

Medizinische Hochschule Hannover
Institut für Klinische Chemie
Prof. Dr. med. Brand
z.Hd. Dr. Grote-Koska
Carl-Neuberg-Str. 1
30625 Hannover

Ringversuch: **IG4/25**
im Monat: **Oktober 2025**
Teilnehmer-Nr.: **0000002**
Gültig ab: **04.10.25**



Seite 2 von 12

Medizinische Hochschule Hannover
Institut für Klinische Chemie und Zentrallabor
Prof. Dr. med. Brand
z.Hd. Dr. Grote-Koska
Carl-Neuberg-Str. 1
30625 Hannover



Bonn, 15. Oktober 2025

Zertifikat

Wir bestätigen Ihnen hiermit, dass Sie am Ringversuch für Proteinbestimmungen im Serum teilgenommen haben.

Dieses Zertifikat ist gemäß aktueller Version der RiliBÄK gültig bis einschließlich April 2026.

Sie haben die Anforderungen des Ringversuches für folgende Messgrößen erfüllt:

Albumin	(4)	Transferrin	(4)	IgA	(4)
IgG	(4)	IgM	(4)	a1-Antitrypsin	(4)
Coeruloplasmin	(4)	Haptoglobin	(4)	C3-Komplement	(4)
C4-Komplement	(4)	CRP	(4)	IgE	(5)
Cystatin C	(4)	Lösl.Transf.Rez.	(4)	IgG1	(2)
IgG2	(2)	IgG3	(2)	IgG4	(2)

Prof. Dr. Dr. K. P. Kohse
Ringversuchsleitung

Dr. Anja Kessler
Leitung Referenzinstitut

Dr. Marika Enders
EQAS-Board

Die hinter jedem Analyten angegebene Ziffer kennzeichnet die angewendete Analysenmethode.
Die Zuordnung der Ziffer zur jeweiligen Methode ist der Gesamtauswertung zu entnehmen.

Dieses Zertifikat ist in Verbindung mit dem Abschlussbericht vom 09.10.25 gültig.
Dieser steht im RfB-Online System zum Download zur Verfügung.

Auflistung und Bewertung aller Ihrer Ergebnisse

Erläuterungen

Zertifikat

Ein Zertifikat wird nur dann für eine Messgrösse ausgestellt, wenn die Grundlagen für die Bewertung der Richtigkeit durch die Richtlinie der Bundesärztekammer gegeben ist bzw. wenn eine Bewertung in Analogie zu dieser Richtlinie (s. Hinweise zur Auswertung) möglich ist, und wenn beide Ergebnisse innerhalb der vorgegebenen Grenzen liegen. (Kennzeichnung unter B: +)

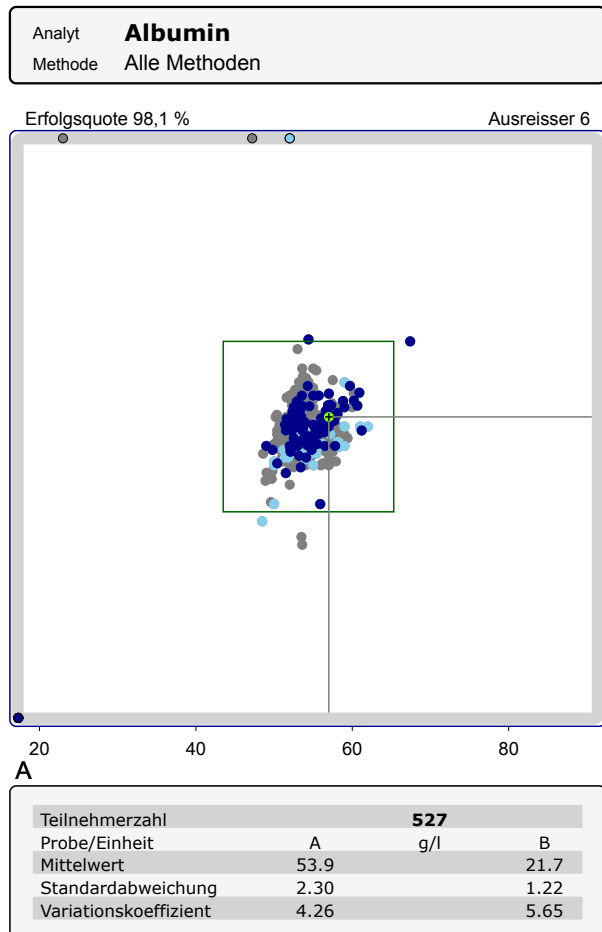
Teilnahmebescheinigung

In der Teilnahmebescheinigung sind alle Messgrössen aufgeführt, welche die Liste auf dieser Seite enthält.

Wenn alle untersuchten Messgrössen im Zertifikat aufgeführt sind, entfällt der Ausdruck einer Teilnahmebescheinigung.

Zeichenerklärung: B=Bewertung, M=Methoden-Nr., E=Ihr Ergebnis, D=Abweichung (E-ZW) Dmax=Betrag der maximal zulässigen Messabweichung, z. T. vorgegeben durch die Anlage 1 der jeweils gültigen Richtlinie der BÄK. ZW=Zielwert, ggf. Referenzmethodenwert o. Sollwert, UG OG = untere bzw. obere Grenze	Bewertung: + = erfüllt (Quotient D/Dmax ≤ 1.0) - = nicht erfüllt (Quotient D/Dmax > 1.0 ± = Bewertung entfällt aus analytischen oder technischen Gründen
---	--

	B	M	E	D/Dmax	ZW	UG	OG								
Albumin [g/l]	+	4	A	57.0	0.23	54.4	43.5	65.3							
			B	22.5	0.11	22.0	17.6	26.4							
Transferrin [g/l]	+	4	A	4.41	-0.34	4.60	4.04	5.16							
			B	1.29	-0.41	1.36	1.19	1.53							
IgA [g/l]	+	4	A	4.17	-0.01	4.18	3.34	5.02							
			B	0.970	-0.15	1.00	0.800	1.20							
IgG [g/l]	+	4	A	23.1	-0.12	23.6	19.3	27.9							
			B	4.68	-0.32	4.97	4.07	5.87							
IgM [g/l]	+	4	A	3.80	0.14	3.66	2.70	4.62							
			B	0.510	0.24	0.480	0.355	0.605							
a1-Antitrypsin [g/l]	+	4	A	1.82	0.01	1.81	1.26	2.36							
			B	0.730	-0.13	0.760	0.532	0.988							
Coeruloplasmin [mg/l]	+	4	A	283	0.14	271	189	353							
			B	103	0.10	100	70.0	130							
Haptoglobin [g/l]	+	4	A	2.09	-0.02	2.10	1.47	2.73							
			B	0.670	0.05	0.660	0.462	0.858							
C3-Komplement [g/l]	+	4	A	0.890	-0.11	0.920	0.644	1.20							
			B	0.410	0	0.410	0.287	0.533							
C4-Komplement [g/l]	+	4	A	0.100	-0.30	0.110	0.077	0.143							
			B	0.030	0	0.030	0	0.080							
CRP [mg/l]	+	4	A	71.6	-0.40	77.9	62.3	93.5							
			B	9.10	-0.26	9.59	7.67	11.6							
IgE [U/ml]	+	5	A	186	0.14	178	124	232							
			B	99.8	0.11	96.4	67.4	126							
Cystatin C [mg/l]	+	4	A	0.400	0.74	0.105	0	0.500							
			B	0.400	0.76	0.070	0	0.500							
Lösl. Transf. Rez. [nmol/l]	+	4	A	58.6	-0.05	59.5	41.6	77.5							
			B	16.7	0.06	16.4	11.4	21.3							
IgG1 [g/l]	+	2	A	15.2	0.34	14.3	11.7	16.9							
			B	2.92	0.05	2.89	2.36	3.42							
IgG2 [g/l]	+	2	A	8.70	-0.03	8.74	7.16	10.4							
			B	1.72	0	1.72	1.41	2.03							
IgG3 [g/l]	+	2	A	0.210	-0.20	0.218	0.178	0.258							
			B	0.010	0.25	0.002	0	0.033							
IgG4 [g/l]	+	2	A	1.32	-0.46	1.44	1.18	1.70							
			B	0.385	-0.43	0.418	0.342	0.494							



Probe A [g/l]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle	527	0.051	52.0	53.7	56.0	67.4	
2	13	6	0.550	53.7	56.6		
2	28	15	52.3	53.2	57.5		
4	4	12	50.0	51.6	55.8		
4	30	115	0.051	52.4	57.0		
4	38	6	50.0	51.6	55.0		
4	43	7	52.0	54.5	58.0		
4	328	8	48.5	51.3	58.6		
7	4	68	50.0	52.0	55.3		
7	30	187	23.0	51.4	52.9		
7	38	33	49.8	51.1	52.2		
7	43	38	52.8	54.0	56.0		
7	328	7	56.0	57.5	59.4		

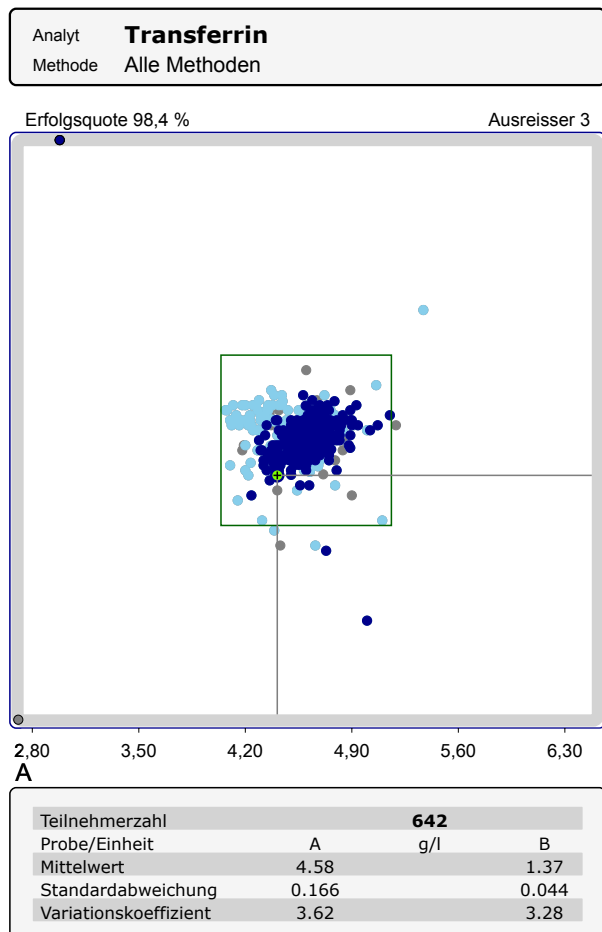
Probe B [g/l]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle	527	0.020	20.6	21.6	22.9	55.0	
2	13	6	0.230	20.1	21.4		
2	28	15	20.2	21.4	22.3		
4	4	12	20.0	20.3	21.1		
4	30	115	0.020	21.0	22.0		
4	38	6	20.2	20.8	22.0		
4	43	7	20.5	21.0	22.0		
4	328	8	17.1	18.4	21.4		
7	4	68	19.0	20.0	21.0		
7	30	187	18.1	21.4	22.2		
7	38	33	19.7	20.4	21.3		
7	43	38	20.0	20.6	21.0		
7	328	7	20.0	20.7	21.7		

Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt:

	A	B
A	4.7 %	
B		2.1 %

Andere Kits (Anzahl):
1-04(1), 1-30(3), 2-30(2), 2-38(1), 2-43(2), 2-140(1), 4-12(1), 4-13(1), 4-140(3), 5-38(1), 6-08(1), 6-28(1), 7-13(2), 7-40(1), 7-126(3), 7-166(1),



Probe A [g/l]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle	642	1.35	4.42	4.60	4.72	5.37	
2	28	8	4.18	4.28	4.57		
4	4	97	4.35	4.47	4.60		
4	30	393	1.35	4.50	4.60		
4	38	52	4.10	4.57	4.66		
4	43	52	4.07	4.14	4.28		
4	126	6	4.31	4.73	5.06		
4	328	12	4.40	4.52	4.62		

Probe B [g/l]

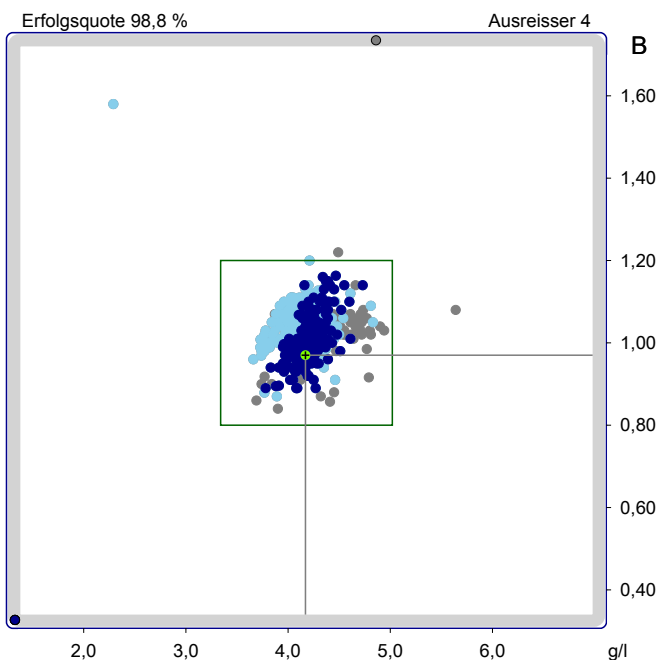
M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle	642	1.00	1.33	1.37	1.40	4.57	
2	28	8	1.26	1.29	1.35		
4	4	97	1.30	1.35	1.38		
4	30	393	1.00	1.33	1.36		
4	38	52	1.15	1.31	1.35		
4	43	52	1.24	1.38	1.40		
4	126	6	1.20	1.38	1.47		
4	328	12	1.20	1.32	1.33		

Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt:

	A	B
A	-4.1 %	
B		-5.1 %

Andere Kits (Anzahl):
1-04(2), 1-30(2), 2-08(1), 2-13(2), 2-30(2), 2-38(1), 2-43(2), 2-99(1), 4-13(2), 4-16(1), 4-128(1), 5-04(1), 5-30(1), 7-30(1), 7-43(2),

Analyt **IgA**
Methode Alle Methoden



Teilnehmerzahl	532		
Probe/Einheit	A	g/l	B
Mittelwert	4.20		1.02
Standardabweichung	0.229		0.060
Variationskoeffizient	5.46		5.96

Probe A [g/l]								
M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max	
Alle	532		0.300	4.03	4.18	4.37	5.64	
2	13	9	3.69	3.72	4.12	4.59	4.79	
2	28	41	3.87	4.43	4.61	4.77	5.64	
2	43	4	4.06		4.13		4.94	
4	4	81	3.98	4.08	4.21	4.36	4.83	
4	30	287	0.300	4.08	4.18	4.30	4.73	
4	38	39	3.78	3.92	4.04	4.20	4.27	
4	43	42	3.66	3.75	3.93	4.11	4.25	
4	126	4	4.22		4.35		4.50	
4	140	5	3.77		4.08		4.26	
4	328	5	4.35		4.46		4.46	

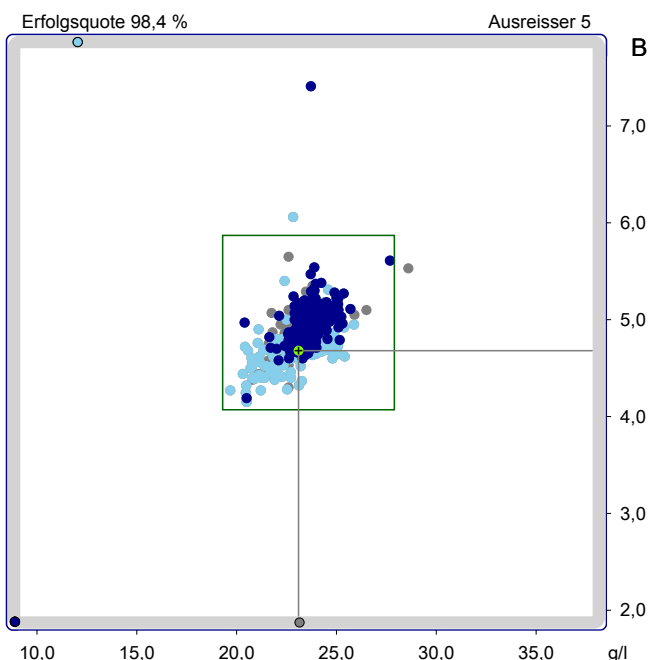
Probe B [g/l]								
M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max	
Alle	532		0.297	0.970	1.02	1.08	0.97	
2	13	9	0.840	0.850	0.880	0.912	0.916	
2	28	41	0.980	1.02	1.04	1.07	4.97	
2	43	4	1.03		1.05		1.05	
4	4	81	0.970	1.02	1.05	1.09	1.14	
4	30	287	0.297	0.960	1.00	1.06	4.10	
4	38	39	0.993	1.01	1.06	1.10	1.20	
4	43	42	0.960	0.988	1.02	1.06	1.09	
4	126	4	0.950		1.01		1.02	
4	140	5	0.879		1.01		1.06	
4	328	5	0.910		1.02		1.10	

Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt:

A -0.2 %
B -3.0 %

Andere Kits (Anzahl):
1-04(1), 1-30(1), 2-30(2), 2-99(1), 2-126(1), 2-140(1), 4-13(2), 4-105(1), 4-128(1), 4-154(1), 5-04(1), 5-38(1), 7-30(1),

Analyt **IgG**
Methode Alle Methoden



Teilnehmerzahl	531		
Probe/Einheit	A	g/l	B
Mittelwert	23.4		4.88
Standardabweichung	1.06		0.254
Variationskoeffizient	4.54		5.21

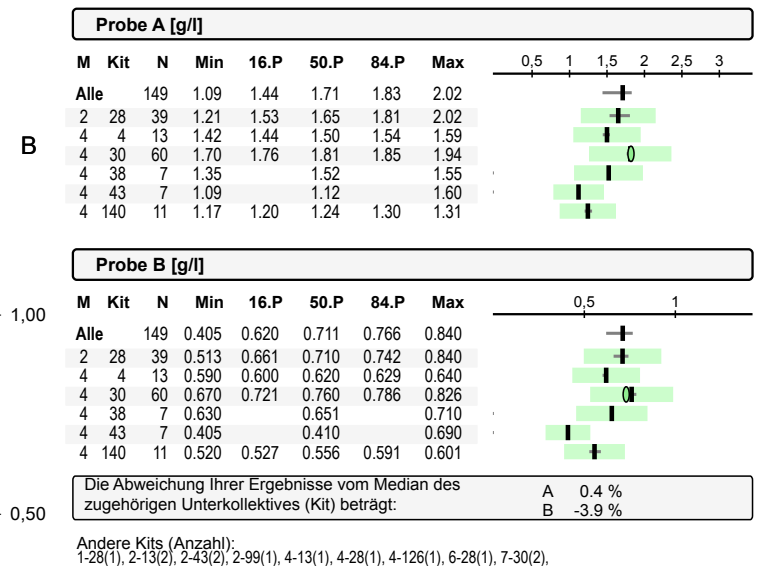
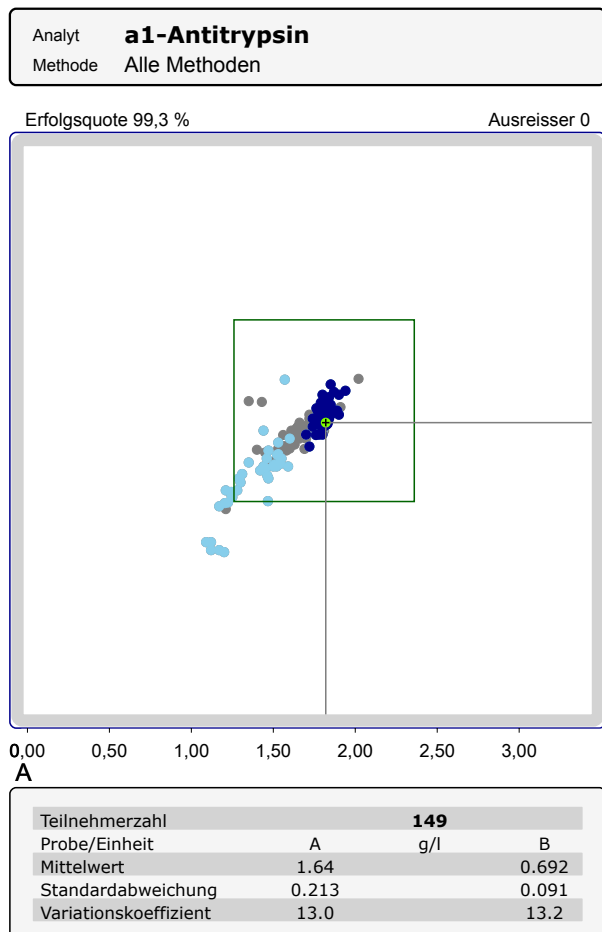
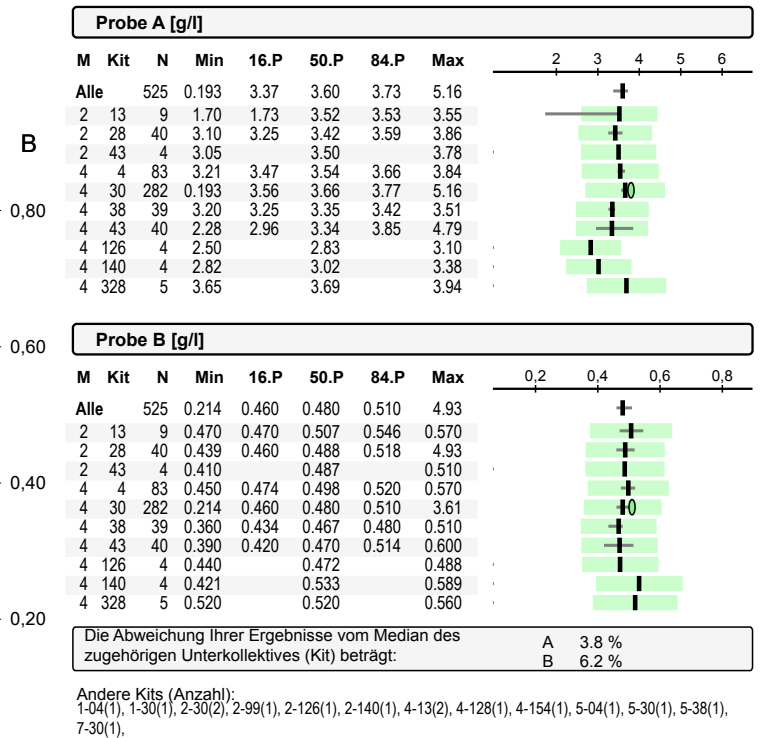
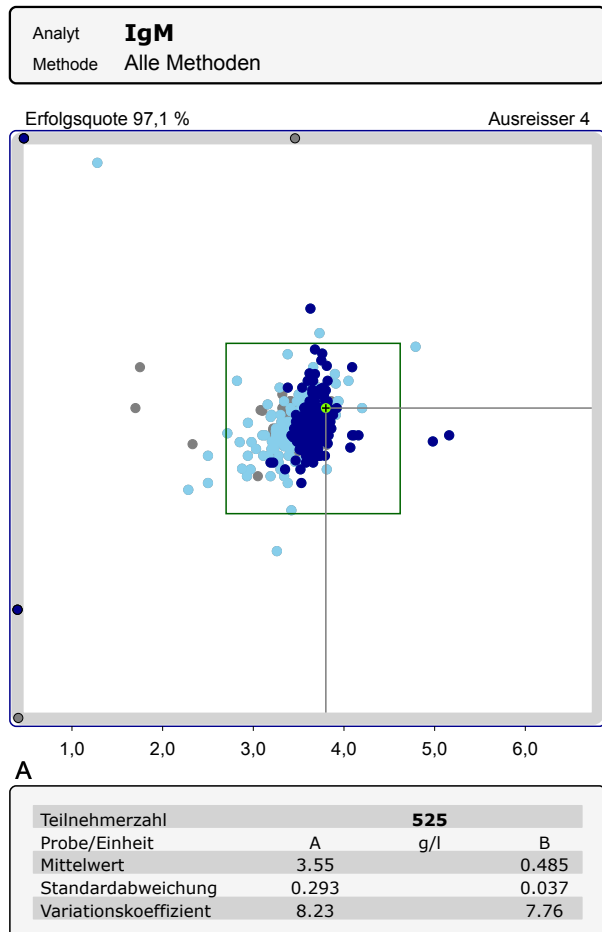
Probe A [g/l]								
M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max	
Alle	531		0.148	22.5	23.5	24.4	28.6	
2	13	10	20.8	21.4	22.3	23.1	23.8	
2	28	41	21.5	22.3	22.9	23.7	26.5	
2	43	4	22.6		22.9		23.2	
4	4	83	20.7	23.1	24.0	24.8	25.9	
4	30	288	0.148	23.1	23.6	24.4	27.7	
4	38	39	19.7	20.8	21.7	22.7	24.3	
4	43	39	20.6	22.4	22.9	23.6	24.3	
4	126	4	20.5		23.5		23.7	
4	140	4	20.5		21.2		22.6	
4	328	5	22.5		24.4		24.6	

Probe B [g/l]								
M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max	
Alle	531		0.144	4.68	4.87	5.08	24.1	
2	13	10	4.30	4.36	4.58	4.85	5.35	
2	28	41	1.08	4.75	4.94	5.08	5.29	
2	43	4	4.81		4.95		5.65	
4	4	83	4.32	4.64	4.74	4.84	5.06	
4	30	288	0.144	4.79	4.97	5.10	24.1	
4	38	39	4.27	4.39	4.52	4.70	4.90	
4	43	39	4.63	4.71	4.82	5.06	6.06	
4	126	4	4.15		4.82		5.00	
4	140	4	4.25		4.41		4.71	
4	328	5	4.70		4.80		5.31	

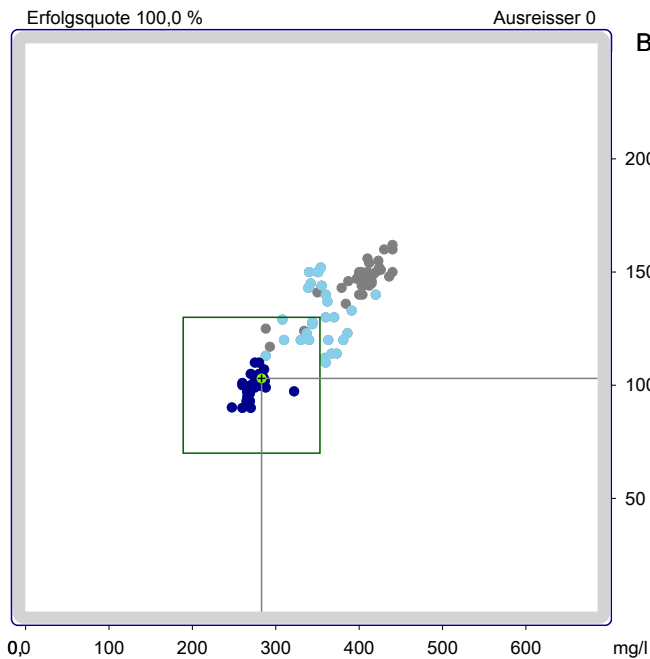
Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt:

A -2.1 %
B -5.8 %

Andere Kits (Anzahl):
1-04(1), 1-30(1), 2-30(2), 2-99(1), 2-126(1), 2-140(1), 4-13(2), 4-128(1), 4-154(1), 5-04(1), 5-38(1), 7-30(1),



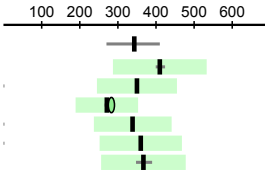
Analyt	Coeruloplasmin
Methode	Alle Methoden



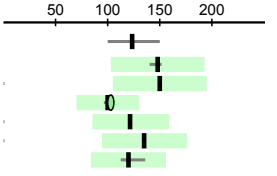
Teilnehmerzahl	124		
Probe/Einheit	A	mg/l	B
Mittelwert	339		124
Standardabweichung	61.4		22.2
Variationskoeffizient	18.1		17.9

B

Probe A [mg/l]							
M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		124	247	270	343	410	440
2	28	38	334	399	410	424	440
4	4	7	339		350		355
4	30	49	247	265	271	280	322
4	38	4	330		339		344
4	43	4	360		360		360
4	140	13	310	348	367	390	420



Probe B [mg/l]							
M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		124	90.0	100	124	150	162
2	28	38	124	140	148	152	162
4	4	7	143		150		152
4	30	49	90.0	96.4	100	104	110
4	38	4	120		122		127
4	43	4	130		135		140
4	140	13	110	113	120	136	140

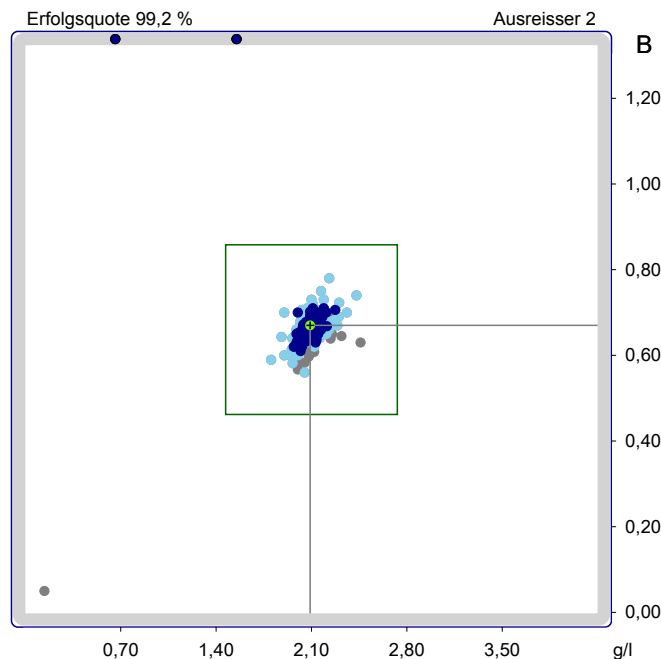


Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt:

A 4.4 %
B 3.0 %

Andere Kits (Anzahl):
1-28(1), 2-04(1), 2-13(2), 2-43(2), 2-99(1), 4-13(1), 4-45(1),

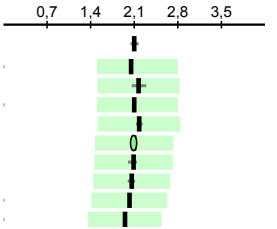
Analyt	Haptoglobin
Methode	Alle Methoden



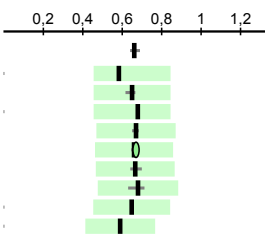
Teilnehmerzahl	398		
Probe/Einheit	A	g/l	B
Mittelwert	2.10		0.662
Standardabweichung	0.124		0.040
Variationskoeffizient	5.92		6.15

B

Probe A [g/l]							
M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		398	0.140	2.04	2.10	2.17	2.46
2	13	3	2.00		2.05		2.08
2	28	15	2.00	2.06	2.17	2.29	2.46
2	43	3	2.04		2.10		2.15
4	4	60	2.03	2.13	2.18	2.23	2.36
4	30	232	0.660	2.05	2.10	2.13	2.27
4	38	25	1.90	2.00	2.09	2.14	2.43
4	43	41	1.90	2.00	2.06	2.11	2.23
4	140	4	1.95		2.02		2.07
4	328	5	1.80		1.95		2.05



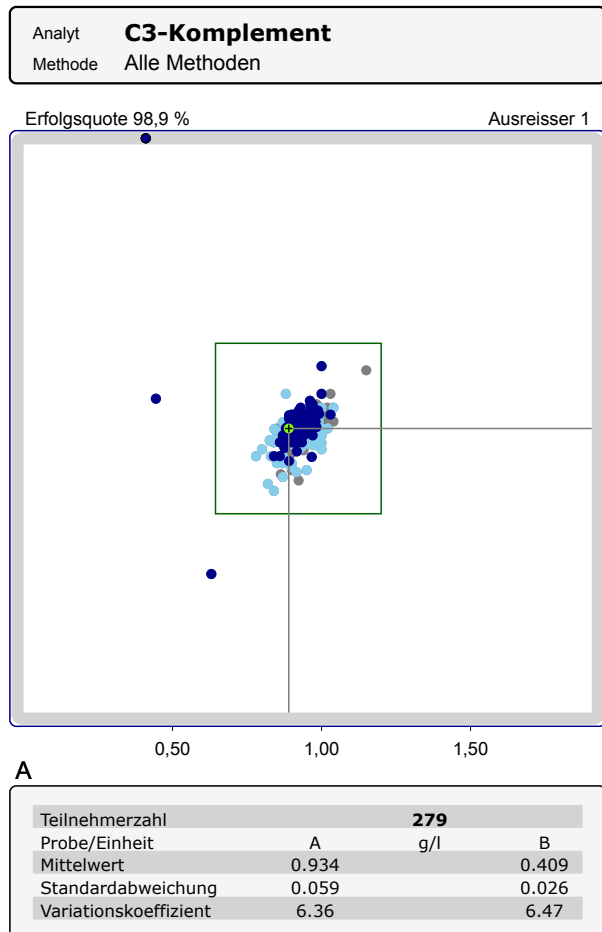
Probe B [g/l]							
M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		398	0.050	0.640	0.661	0.690	2.06
2	13	3	0.582		0.583		0.597
2	28	15	0.567	0.616	0.650	0.667	0.690
2	43	3	0.650		0.679		0.700
4	4	60	0.630	0.650	0.670	0.684	0.723
4	30	232	0.610	0.645	0.660	0.686	2.06
4	38	25	0.600	0.641	0.666	0.699	0.740
4	43	41	0.600	0.630	0.680	0.713	0.780
4	140	4	0.614		0.648		0.666
4	328	5	0.560		0.590		0.643



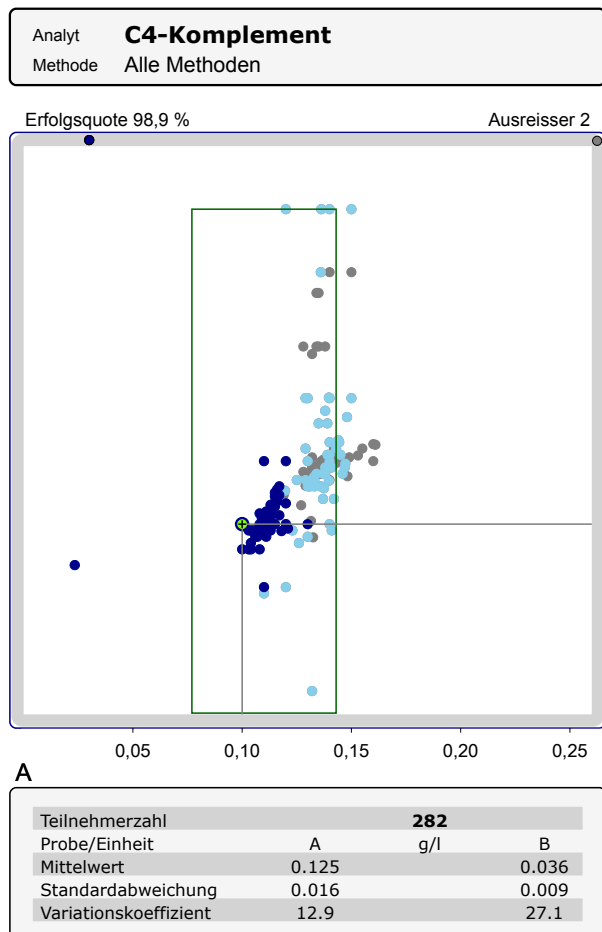
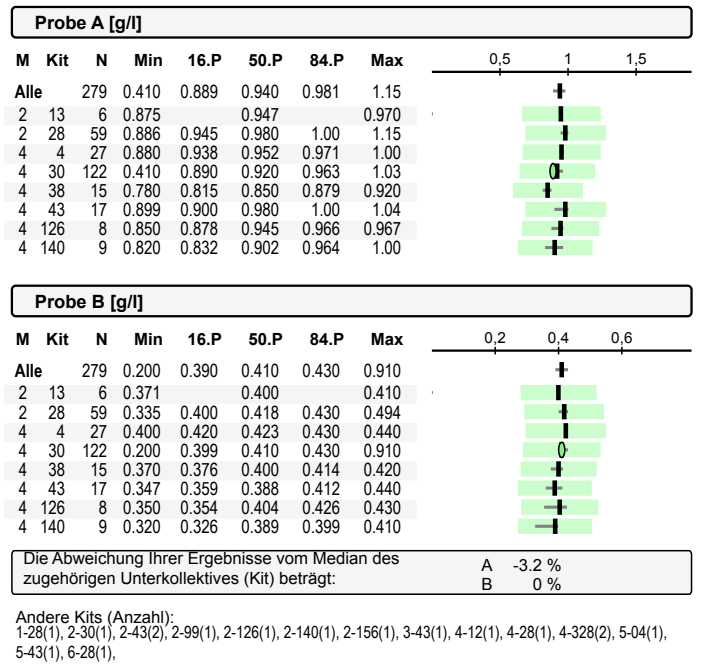
Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt:

A -0.3 %
B 1.5 %

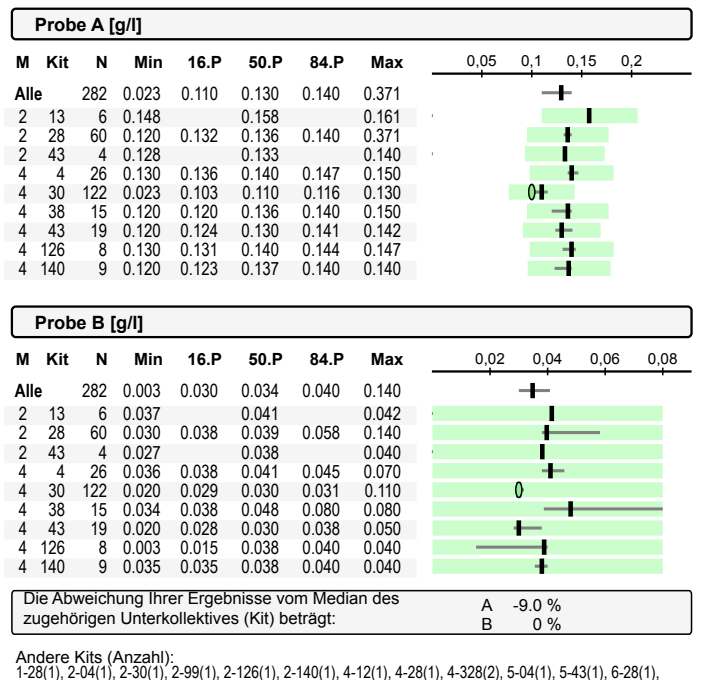
Andere Kits (Anzahl):
1-04(1), 2-99(1), 2-140(1), 4-12(1), 4-13(1), 4-45(1), 5-04(1), 6-28(1), 7-43(1), 7-201(1),

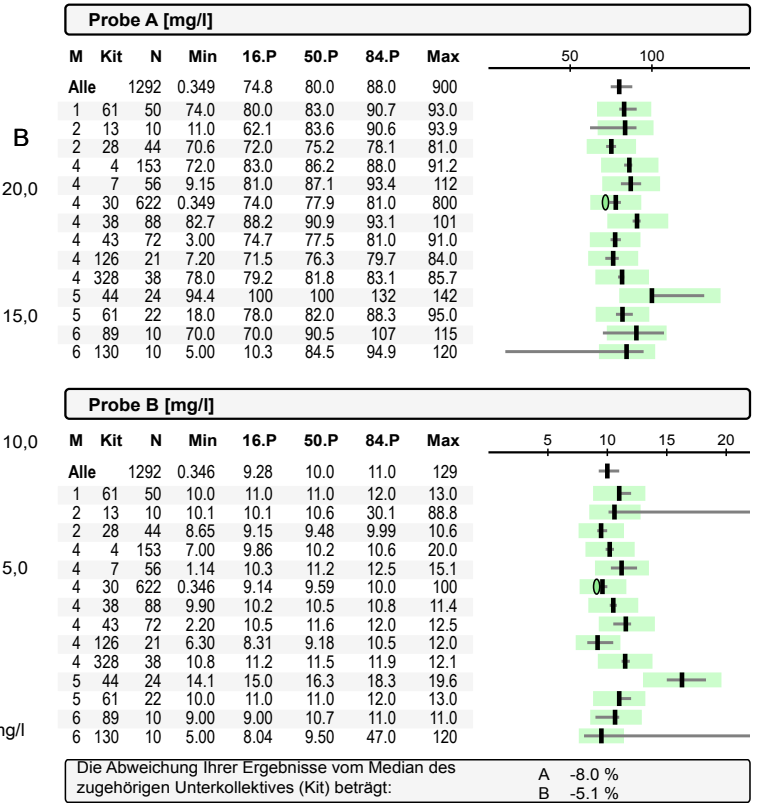
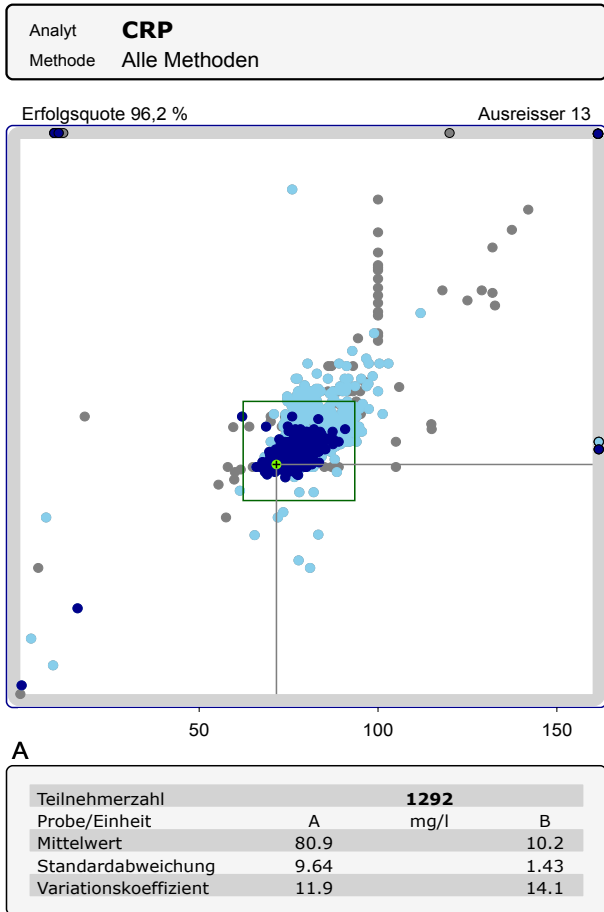


B

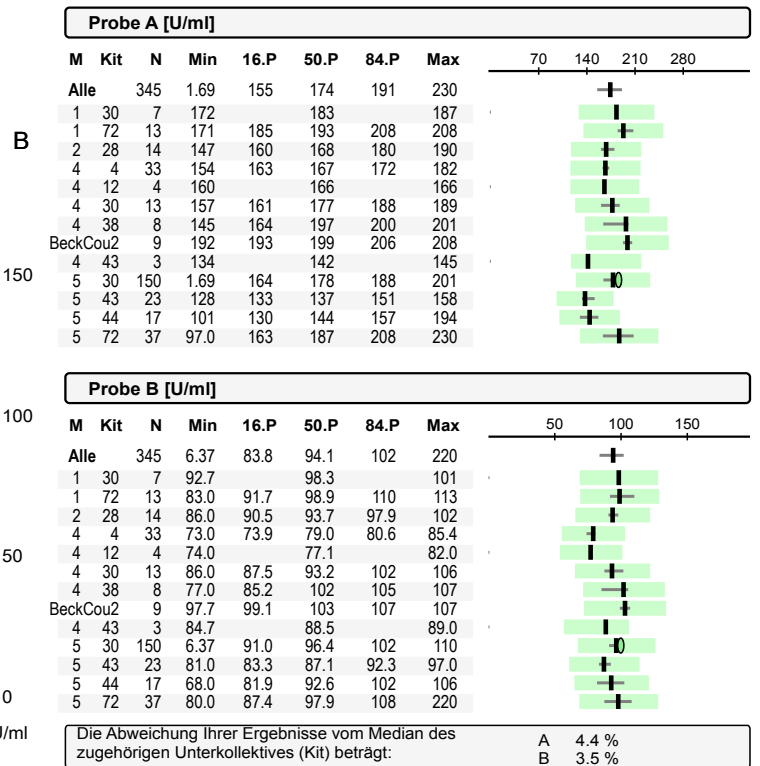
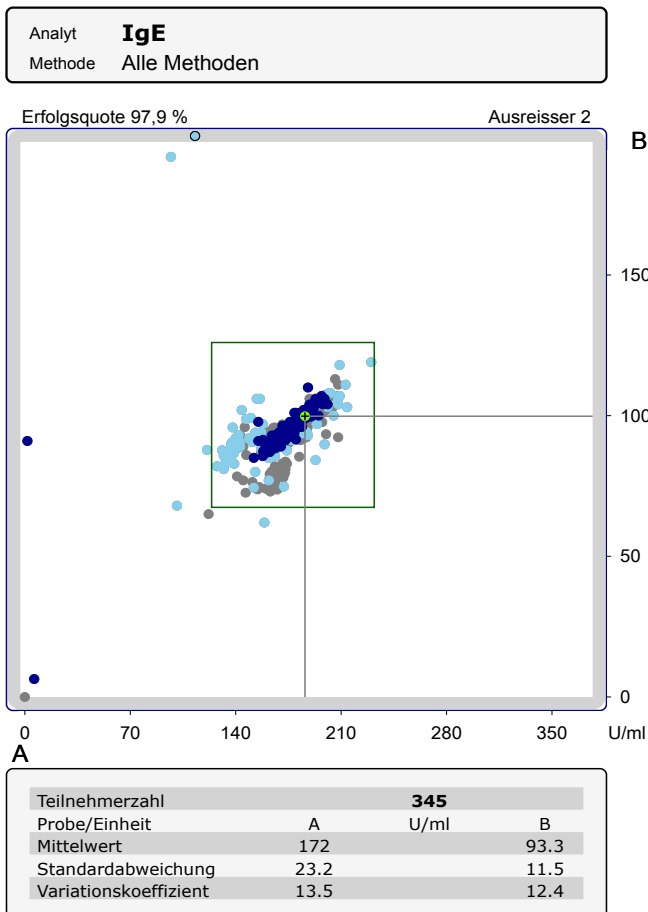


B





Andere Kits (Anzahl):
1-99(1), 1-159(1), 2-99(1), 3-159(1), 4-03(5), 4-507(7), 4-08(3), 4-12(6), 4-13(2), 4-32(1), 4-33(7), 4-34(1), 4-36(2), 4-40(4), 4-89(1), 4-99(1), 4-128(1), 4-140(2), 4-166(1), 4-168(1), 4-364(2), 5-89(1), 5-99(1), 5-159(5), 6-08(8), 6-99(1), 7-30(2), 7-99(1), 7-151(1).

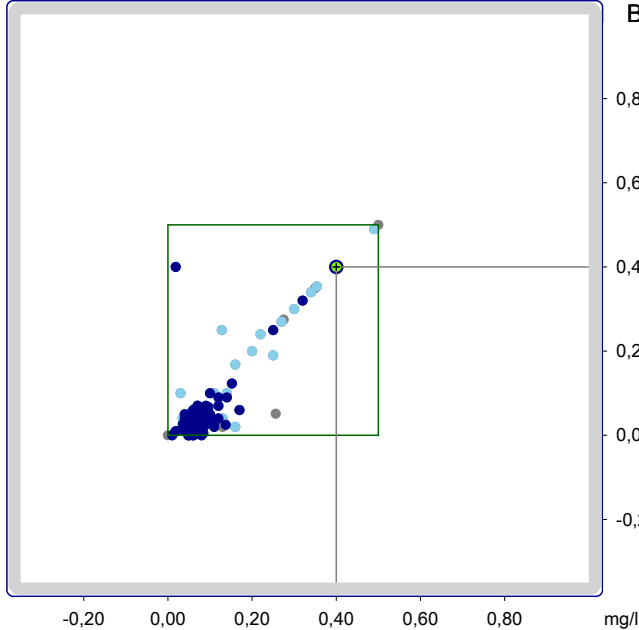


Andere Kits (Anzahl):
1-04(1), 1-43(1), 1-44(1), 2-43(1), 3-30(1), 4-13(2), 4-140(2), 5-04(2), 5-23(1), 5-40(1), 7-99(1).

Analyt **Cystatin C**
Methode Alle Methoden

Erfolgsquote 99,6 %

Ausreisser 1



A

Teilnehmerzahl	276		
Probe/Einheit	A	mg/l	B
Mittelwert	0.199		0.187
Standardabweichung	0.144		0.156
Variationskoeffizient	72.2		83.4

Probe A [mg/l]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max	
Alle	276	0	0.050	0.165	0.400	0.500		
2	28	25	0.050	0.050	0.051	0.059	0.300	
4	4	21	0.050	0.076	0.200	0.300	0.300	
4	12	15	0.050	0.078	0.200	0.200	0.200	
4	30	149	0	0.050	0.105	0.400	0.400	
4	38	18	0	0.035	0.115	0.400	0.490	
4	43	31	0.250	0.250	0.250	0.270	0.270	
4	140	3	0.340	0.354	0.400	0.400	0.400	

B

Probe B [mg/l]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max	
Alle	276	0	0.030	0.190	0.400	0.500		
2	28	25	0.050	0.050	0.051	0.053	0.300	
4	4	21	0.050	0.076	0.200	0.300	0.300	
4	12	15	0.010	0.078	0.200	0.200	0.200	
4	30	149	0	0.019	0.070	0.400	0.400	
4	38	18	0	0.020	0.052	0.400	0.490	
4	43	31	0.250	0.250	0.250	0.270	0.270	
4	140	3	0.340	0.354	0.400	0.400	0.400	

Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt:

A	281 %
B	471 %

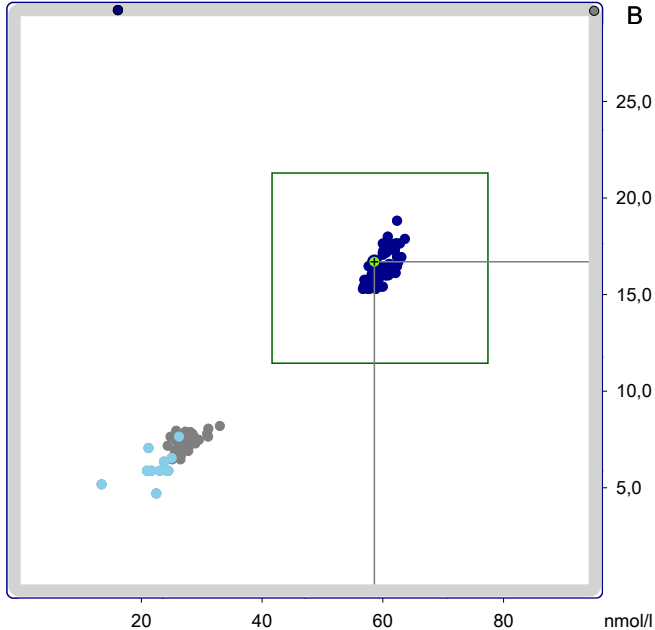
Andere Kits (Anzahl):

2-43(2), 2-99(1), 2-295(2), 4-13(1), 4-16(1), 4-36(2), 4-99(1), 4-108(1), 4-295(1), 5-38(1), 7-99(1),

Analyt **Lösl.Transf.Rez.**
Methode Alle Methoden

Erfolgsquote 96,5 %

Ausreisser 2



A

Teilnehmerzahl	143		
Probe/Einheit	A	nmol/l	B
Mittelwert	47.9		13.1
Standardabweichung	16.3		4.54
Variationskoeffizient	34.0		34.6

Probe A [nmol/l]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max	
Alle	143	13.4	26.4	58.5	61.0	371		
2	28	28	24.4	25.8	26.7	28.6	31.1	
4	30	92	16.1	58.2	59.5	61.9	63.6	
4	43	5	20.9		21.6		24.2	
4	140	2	25.0		25.6		26.2	
4	154	4	13.4		23.1		24.5	
5	13	11	25.1	25.5	26.9	60.1	371	

B

Probe B [nmol/l]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max	
Alle	143	4.71	7.25	15.9	17.2	94.1		
2	28	28	6.82	7.06	7.46	7.70	7.95	
4	30	92	15.3	15.6	16.3	17.5	58.7	
4	43	5	5.88		5.88		7.06	
4	140	2	6.54		7.09		7.65	
4	154	4	4.71		5.53		6.35	
5	13	11	6.47	6.47	7.65	15.1	94.1	

Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt:

A	-1.5 %
B	2.4 %

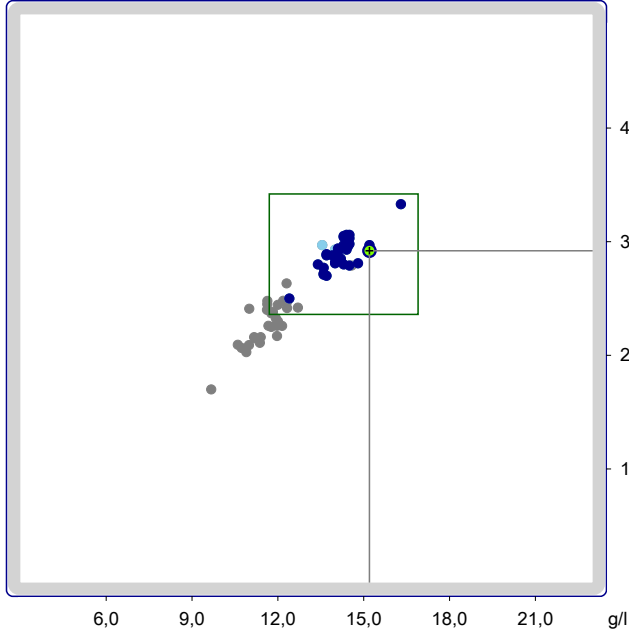
Andere Kits (Anzahl):

2-43(1),

Analyt **IgG1**
Methode Alle Methoden

Erfolgsquote 96,8 %

Ausreisser 0

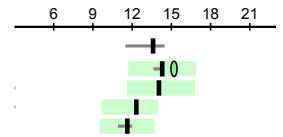


A

Teilnehmerzahl	64		
Probe/Einheit	A	g/l	B
Mittelwert	13.1		2.62
Standardabweichung	1.45		0.348
Variationskoeffizient	11.1		13.3

Probe A [g/l]

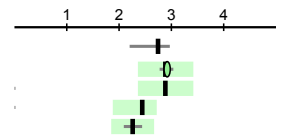
M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle	64		9.67	11.5	13.6	14.5	16.3
2	28	32	12.4	13.6	14.3	14.5	16.3
2	43	2	14.0		14.1		14.1
4	30	2	12.3		12.3		12.3
4	140	25	9.67	10.9	11.6	12.0	12.7



B

Probe B [g/l]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle	64		1.70	2.20	2.75	2.97	3.33
2	28	32	2.50	2.78	2.89	3.04	3.33
2	43	2	2.84		2.89		2.93
4	30	2	2.42		2.44		2.47
4	140	25	1.70	2.09	2.26	2.44	2.48



Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt:

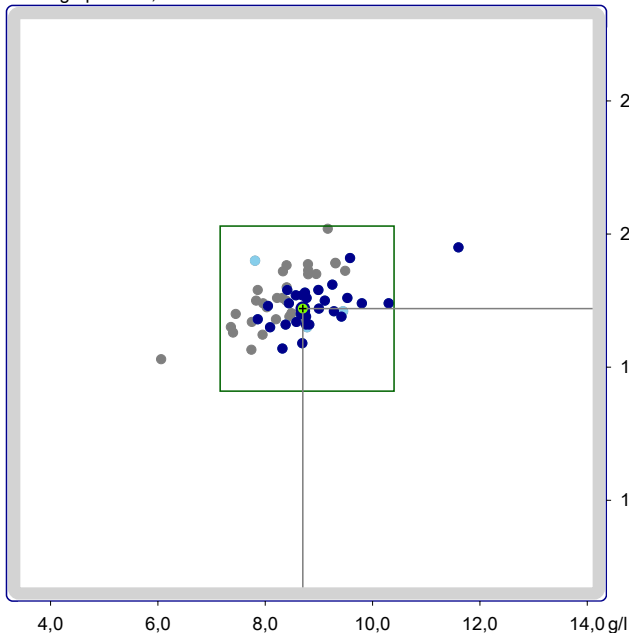
A 6.2 %
B 1.2 %

Andere Kits (Anzahl):
2-13(1), 4-13(1), 4-99(1),

Analyt **IgG2**
Methode Alle Methoden

Erfolgsquote 96,9 %

Ausreisser 0

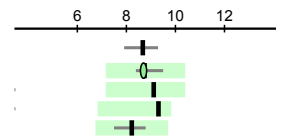


A

Teilnehmerzahl	65		
Probe/Einheit	A	g/l	B
Mittelwert	8.61		1.74
Standardabweichung	0.767		0.095
Variationskoeffizient	8.91		5.50

Probe A [g/l]

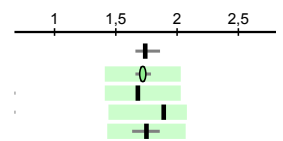
M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle	65		6.06	7.91	8.67	9.29	11.6
2	28	32	7.86	8.39	8.74	9.50	11.6
2	43	2	8.78		9.12		9.45
4	30	2	9.31		9.31		9.31
4	140	25	6.06	7.50	8.22	8.79	9.49



B

Probe B [g/l]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle	65		1.53	1.66	1.74	1.86	2.02
2	28	32	1.57	1.66	1.72	1.79	1.95
2	43	2	1.65		1.68		1.71
4	30	2	1.89		1.89		1.89
4	140	25	1.53	1.63	1.75	1.86	1.88



Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt:

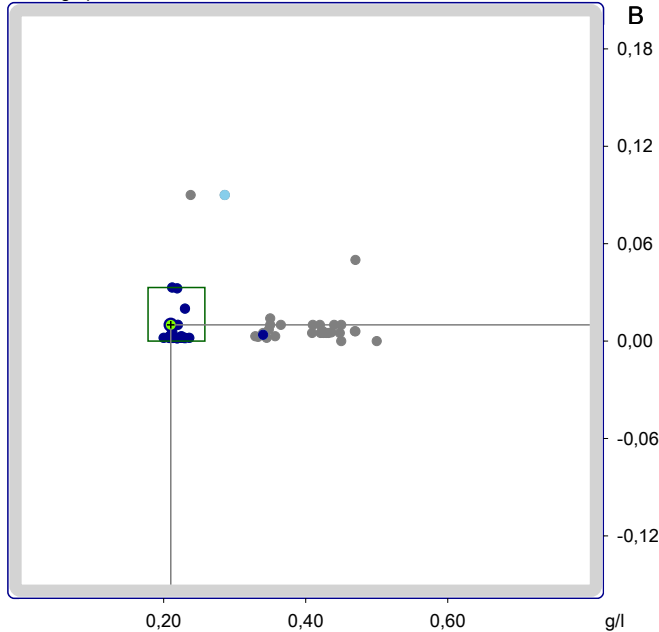
A -0.4 %
B 0 %

Andere Kits (Anzahl):
1-28(1), 2-13(1), 4-13(1), 4-99(1),

Analyt **IgG3**
Methode Alle Methoden

Erfolgsquote 89,2 %

Ausreisser 0



A

Teilnehmerzahl	65		
Probe/Einheit	A	g/l	B
Mittelwert	0.303		0.008
Standardabweichung	0.099		0.016
Variationskoeffizient	32.8		187

Probe A [g/l]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max	
Alle	65		0.200	0.212	0.230	0.430	0.500	
2	28	32	0.200	0.210	0.218	0.228	0.340	
2	43	2	0.213		0.222		0.230	
4	30	2	0.348		0.349		0.350	
4	140	25	0.329	0.351	0.424	0.466	0.500	

Probe B [g/l]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max	
Alle	65		0	0.002	0.003	0.010	0.090	
2	28	32	0.001	0.002	0.002	0.010	0.033	
2	43	2	0.001		0.001		0.002	
4	30	2	0.007		0.010		0.014	
4	140	25	0	0.003	0.005	0.010	0.050	

Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt:

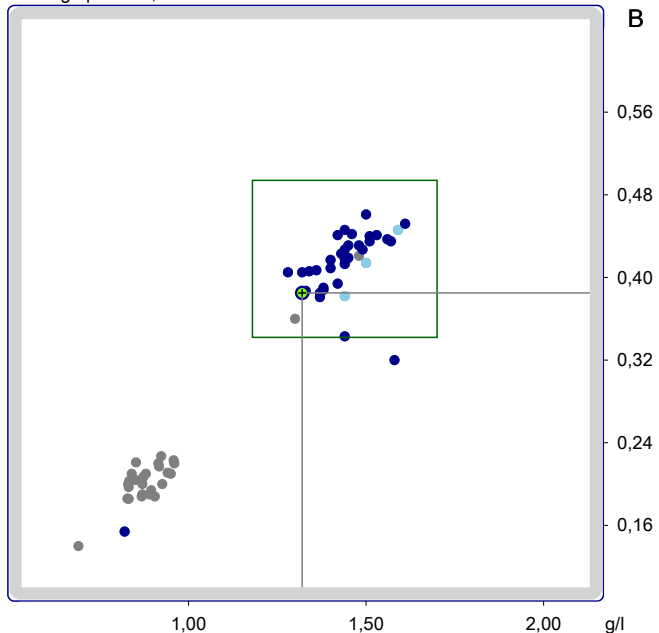
A -3.4 %
B 400 %

Andere Kits (Anzahl):
1-28(1), 2-13(1), 4-13(1), 4-99(1),

Analyt **IgG4**
Methode Alle Methoden

Erfolgsquote 94,0 %

Ausreisser 0



A

Teilnehmerzahl	67		
Probe/Einheit	A	g/l	B
Mittelwert	1.19		0.320
Standardabweichung	0.293		0.109
Variationskoeffizient	24.5		34.1

Probe A [g/l]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max	
Alle	67		0.690	0.850	1.33	1.49	1.61	
2	28	34	0.820	1.34	1.44	1.52	1.61	
2	43	2	1.50		1.55		1.59	
4	30	2	0.958		0.959		0.960	
4	140	25	0.690	0.830	0.868	0.922	0.950	

Probe B [g/l]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max	
Alle	67		0.140	0.197	0.382	0.435	0.461	
2	28	34	0.154	0.385	0.418	0.441	0.461	
2	43	2	0.414		0.430		0.446	
4	30	2	0.220		0.222		0.223	
4	140	25	0.140	0.186	0.200	0.211	0.227	

Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt:

A -8.3 %
B -7.7 %

Andere Kits (Anzahl):
1-28(1), 2-13(1), 4-13(1), 4-99(1),