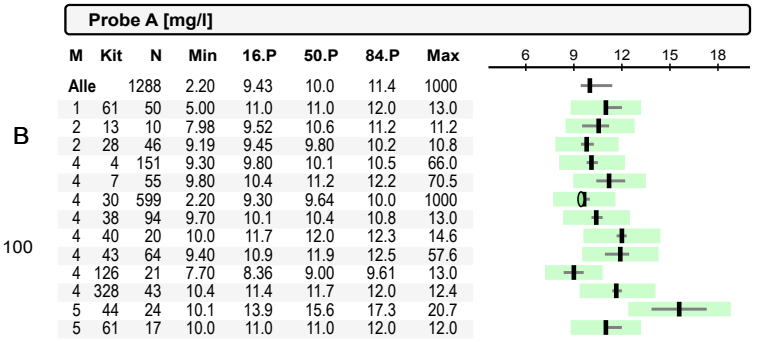
Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des
zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt:

A 0 %
B 5.1 %

Andere Kits (Anzahl):
1-28(1), 1-30(1), 2-04(1), 2-30(1), 2-126(1), 2-140(1), 2-228(2), 4-12(1), 4-28(1), 4-154(1), 4-328(2), 5-04(1), 5-43(1), 6-30(1), 7-38(1),



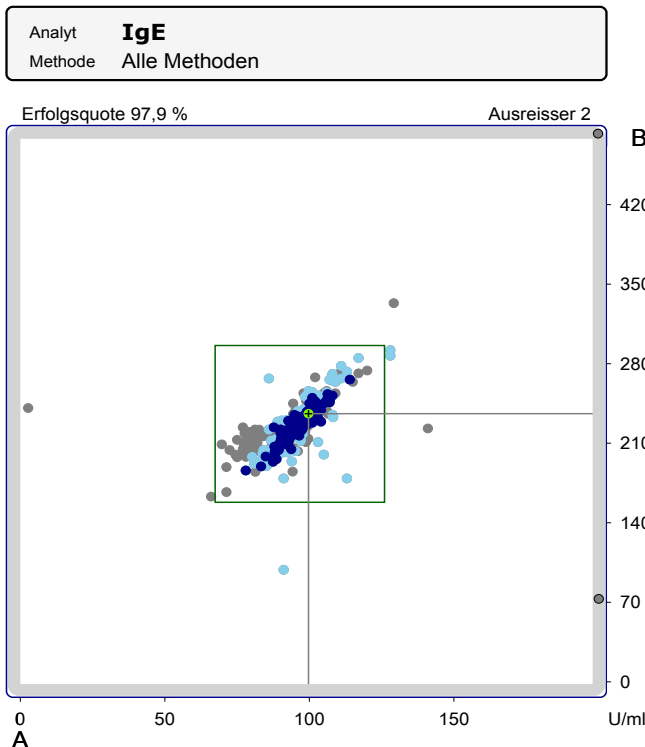
Teilnehmerzahl	1288		
Probe/Einheit	A	mg/l	B
Mittelwert	10.3		61.9
Standardabweichung	1.22		6.37
Variationskoeffizient	11.8		10.3



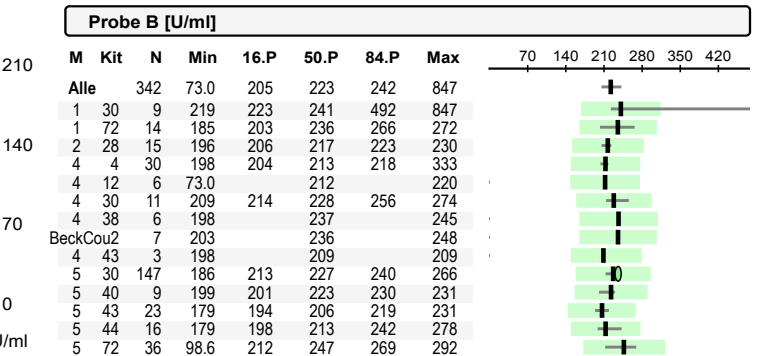
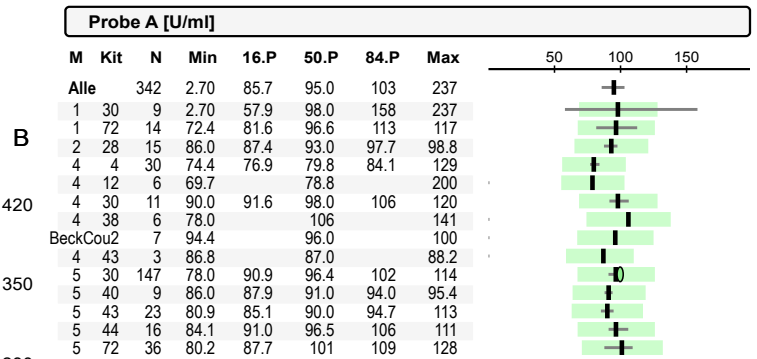
Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt:

A -1.9 %
B -10.79 %

Andere Kits (Anzahl):
1-30(3), 1-99(1), 1-159(1), 2-04(1), 2-30(1), 2-43(2), 2-228(1), 4-03(5), 4-507(7), 4-08(1), 4-12(6), 4-13(2), 4-32(1), 4-33(5), 4-36(2), 4-61(1), 4-99(3), 4-128(2), 4-140(3), 4-364(2), 5-34(1), 5-89(1), 5-99(1), 5-159(3), 6-04(1), 6-08(8), 6-30(1), 6-33(1), 6-61(1), 6-89(8), 6-99(1), 6-126(1), 6-130(8), 7-30(2), 7-33(1), 7-38(1), 7-43(1), 7-99(2), 7-151(1).



Teilnehmerzahl	342		
Probe/Einheit	A	U/ml	B
Mittelwert	94.3		224
Standardabweichung	10.8		21.6
Variationskoeffizient	11.5		9.60



Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt:

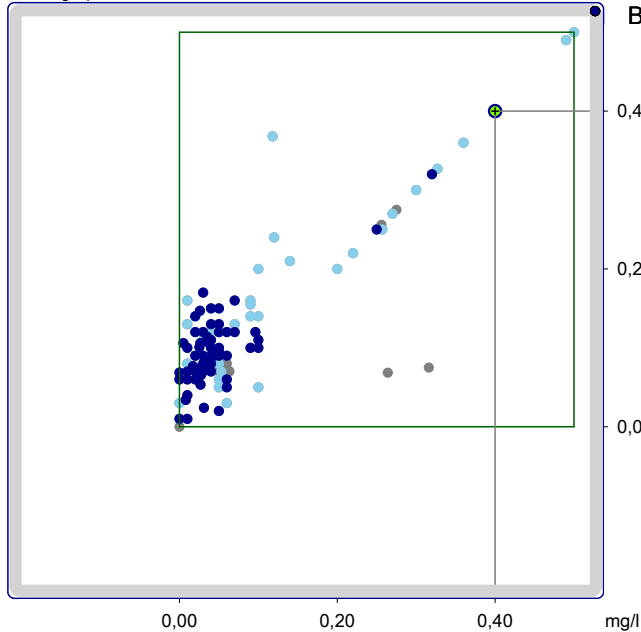
A 3.4 %
B 4.0 %

Andere Kits (Anzahl):
1-04(1), 1-44(1), 2-13(1), 3-30(1), 4-13(2), 4-16(1), 4-140(1), 5-23(1), 7-99(1).

Analyt **Cystatin C**
Methode Alle Methoden

Erfolgsquote 98,8 %

Ausreisser 3

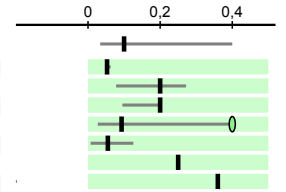


A

Teilnehmerzahl	271		
Probe/Einheit	A	mg/l	B
Mittelwert	0.182		0.203
Standardabweichung	0.152		0.134
Variationskoeffizient	83.2		66.2

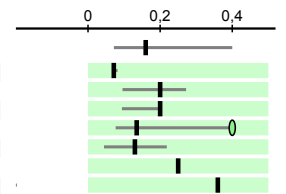
Probe A [mg/l]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle	271	0	0.033	0.100	0.400	40.0	
2	28	31	0.050	0.050	0.052	0.062	0.316
4	4	15	0.050	0.078	0.200	0.272	0.300
4	12	17	0.050	0.095	0.200	0.200	0.200
4	30	142	0	0.027	0.093	0.400	40.0
4	38	16	0	0.007	0.055	0.126	0.400
4	43	31	0.050	0.250	0.250	0.250	2.50
4	140	3	0.327	0.360	0.360	0.400	



Probe B [mg/l]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle	271	0	0.071	0.160	0.400	40.0	
2	28	31	0.052	0.068	0.071	0.081	0.300
4	4	15	0.060	0.095	0.200	0.272	0.300
4	12	17	0.030	0.094	0.200	0.200	0.200
4	30	142	0.010	0.076	0.135	0.400	40.0
4	38	16	0	0.044	0.130	0.218	0.400
4	43	31	0.080	0.250	0.250	0.250	2.50
4	140	3	0.327	0.360	0.360	0.400	



Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt:

A	330 %
B	196 %

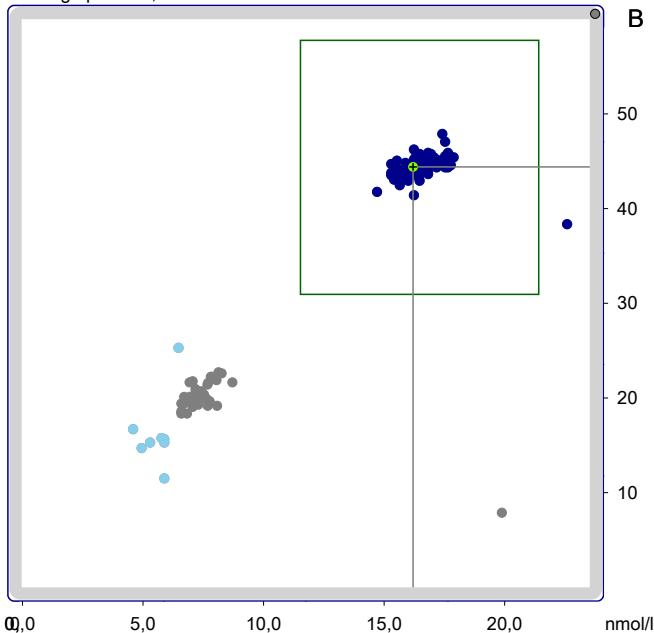
Andere Kits (Anzahl):

2-43(1), 2-228(1), 2-295(2), 4-13(1), 4-16(2), 4-28(1), 4-36(2), 4-40(1), 4-99(1), 4-108(2), 4-295(1), 7-99(1),

Analyt **Lösl.Transf.Rez.**
Methode Alle Methoden

Erfolgsquote 94,2 %

Ausreisser 1

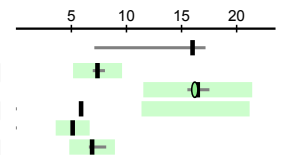


A

Teilnehmerzahl	140		
Probe/Einheit	A	nmol/l	B
Mittelwert	13.3		35.7
Standardabweichung	4.64		12.2
Variationskoeffizient	34.8		34.0

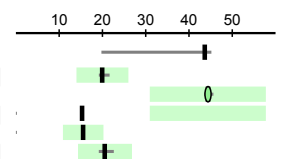
Probe A [nmol/l]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle	140	4.59	7.09	16.0	17.2	7176	
2	28	30	6.59	6.94	7.37	8.05	7176
4	30	91	14.7	15.5	16.5	17.5	22.6
4	43	5	5.88		5.88		6.47
4	154	4	4.59		5.12		5.76
5	13	10	6.59	6.59	6.88	8.16	8.26



Probe B [nmol/l]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle	140	7.88	19.8	43.6	45.2	19765	
2	28	30	7.88	19.2	19.9	21.7	19765
4	30	91	38.4	43.5	44.4	45.6	47.9
4	43	5	11.5		15.3		25.3
4	154	4	14.7		15.5		16.7
5	13	10	18.4	19.2	20.5	22.6	22.7

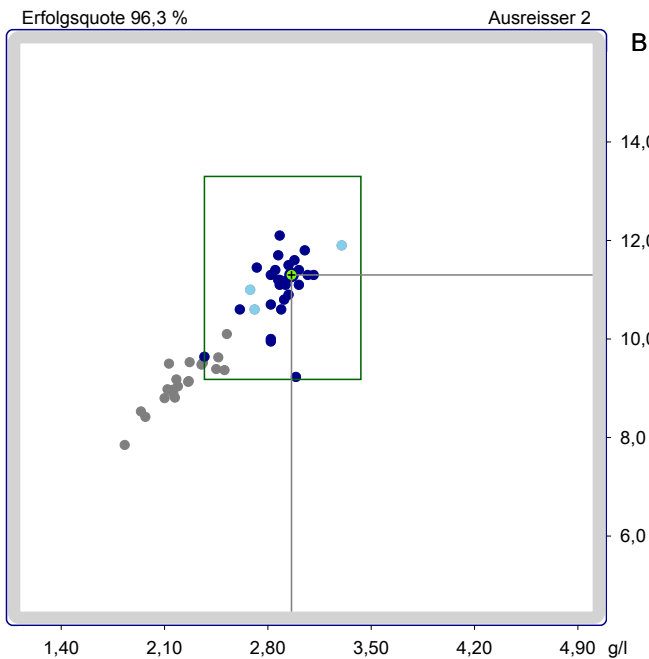


Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt:

A	-1.6 %
B	0 %

Andere Kits (Anzahl):

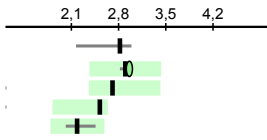
Analyt **IgG1**
Methode Alle Methoden



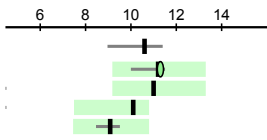
Teilnehmerzahl	55		
Probe/Einheit	A	g/l	B
Mittelwert	2.63		10.3
Standardabweichung	0.367		1.10
Variationskoeffizient	14.0		10.7

B

Probe A [g/l]							
M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		55	1.83	2.17	2.82	2.99	11.4
2	28	30	2.37	2.82	2.90	3.01	11.4
2	43	3	2.68		2.71		3.30
4	30	2	2.52		2.52		2.52
4	140	20	1.83	2.02	2.19	2.46	8.37



Probe B [g/l]							
M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		55	2.06	8.97	10.6	11.4	12.1
2	28	30	2.76	10.0	11.2	11.5	12.1
2	43	3	10.6		11.0		11.9
4	30	2	10.1		10.1		10.1
4	140	20	2.06	8.46	9.09	9.51	9.63

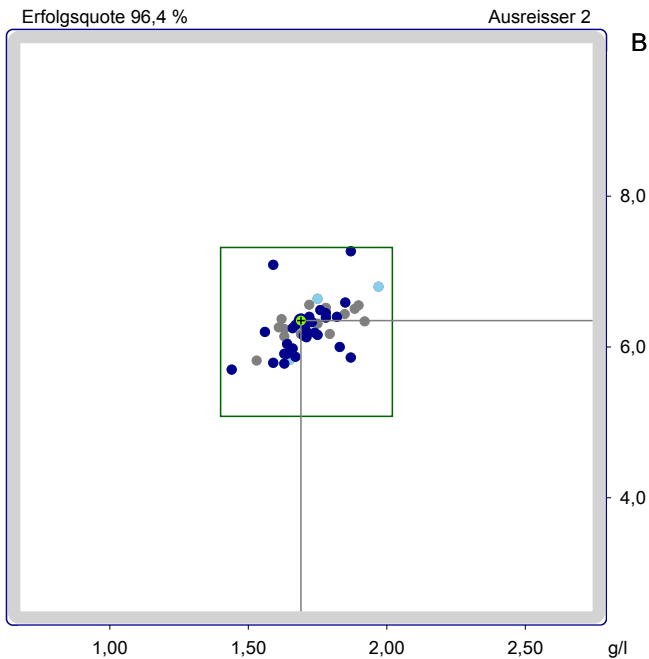


Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt:

A	2.0 %
B	0.8 %

Andere Kits (Anzahl):

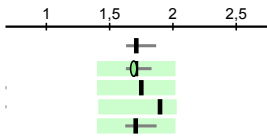
Analyt **IgG2**
Methode Alle Methoden



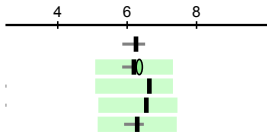
Teilnehmerzahl	56		
Probe/Einheit	A	g/l	B
Mittelwert	1.72		6.26
Standardabweichung	0.106		0.310
Variationskoeffizient	6.15		4.95

B

Probe A [g/l]							
M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		56	1.44	1.63	1.71	1.87	6.15
2	28	30	1.44	1.63	1.71	1.83	6.15
2	43	3	1.65		1.75		1.97
4	30	2	1.90		1.90		1.90
4	140	20	1.53	1.62	1.71	1.87	6.10



Probe B [g/l]							
M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		56	1.65	5.86	6.26	6.52	7.27
2	28	30	1.68	5.86	6.20	6.45	7.27
2	43	3	5.83		6.64		6.80
4	30	2	6.55		6.55		6.55
4	140	20	1.65	5.91	6.29	6.48	6.56



Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt:

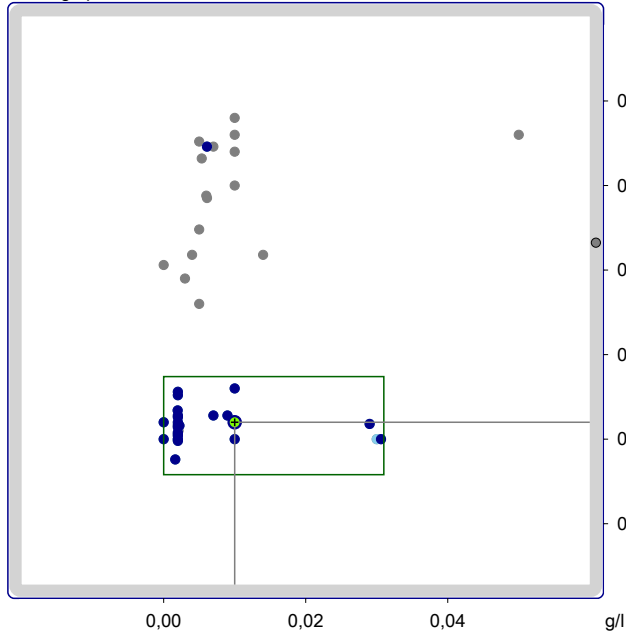
A	-1.0 %
B	2.5 %

Andere Kits (Anzahl):
1-28(1),

Analyt **IgG3**
Methode Alle Methoden

Erfolgsquote 87,5 %

Ausreisser 3



A

Teilnehmerzahl	56		
Probe/Einheit	A	g/l	B
Mittelwert	0.007		0.213
Standardabweichung	0.009		0.071
Variationskoeffizient	125		33.8

Probe A [g/l]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max	
Alle	56		0	0.002	0.005	0.013	0.320	
2	28	30	0	0.002	0.002	0.010	0.166	
2	43	3	0.002		0.002		0.030	
4	30	2	0.014		0.014		0.014	
4	140	20	0	0.004	0.008	0.035	0.320	

B

Probe B [g/l]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max	
Alle	56		0.003	0.150	0.164	0.320	0.340	
2	28	30	0.003	0.150	0.158	0.167	0.323	
2	43	3	0.150		0.150		0.159	
4	30	2	0.259		0.259		0.259	
4	140	20	0.010	0.248	0.300	0.330	0.340	

Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt:

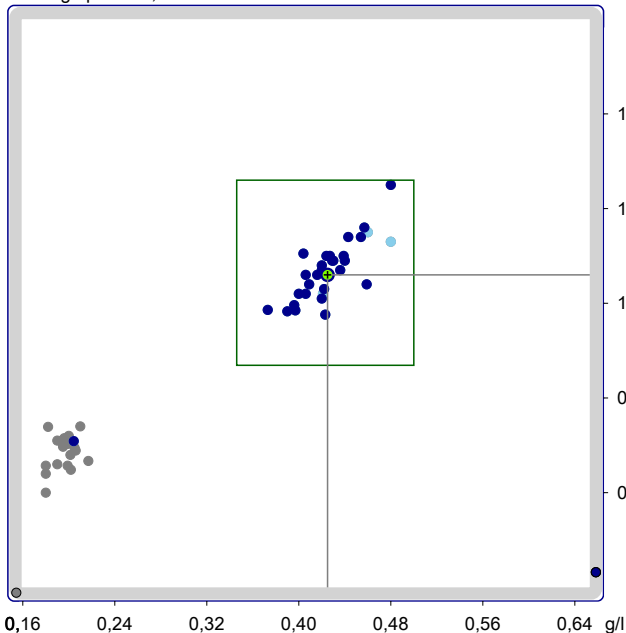
A 400 %
B 1.2 %

Andere Kits (Anzahl):
1-28(1),

Analyt **IgG4**
Methode Alle Methoden

Erfolgsquote 92,9 %

Ausreisser 3



A

Teilnehmerzahl	57		
Probe/Einheit	A	g/l	B
Mittelwert	0.337		0.922
Standardabweichung	0.115		0.196
Variationskoeffizient	34.1		21.2

Probe A [g/l]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max	
Alle	57		0.180	0.195	0.406	0.442	1.10	
2	28	31	0.204	0.397	0.423	0.453	1.10	
2	43	3	0.421		0.460		0.480	
4	30	2	0.195		0.195		0.195	
4	140	20	0.180	0.181	0.199	0.209	0.690	

B

Probe B [g/l]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max	
Alle	57		0.180	0.669	1.00	1.10	1.25	
2	28	31	0.432	0.985	1.06	1.10	1.25	
2	43	3	1.02		1.13		1.15	
4	30	2	0.697		0.697		0.697	
4	140	20	0.180	0.642	0.689	0.719	0.740	

Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt:

A 0.4 %
B 0 %

Andere Kits (Anzahl):
1-28(1),