

Ringversuch: **KS3/25**
im Monat: **April 2025**
Teilnehmer-Nr.: **0000002**
ausgestellt am: **05.04.25**



Referenzinstitut für Bioanalytik

Medizinische Hochschule Hannover
Institut für Klinische Chemie
Prof. Dr. med. Brand
z.Hd. Dr. Grote-Koska
Carl-Neuberg-Str. 1
30625 Hannover



Ringversuchsleiter

Prof. Dr. C. Knabbe
Prof. Dr. Dr. K.P. Kohse
Prof. Dr. M. Neumaier

Leitung RfB

Dr. A. Kessler

Bonn, 15. April 2025

Zertifikat

Wir bestätigen Ihnen hiermit, dass Sie am Ringversuch für klinisch-chemische Analyte im Serum teilgenommen haben.

Sie haben die Anforderungen des Ringversuches für folgende Messgrößen erfüllt:

Bilirubin, ges.	(2)	Cholesterin	(1)	Glucose	(1)
Harnsäure	(3)	Harnstoff	(2)	Kreatinin	(2)
Lactat	(2)	Triglyceride	(2)	Gesamtprotein	(1)
Elektrophorese	(3)	Calcium	(4)	Chlorid	(7)
Kalium	(2)	Lithium	(5)	Magnesium	(4)
Natrium	(2)	Phosphor, anorg.	(2)	Eisen	(2)
Alpha-Amylase	(1)	Cholinesterase	(1)	Alk. P.ase	(1)
CK	(1)	GLDH	(1)	AST (GOT)	(1)
ALT (GPT)	(1)	LDH	(1)	Gamma-GT	(1)
Lipase	(1)	Osmolalität	(1)		

Dieses Zertifikat ist gemäß aktueller Version der RiliBÄK gültig bis einschließlich Oktober 2025.

W. Brand *A. Kessler* *M. Enders*

Die hinter jedem Analyten angegebene Ziffer kennzeichnet die angewendete Analysenmethode.
Die Zuordnung der Ziffer zur jeweiligen Methode ist der Gesamtauswertung zu entnehmen.

Ringversuch: **KS3/25**
im Monat: **April 2025**
Teilnehmer-Nr.: **0000002**

Auflistung und Bewertung aller Ihrer Ergebnisse

Erläuterungen

Zertifikat

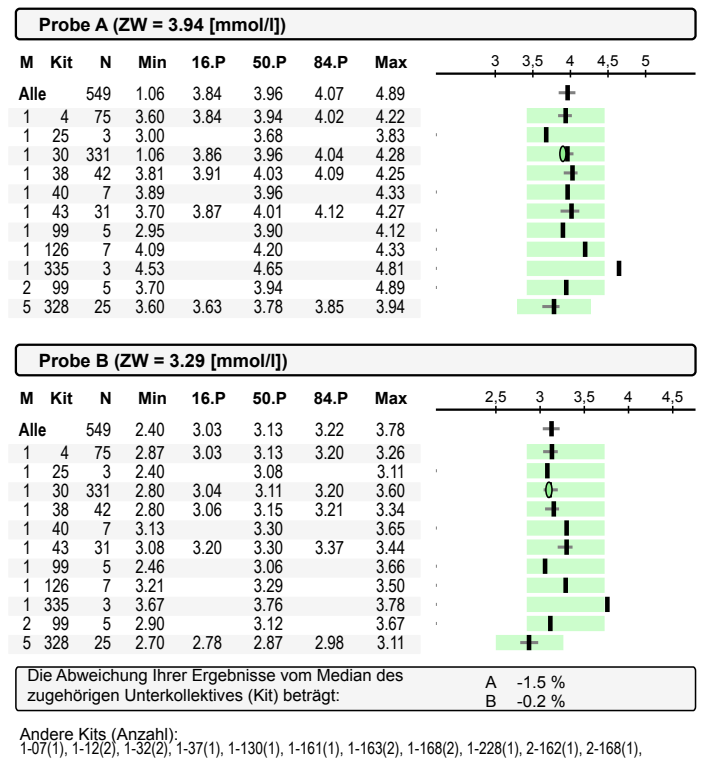
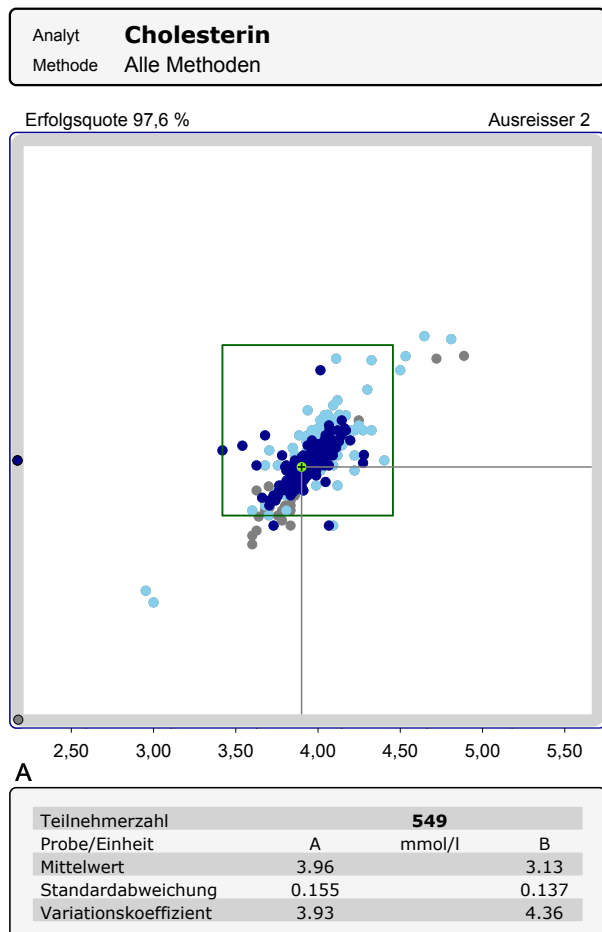
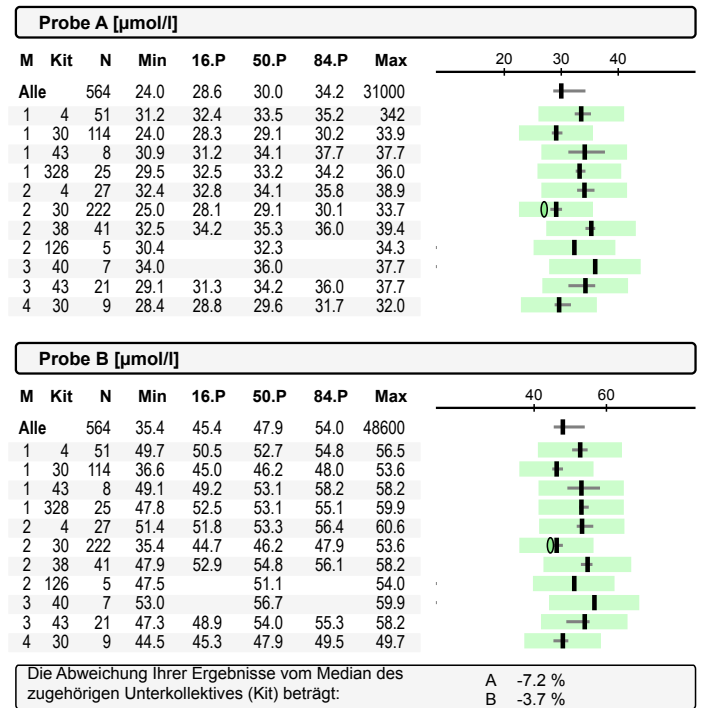
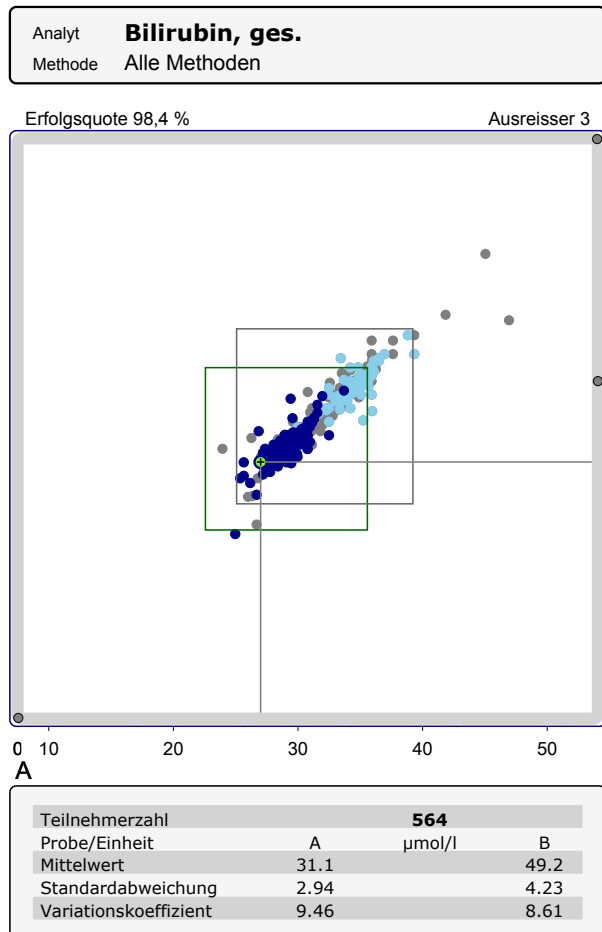
Ein Zertifikat wird nur dann für eine Messgrösse ausgestellt, wenn die Grundlagen für die Bewertung der Richtigkeit durch die Richtlinie der Bundesärztekammer gegeben ist bzw. wenn eine Bewertung in Analogie zu dieser Richtlinie (s. Hinweise zur Auswertung) möglich ist, und wenn beide Ergebnisse innerhalb der vorgegebenen Grenzen liegen. (Kennzeichnung unter B: +)

Teilnahmebescheinigung

In der Teilnahmebescheinigung sind alle Messgrössen aufgeführt, welche die Liste auf dieser Seite enthält.
Wenn alle untersuchten Messgrössen im Zertifikat aufgeführt sind, entfällt der Ausdruck einer Teilnahmebescheinigung.

Zeichenerklärung: B=Bewertung, M=Methoden-Nr., E=Ihr Ergebnis, D=Abweichung (E-ZW) Dmax=Betrag der maximal zulässigen Messabweichung, z. T. vorgegeben durch die Anlage 1 der Richtlinie der BÄK (Dt. Ärzteblatt 111, Heft 38, 19.9.2014). ZW=Zielwert, ggf. Referenzmethodenwert o. Sollwert, UG OG = untere bzw. obere Grenze							Bewertung: + = erfüllt (Quotient D/Dmax ≤ 1.0) - = nicht erfüllt (Quotient D/Dmax > 1.0 ± = Bewertung entfällt aus analytischen oder technischen Gründen						
--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--

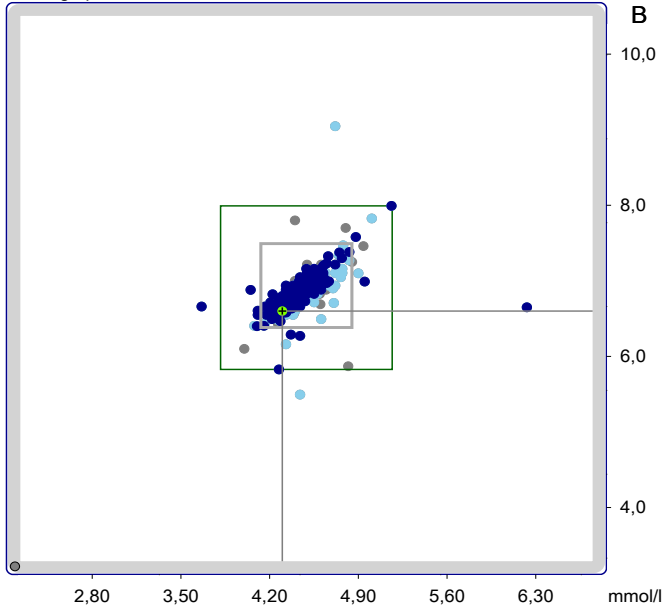
	B	M	E	D/Dmax	ZW	UG	OG		B	M	E	D/Dmax	ZW	UG	OG
Bilirubin, ges.	+	2	A 27.0	-0.32	29.1	22.5	35.6	Cholinesterase	+	1	A 6.71	-0.17	6.92	5.67	8.17
[µmol/l]			B 44.5	-0.17	46.2	35.9	56.5	[kU/l]			B 5.55	-0.17	5.72	4.69	6.75
Cholesterin	+	1	A 3.90	-0.08	3.94	3.41	4.46	Alk. P.ase	+	1	A 234	-0.23	244	200	288
[mmol/l]			B 3.10	-0.42	3.29	2.84	3.73	[U/l]			B 41.5	0.06	41.0	33.6	48.4
Glucose	+	1	A 4.30	-0.28	4.49	3.81	5.17	CK	+	1	A 248	-0.02	249	199	299
[mmol/l]			B 6.60	-0.29	6.92	5.82	8.00	[U/l]			B 121	0	121	96.8	146
Harnsäure	+	3	A 461	-0.34	483	419	547	GLDH	+	1	A 17.5	-0.03	17.6	13.9	21.3
[µmol/l]			B 274	-0.38	289	250	327	[U/l]			B 8.00	-0.48	8.90	7.03	10.8
Harnstoff	+	2	A 14.6	-0.19	15.2	12.1	18.4	AST (GOT)	+	1	A 199	-0.20	208	164	252
[mmol/l]			B 4.75	-0.27	5.03	4.01	6.05	[U/l]			B 118	-0.12	121	95.5	147
Kreatinin	+	2	A 42.5	0.17	40.2	0	53.1	ALT (GPT)	+	1	A 157	-0.23	165	130	200
[µmol/l]			B 199	0.37	185	147	222	[U/l]			B 68.5	-0.09	69.8	55.1	84.5
Lactat	+	2	A 2.97	0	2.97	2.43	3.52	LDH	+	1	A 193	-0.08	196	160	232
[mmol/l]			B 0.975	-0.14	1.00	0.819	1.19	[U/l]			B 114	-0.21	119	97.1	140
Triglyceride	+	2	A 1.49	0.56	1.36	1.13	1.59	Gamma-GT	+	1	A 359	-0.14	370	292	448
[mmol/l]			B 1.18	0.88	1.02	0.858	1.20	[U/l]			B 56.0	-0.39	61.0	48.1	73.9
Gesamtprotein	+	1	A 57.5	-0.61	61.3	55.1	67.5	Lipase	+	1	A 60.0	0.16	57.6	43.2	72.0
[g/l]			B 48.0	-0.60	51.1	45.9	56.3	[U/l]			B 31.0	0.05	30.6	22.9	38.3
Albumin, Elpho	+	3	A 63.0	-0.01	63.1	54.2	72.0	Osmolalität	+	1	A 270	0.09	267	234	300
[%]			B 63.8	0	63.8	54.8	72.8	[mosm/kg]			B 243	0.03	242	212	272
G-Globulin, Elpho	+	3	A 13.8	0.06	13.5	9.18	17.9								
[%]			B 13.3	0.02	13.2	8.97	17.5								
Calcium	+	4	A 2.54	0.28	2.47	2.22	2.72								
[mmol/l]			B 1.97	0.20	1.93	1.73	2.13								
Chlorid	+	7	A 98.0	0.05	97.5	89.7	106								
[mmol/l]			B 93.0	-0.07	93.5	86.0	101								
Kalium	+	2	A 3.70	0.13	3.66	3.36	3.96								
[mmol/l]			B 3.65	0.24	3.58	3.29	3.87								
Lithium	+	5	A 1.53	0	1.53	1.34	1.72								
[mmol/l]			B 0.615	-0.32	0.640	0.563	0.717								
Magnesium	+	4	A 1.24	0.15	1.21	1.02	1.40								
[mmol/l]			B 0.820	0.08	0.810	0.688	0.932								
Natrium	+	2	A 118	0	118	112	124								
[mmol/l]			B 112	-0.03	112	106	118								
Phosphor, anorg.	+	2	A 1.01	0.09	0.995	0.835	1.16								
[mmol/l]			B 0.800	0.07	0.790	0.663	0.917								
Eisen	+	2	A 24.0	0.14	23.5	20.0	26.9								
[µmol/l]			B 19.0	0.07	18.8	16.1	21.5								
Alpha-Amylase	+	1	A 77.0	-0.02	77.4	61.1	93.7								
[U/l]			B 271	0	271	214	328								



Analyt **Glucose**
Methode Alle Methoden

Erfolgsquote 99,1 %

Ausreisser 1

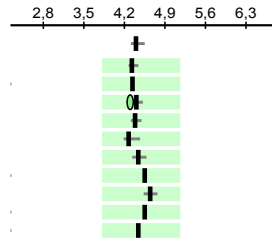


A

Teilnehmerzahl	579		
Probe/Einheit	A	mmol/l	B
Mittelwert	4.43		6.82
Standardabweichung	0.161		0.231
Variationskoeffizient	3.64		3.39

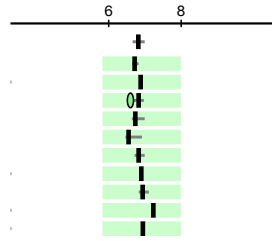
Probe A (RMW = 4.49 mmol/l)

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		579	3.66	4.31	4.40	4.55	6.23
1	4	79	4.08	4.27	4.33	4.44	4.71
1	12	3	4.33		4.34		4.53
1	30	346	3.66	4.33	4.41	4.52	6.23
1	38	42	4.20	4.31	4.38	4.50	4.75
1	40	8	4.16	4.19	4.27	4.47	4.50
1	43	31	4.20	4.34	4.44	4.58	4.72
1	126	7	4.30		4.55		4.61
1	328	25	4.44	4.53	4.65	4.77	4.90
3	25	4	4.40		4.55		4.85
5	99	3	4.40		4.44		4.82



Probe B (RMW = 6.92 mmol/l)

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		579	5.49	6.66	6.82	6.99	9.05
1	4	79	6.40	6.65	6.72	6.83	7.05
1	12	3	6.77		6.88		6.91
1	30	346	5.83	6.66	6.83	6.97	7.99
1	38	42	5.49	6.64	6.73	6.99	7.34
1	40	8	6.44	6.46	6.55	6.92	6.99
1	43	31	6.55	6.72	6.83	6.99	9.05
1	126	7	6.72		6.90		7.04
1	328	25	6.77	6.83	6.94	7.11	7.27
3	25	4	7.22		7.23		7.80
5	99	3	5.87		6.94		7.00



Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt:

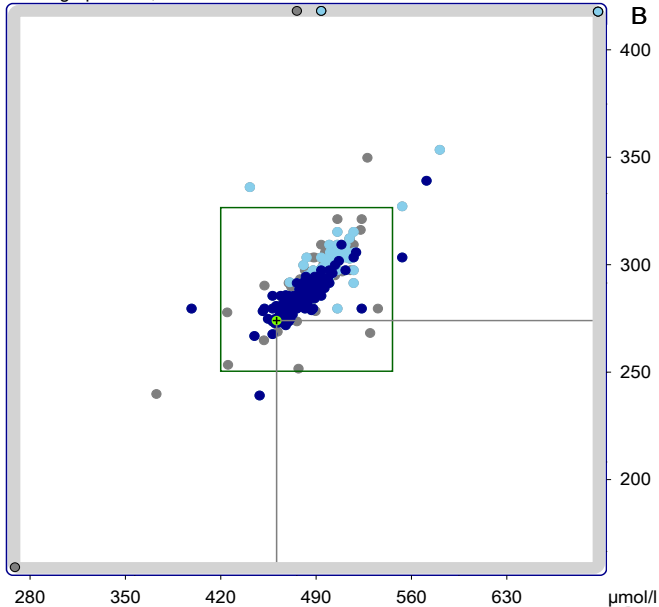
A -2.4 %
B -3.3 %

Andere Kits (Anzahl):
1-07(1), 1-37(1), 1-99(2), 1-168(2), 1-228(1), 1-335(2), 2-04(1), 2-30(2), 2-38(1), 3-04(1), 3-30(1), 3-32(2), 3-99(1), 3-130(1), 3-161(2), 3-163(2), 3-168(1), 4-30(1), 4-34(1), 4-57(1), 4-99(1), 4-112(1), 5-34(1), 5-162(1),

Analyt **Harnsäure**
Methode Alle Methoden

Erfolgsquote 97,4 %

Ausreisser 5

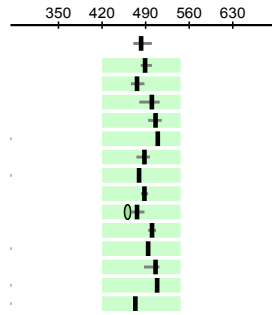


A

Teilnehmerzahl	553		
Probe/Einheit	A	µmol/l	B
Mittelwert	484		289
Standardabweichung	17.6		11.3
Variationskoeffizient	3.64		3.91

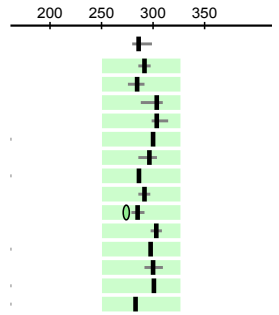
Probe A (RMW = 483 µmol/l)

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		553	373	470	483	500	2381
1	4	28	470	482	489	500	2381
1	30	59	425	466	476	488	530
1	38	9	458	480	500	513	518
1	43	16	476	494	506	516	524
1	126	3	505		510		513
1	328	23	452	475	488	497	515
2	30	4	475		479		486
3	4	51	475	483	488	494	518
3	30	272	399	468	476	488	571
3	38	34	484	494	500	507	554
3	40	5	482		494		518
3	43	17	473	487	506	512	518
3	126	4	492		509		518
4	30	4	463		474		485



Probe B (RMW = 289 µmol/l)

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		553	239	280	286	299	2917
1	4	28	280	286	292	298	774
1	30	59	252	276	285	292	298
1	38	9	274	288	304	309	315
1	43	16	295	299	304	315	1488
1	126	3	297		300		307
1	328	23	280	286	296	304	310
2	30	4	282		286		289
3	4	51	280	286	292	297	2917
3	30	272	239	279	285	292	339
3	38	34	280	298	303	309	327
3	40	5	286		298		315
3	43	17	282	292	300	310	315
3	126	4	292		301		306
4	30	4	279		283		283



Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt:

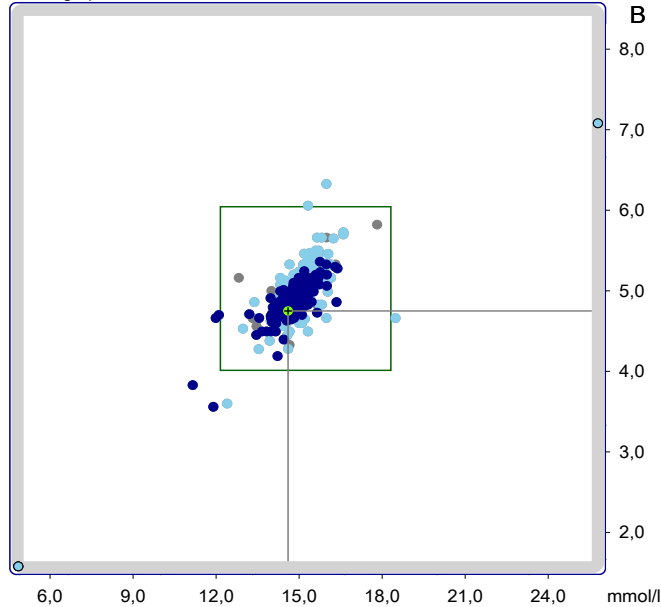
A -3.1 %
B -3.8 %

Andere Kits (Anzahl):
1-25(1), 1-32(1), 1-40(2), 1-99(2), 1-130(1), 2-99(1), 3-07(2), 3-25(1), 3-99(1), 3-108(1), 3-163(1), 3-228(1), 3-328(2), 4-12(1), 4-38(1), 4-99(2), 4-168(1), 4-328(1), 4-335(1),

Analyt	Harnstoff
Methode	Alle Methoden

Erfolgsquote 98,2 %

Ausreisser 3



A

Teilnehmerzahl	567		
Probe/Einheit	A	mmol/l	B
Mittelwert	14.9		4.96
Standardabweichung	0.625		0.251
Variationskoeffizient	4.18		5.07

B

Probe A (RMW = 15.2 mmol/l)

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max	
Alle	567	0.079	14.5	15.0	15.5	25.8		
1	4	8	14.4	14.5	14.9	15.5	15.5	
1	30	13	14.0	14.3	14.9	15.4	15.5	
1	43	6	14.7		15.1		15.7	
1	328	12	14.7	15.2	15.6	16.0	16.3	
2	4	69	0.079	14.4	15.0	15.6	18.5	
2	30	330	11.2	14.4	14.9	15.3	16.4	
2	38	43	14.0	14.5	14.9	15.3	15.8	
2	40	6	15.7		15.9		16.2	
2	43	26	14.4	14.9	15.3	15.8	16.2	
2	99	5	13.4		14.7		25.8	
2	126	6	14.6		15.1		15.7	
2	328	15	14.6	14.7	15.3	16.0	16.2	
2	335	3	14.9		15.2		15.3	

Probe B (RMW = 5.03 mmol/l)

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max	
Alle	567	0.348	4.78	4.98	5.16	7.08		
1	4	8	4.75	4.78	4.96	5.33	5.36	
1	30	13	4.66	4.77	4.98	5.10	5.16	
1	43	6	4.90		5.00		5.33	
1	328	12	4.33	4.68	5.08	5.33	5.66	
2	4	69	0.348	4.63	4.95	5.29	6.33	
2	30	330	3.56	4.78	4.91	5.01	5.36	
2	38	43	4.65	4.83	5.01	5.16	5.46	
2	40	6	5.16		5.34		5.46	
2	43	26	4.80	4.99	5.20	5.47	6.06	
2	99	5	4.28		5.09		7.08	
2	126	6	5.10		5.28		5.66	
2	328	15	4.28	4.55	5.00	5.30	5.33	
2	335	3	4.65		5.08		5.24	

Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt:

A	-1.9 %
B	-3.2 %

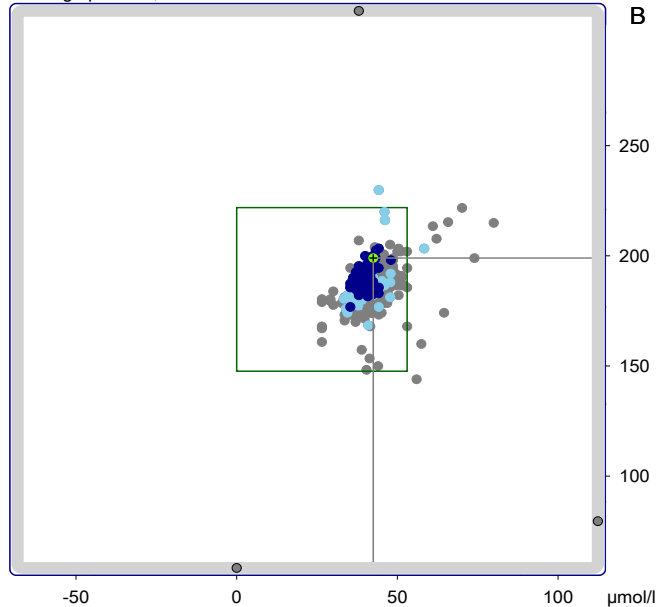
Andere Kits (Anzahl):

1-37(1), 1-38(1), 1-40(1), 1-228(1), 2-07(2), 2-12(2), 2-25(2), 2-32(2), 2-130(1), 2-163(2), 2-168(1), 3-04(1), 3-30(1), 3-168(1), 4-04(2), 4-30(2), 4-99(1), 4-168(1),

Analyt	Kreatinin
Methode	Alle Methoden

Erfolgsquote 97,6 %

Ausreisser 3



A

Teilnehmerzahl	594		
Probe/Einheit	A	µmol/l	B
Mittelwert	42.0		187
Standardabweichung	5.19		8.08
Variationskoeffizient	12.4		4.31

B

Probe A (RMW = 40.2 µmol/l)

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max	
Alle	594	26.5	38.0	41.6	46.0	230		
1	4	60	36.3	42.4	45.1	46.9	230	
1	25	4	38.9		64.0		80.0	
1	30	243	26.5	39.0	42.9	46.0	64.5	
1	38	41	33.6	36.0	38.9	42.7	53.1	
1	40	5	34.5		45.1		46.9	
1	43	13	42.0	43.3	46.0	52.0	53.1	
1	328	23	26.5	33.5	40.5	44.2	47.5	
2	4	19	33.3	35.4	36.7	43.9	47.9	
2	30	115	35.4	38.0	39.8	41.6	48.0	
2	38	6	39.8		40.8		42.0	
2	43	20	35.4	37.0	39.8	45.6	47.7	
2	126	4	34.0		38.9		40.8	
2	328	4	39.0		41.1		42.4	
3	99	5	37.6		43.2		70.2	

Probe B (RMW = 185 µmol/l)

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max	
Alle	594	79.6	181	187	194	329		
1	4	60	79.6	180	186	191	197	
1	25	4	187		211		215	
1	30	243	157	182	189	195	205	
1	38	41	168	179	186	190	195	
1	40	5	172		179		185	
1	43	13	173	176	186	189	191	
1	328	23	170	179	186	189	329	
2	4	19	177	178	182	185	192	
2	30	115	177	186	189	194	203	
2	38	6	185		190		197	
2	43	20	177	180	183	187	191	
2	126	4	176		185		193	
2	328	4	180		185		190	
3	99	5	184		192		222	

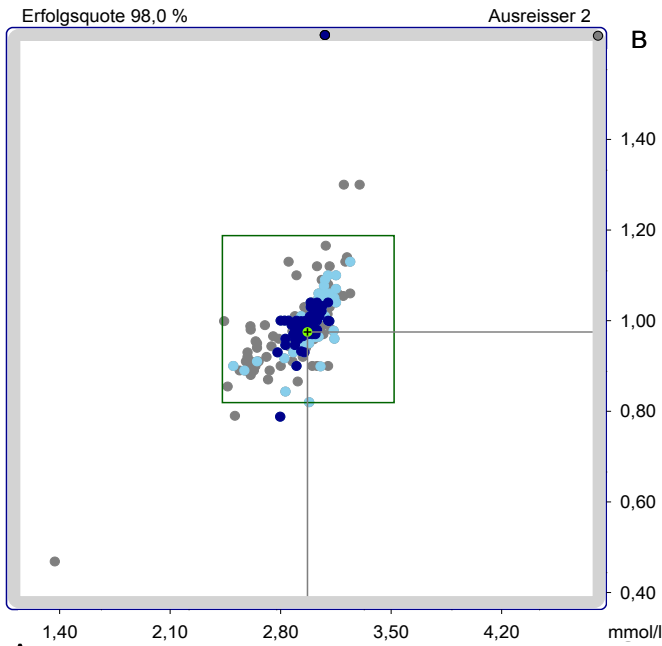
Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt:

A	6.8 %
B	5.1 %

Andere Kits (Anzahl):

1-12(2), 1-37(1), 1-99(3), 1-108(1), 1-126(3), 1-130(1), 1-161(1), 1-168(2), 1-228(1), 2-07(1), 2-32(2), 2-40(2), 2-61(1), 2-99(1), 2-163(2), 2-168(1), 2-335(3), 3-04(2), 3-25(1), 3-162(1),

Analyt **Lactat**
Methode Alle Methoden



Teilnehmerzahl	315	
Probe/Einheit	A mmol/l	B
Mittelwert	2.94	0.987
Standardabweichung	0.168	0.066
Variationskoeffizient	5.71	6.74

B

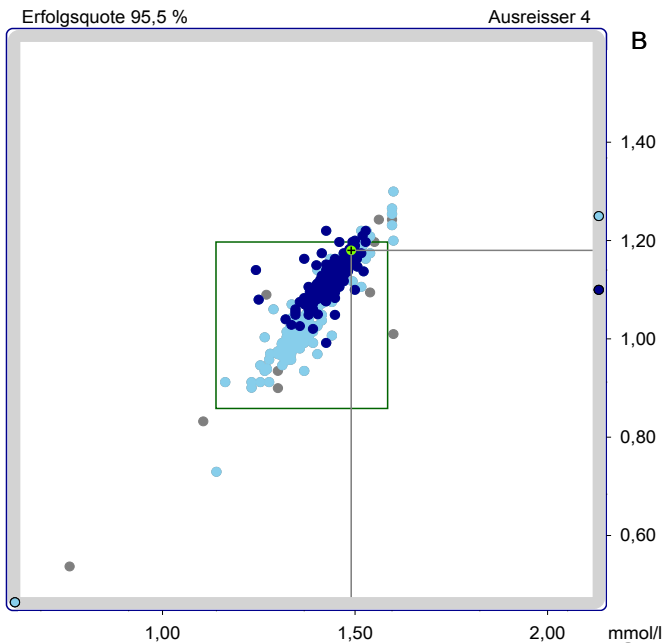
Probe A [mmol/l]											
M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max				
Alle	315		1.37	2.87	2.97	3.07	118				
1	4	12	2.46	2.50	2.62	2.74	2.80				
1	12	14	2.51	2.58	2.61	2.69	2.79				
1	30	65	2.44	2.89	2.98	3.03	3.10				
1	38	5	2.89		2.92		3.01				
1	43	8	2.89	2.93	3.03	3.20	3.20				
1	328	14	2.89	2.90	3.02	3.11	3.16				
2	4	20	2.93	3.01	3.08	3.13	3.15				
2	12	3	2.50		2.57		2.65				
2	30	98	2.78	2.90	2.97	3.03	3.11				
2	38	12	2.82	2.88	2.96	3.04	3.14				
2	43	9	2.90	2.92	3.02	3.09	3.10				
4	30	32	2.90	2.90	2.97	3.02	3.11				
4	38	3	2.87		2.90		2.94				
4	112	4	2.59		3.03		3.24				

Probe B [mmol/l]											
M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max				
Alle	315		0.468	0.940	0.999	1.03	79.0				
1	4	12	0.855	0.890	0.900	0.942	0.954				
1	12	14	0.790	0.884	0.910	0.972	0.988				
1	30	65	0.870	0.960	0.999	1.01	1.10				
1	38	5	0.940		0.960		0.999				
1	43	8	0.970	0.983	1.03	1.22	1.30				
1	328	14	0.866	0.900	0.967	1.08	1.10				
2	4	20	0.940	1.00	1.06	1.10	1.10				
2	12	3	0.890		0.900		0.910				
2	30	98	0.788	0.970	1.00	1.01	3.07				
2	38	12	0.820	0.918	0.952	0.998	1.00				
2	43	9	0.940	0.976	1.02	1.09	1.10				
4	30	32	0.900	0.970	1.00	1.03	1.17				
4	38	3	0.900		0.910		0.920				
4	112	4	0.930		1.10		1.13				

Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt: A 0 % B -2.5 %

Andere Kits (Anzahl):
1-228(1), 2-40(2), 2-45(1), 2-108(1), 2-126(1), 2-328(2), 3-43(1), 3-61(1), 3-99(1), 4-04(1), 4-57(1), 4-61(1), 4-99(1), 4-162(1),

Analyt **Triglyceride**
Methode Alle Methoden



Teilnehmerzahl	545	
Probe/Einheit	A mmol/l	B
Mittelwert	1.42	1.09
Standardabweichung	0.073	0.076
Variationskoeffizient	5.21	6.97

B

Probe A (RMW = 1.36 mmol/l)											
M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max				
Alle	545		0.069	1.35	1.43	1.48	4.42				
1	30	8	1.27	1.33	1.45	1.52	1.54				
1	328	4	1.30		1.34		1.37				
2	4	73	0.069	1.30	1.33	1.36	1.43				
2	30	320	1.24	1.40	1.45	1.48	4.42				
2	38	41	1.27	1.34	1.37	1.40	1.43				
2	40	7	1.43		1.48		1.53				
2	43	30	1.40	1.46	1.52	1.54	1.60				
2	99	4	1.14		1.38		2.19				
2	126	7	1.43		1.46		1.50				
2	168	3	1.29		1.38		1.42				
2	328	21	1.25	1.33	1.35	1.37	1.41				
2	335	3	1.34		1.44		1.44				
3	99	5	0.759		1.39		1.60				

Probe B (RMW = 1.02 mmol/l)											
M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max				
Alle	545		0.057	1.00	1.11	1.15	1.30				
1	30	8	1.08	1.08	1.10	1.16	1.17				
1	328	4	0.900		0.998		1.07				
2	4	73	0.057	0.961	0.981	1.00	1.04				
2	30	320	0.992	1.09	1.13	1.15	1.22				
2	38	41	0.935	1.00	1.03	1.06	1.10				
2	40	7	1.11		1.15		1.21				
2	43	30	1.10	1.14	1.17	1.22	1.27				
2	99	4	0.730		1.06		1.25				
2	126	7	1.11		1.13		1.15				
2	168	3	1.06		1.07		1.09				
2	328	21	0.946	0.987	1.03	1.05	1.09				
2	335	3	1.04		1.08		1.08				
3	99	5	0.537		1.01		1.20				

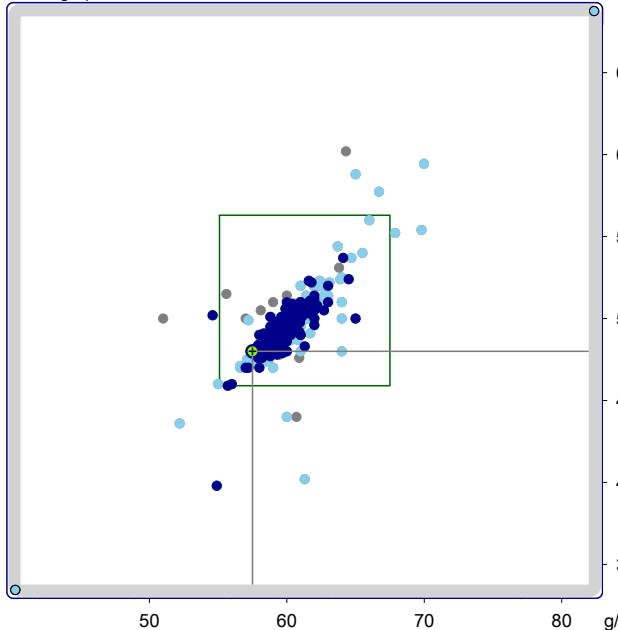
Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt: A 2.8 % B 4.8 %

Andere Kits (Anzahl):
1-04(2), 1-25(1), 1-32(1), 1-43(1), 2-07(2), 2-12(1), 2-25(2), 2-32(1), 2-37(1), 2-130(1), 2-160(1), 2-163(2), 2-228(1), 3-30(1), 3-162(1),

Analyt **Gesamtprotein**
Methode Alle Methoden

Erfolgsquote 96,8 %

Ausreisser 3



A

Teilnehmerzahl	545		
Probe/Einheit	A	g/l	B
Mittelwert	60.3		49.6
Standardabweichung	1.79		1.68
Variationskoeffizient	2.97		3.39

Probe A (RMW = 61.3 g/l)

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max	
Alle	545	0.060	58.9	60.0	61.8	38860		
1	4	78	57.8	60.0	61.0	38860		
1	25	3	65.0		66.0	66.7		
1	30	234	54.6	58.9	60.0	61.0	65.0	
1	38	42	52.2	58.0	60.0	61.0	62.3	
1	40	7	59.0		60.0	62.4		
1	43	32	57.2	58.5	60.1	62.0	63.0	
1	99	3	61.3		62.7	70.0		
1	126	5	59.5		61.0	64.7		
1	328	25	59.0	60.6	62.0	63.0	65.5	
1	335	4	0.060		59.9	69.8		
2	30	101	51.0	58.1	60.0	61.0	64.3	

Probe B (RMW = 51.1 g/l)

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max	
Alle	545	0.049	48.4	49.7	51.0	31610		
1	4	78	47.4	49.0	50.0	31610		
1	25	3	56.0		57.7	58.8		
1	30	234	39.8	48.3	49.4	50.3	53.7	
1	38	42	43.6	47.8	49.0	50.2	52.0	
1	40	7	49.0		50.0	52.3		
1	43	32	48.0	48.5	49.8	51.0	52.0	
1	99	3	40.2		51.4	59.4		
1	126	5	49.1		51.0	53.7		
1	328	25	47.0	50.0	51.0	52.0	54.0	
1	335	4	0.049		50.2	55.4		
2	30	101	44.0	48.0	49.6	50.6	60.2	

Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt:

A -4.1 %
B -2.8 %

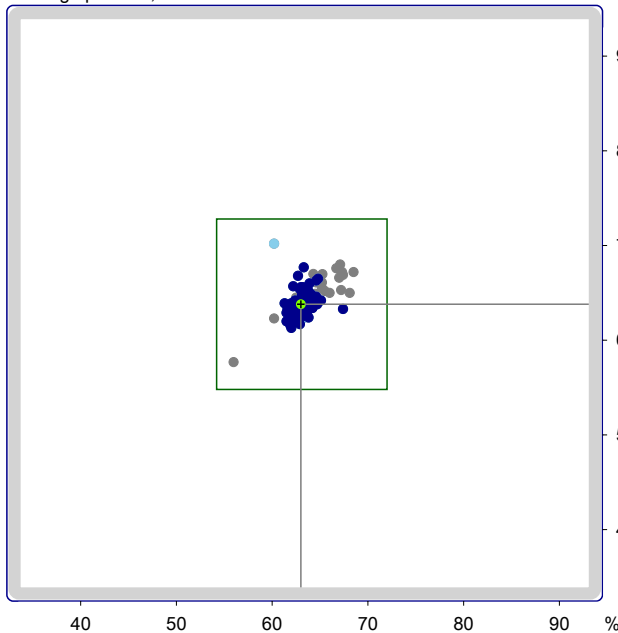
Andere Kits (Anzahl):

1-07(2), 1-32(1), 1-37(1), 1-163(1), 1-168(2), 1-228(1), 2-04(1), 2-99(1), 2-168(1),

Analyt **Albumin, Elpho**
Methode Alle Methoden

Erfolgsquote 99,4 %

Ausreisser 0



A

Teilnehmerzahl	169		
Probe/Einheit	A	%	B
Mittelwert	63.4		64.0
Standardabweichung	1.44		1.46
Variationskoeffizient	2.28		2.28

Probe A [%]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max	
Alle	169	56.0	62.4	63.2	64.1	68.5		
1	101	3	63.6		66.0	67.2		
1	110	3	62.8		63.2	63.2		
2	101	20	60.2	62.4	65.2	67.4	68.5	
3	46	11	60.2	62.3	63.0	63.5	63.5	
3	101	126	61.3	62.4	63.1	63.9	67.4	

Probe B [%]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max	
Alle	169	57.7	62.9	63.8	65.2	70.2		
1	101	3	63.8		65.0	65.3		
1	110	3	63.2		63.5	63.9		
2	101	20	62.1	62.3	66.1	67.4	68.0	
3	46	11	62.7	62.7	63.1	64.9	70.2	
3	101	126	61.3	62.9	63.8	64.8	67.7	

Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt:

A -0.1 %
B 0 %

Andere Kits (Anzahl):

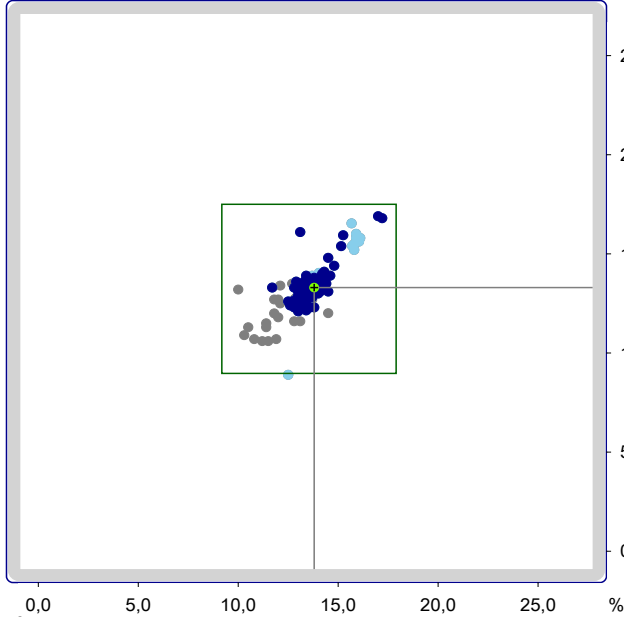
1-30(1), 1-99(1), 2-46(1), 3-145(1), 4-101(2),

Analyt **G-Globulin, Elpho**

Methode Alle Methoden

Erfolgsquote 99,4 %

Ausreisser 0

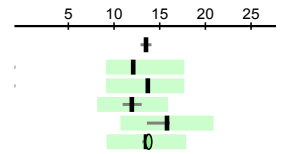


A

Teilnehmerzahl	169	
Probe/Einheit	A	B
Mittelwert	13.5	13.2
Standardabweichung	1.06	1.10
Variationskoeffizient	7.81	8.32

Probe A [%]

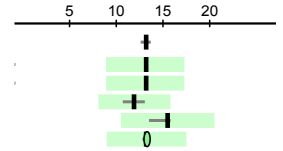
M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		169	10.0	12.9	13.5	14.1	17.2
1	101	3	10.5		12.1		13.2
1	110	3	13.5		13.7		13.7
2	101	20	10.0	10.9	12.0	13.0	13.5
3	46	11	12.5	13.6	15.8	16.1	16.1
3	101	126	11.7	13.1	13.5	14.0	17.2



B

Probe B [%]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		169	8.90	12.6	13.2	13.7	16.9
1	101	3	11.3		13.2		13.4
1	110	3	12.7		13.2		13.6
2	101	20	10.6	10.7	11.9	13.1	13.6
3	46	11	8.90	13.5	15.5	15.8	16.0
3	101	126	12.1	12.8	13.2	13.6	16.9



Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt:

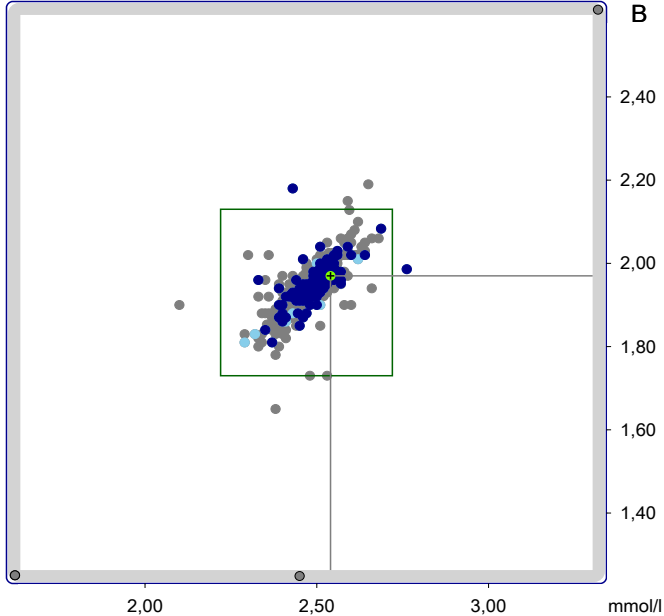
A	2.2 %
B	0.7 %

Andere Kits (Anzahl):
1-30(1), 1-99(1), 2-46(1), 3-145(1), 4-101(2),Analyt **Calcium**

Methode Alle Methoden

Erfolgsquote 98,1 %

Ausreisser 4

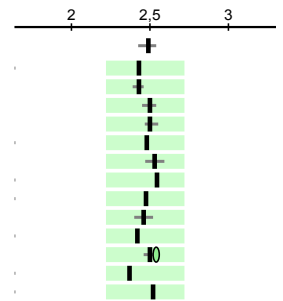


A

Teilnehmerzahl	553	
Probe/Einheit	A	B
Mittelwert	2.48	1.94
Standardabweichung	0.064	0.054
Variationskoeffizient	2.59	2.80

Probe A (RMW = 2.47 mmol/l)

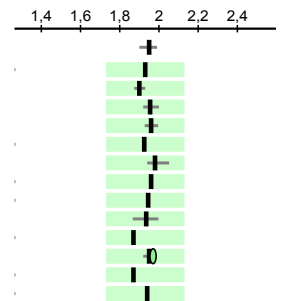
M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		553	0.611	2.43	2.49	2.54	4.90
2	30	3	2.38		2.43		2.50
3	4	70	2.33	2.39	2.43	2.46	2.65
3	30	148	2.10	2.45	2.50	2.54	2.64
3	38	41	0.611	2.47	2.50	2.55	4.90
3	40	6	2.45		2.48		2.53
3	43	29	2.39	2.47	2.53	2.59	2.66
3	99	4	2.29		2.55		2.57
3	126	6	2.40		2.48		2.55
3	328	26	2.34	2.40	2.46	2.52	2.55
4	4	6	2.29		2.42		2.51
4	30	183	2.33	2.46	2.50	2.54	2.76
5	4	3	2.36		2.37		2.38
5	30	7	2.46		2.52		2.61



B

Probe B (RMW = 1.93 mmol/l)

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		553	0.482	1.90	1.95	1.99	3.80
2	30	3	1.65		1.93		1.95
3	4	70	1.80	1.87	1.90	1.93	2.19
3	30	148	1.73	1.92	1.96	2.00	2.15
3	38	41	0.482	1.93	1.96	2.00	3.80
3	40	6	1.89		1.93		1.96
3	43	29	1.82	1.94	1.98	2.05	2.10
3	99	4	1.83		1.96		2.06
3	126	6	1.85		1.95		1.99
3	328	26	0.930	1.87	1.94	2.00	2.03
4	4	6	1.81		1.87		1.95
4	30	183	1.81	1.92	1.95	1.99	2.18
5	4	3	1.87		1.87		1.88
5	30	7	1.90		1.94		2.08



Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt:

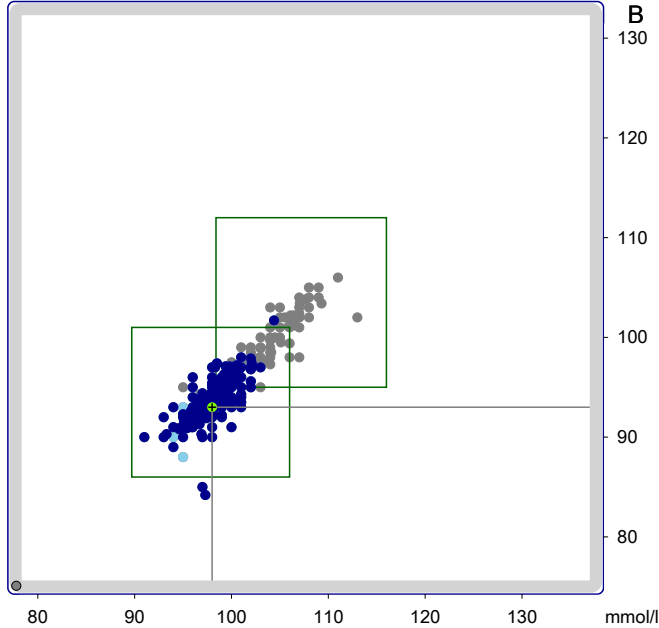
A	1.6 %
B	1.0 %

Andere Kits (Anzahl):
1-30(1), 1-43(1), 1-328(1), 2-12(1), 2-22(2), 2-40(1), 3-07(1), 3-32(2), 3-168(1), 3-228(1), 3-335(1), 4-43(1),
4-126(1), 5-43(1), 6-04(1), 6-30(1), 6-38(2), 6-99(1),

Analyt **Chlorid**
Methode Alle Methoden

Erfolgsquote 97,7 %

Ausreisser 1



A

Teilnehmerzahl	453		
Probe/Einheit	A	mmol/l	B
Mittelwert	100		96.0
Standardabweichung	3.84		3.77
Variationskoeffizient	3.83		3.93

Probe A (ZW = 107 [mmol/l])

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max	
Alle		453	91.0	96.9	99.0	105	113	
2	38	4	101		102		102	
4	4	72	104	106	107	108	113	
4	38	35	96.0	101	102	103	105	
4	40	7	100		101		105	
4	43	27	101	102	104	106	107	
5	126	3	100		102		103	
7	30	273	91.0	96.5	98.0	100	104	
7	328	22	94.0	95.0	97.0	98.0	100	

Probe B (ZW = 103 [mmol/l])

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max	
Alle		453	84.2	92.6	95.0	101	106	
2	38	4	97.3		98.0		99.0	
4	4	72	98.0	101	102	103	106	
4	38	35	93.0	97.0	98.0	99.0	103	
4	40	7	97.0		97.5		100	
4	43	27	97.0	98.2	100	101	102	
5	126	3	95.7		97.6		97.8	
7	30	273	84.2	92.0	94.0	95.8	102	
7	328	22	88.0	91.1	93.0	94.0	97.0	

Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt:

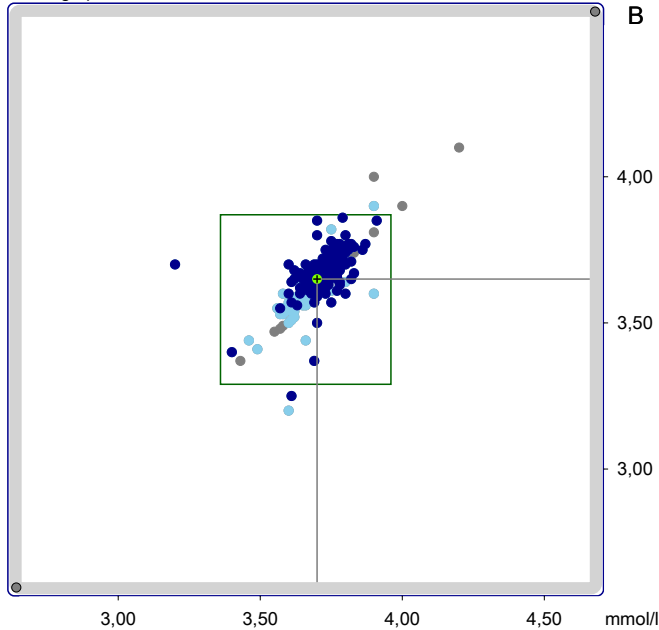
A	0 %
B	-1.0 %

Andere Kits (Anzahl):
2-30(1), 2-32(1), 4-228(1), 5-32(1), 5-43(1), 5-61(1), 5-99(1), 5-335(1), 6-43(1), 6-99(1),

Analyt **Kalium**
Methode Alle Methoden

Erfolgsquote 98,3 %

Ausreisser 2



A

Teilnehmerzahl	548		
Probe/Einheit	A	mmol/l	B
Mittelwert	3.71		3.65
Standardabweichung	0.074		0.077
Variationskoeffizient	2.01		2.13

Probe A (RMW = 3.66 mmol/l)

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max	
Alle		548	3.20	3.65	3.70	3.78	4.71	
2	4	71	3.20	3.58	3.60	3.67	3.70	
2	30	324	3.20	3.69	3.72	3.79	3.91	
2	38	43	3.46	3.60	3.62	3.68	3.75	
2	40	8	3.65	3.67	3.70	3.81	3.90	
2	43	28	3.60	3.61	3.70	3.75	3.80	
2	328	25	3.57	3.65	3.70	3.73	3.78	
3	30	7	3.58		3.80		3.90	
3	99	4	3.55		3.92		4.20	
3	126	5	3.70		3.80		3.82	
4	4	9	3.60	3.65	3.70	3.74	3.75	
4	30	7	3.69		3.73		3.76	
4	99	3	3.57		3.90		3.90	

Probe B (RMW = 3.58 mmol/l)

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max	
Alle		548	3.20	3.60	3.65	3.70	4.95	
2	4	71	3.20	3.58	3.60	3.67	3.70	
2	30	324	3.25	3.60	3.68	3.71	3.86	
2	38	43	3.41	3.52	3.58	3.60	3.82	
2	40	8	3.60	3.60	3.65	3.81	3.90	
2	43	28	3.55	3.59	3.62	3.70	3.80	
2	328	25	3.53	3.60	3.63	3.70	3.75	
3	30	7	3.49		3.70		3.81	
3	99	4	3.47		3.82		4.10	
3	126	5	3.63		3.74		3.80	
4	4	9	3.55	3.58	3.60	3.69	3.70	
4	30	7	3.63		3.68		3.75	
4	99	3	3.48		3.60		4.00	

Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt:

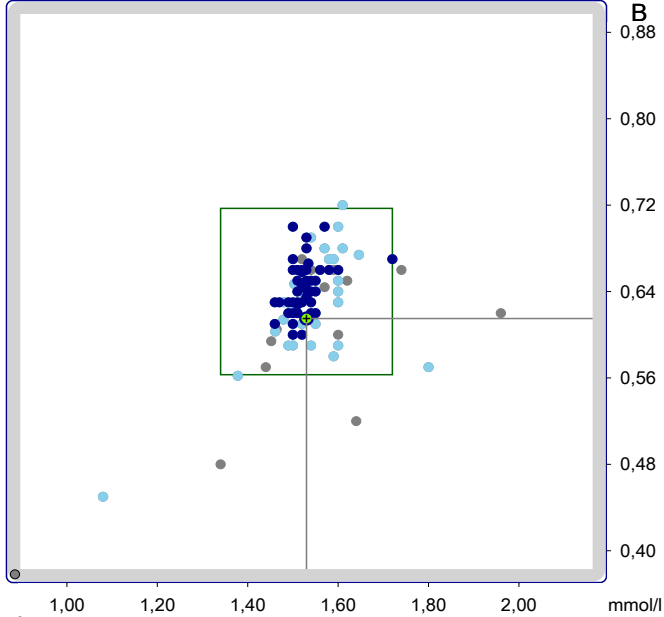
A	-0.5 %
B	-0.8 %

Andere Kits (Anzahl):
1-22(2), 1-99(1), 1-328(1), 2-32(1), 2-228(1), 3-04(1), 3-07(2), 3-32(1), 3-43(2), 3-61(1), 4-43(1),

Analyt **Lithium**
Methode Alle Methoden

Erfolgsquote 93,0 %

Ausreisser 1



A

Teilnehmerzahl	129	
Probe/Einheit	A	mmol/l
Mittelwert	1.53	0.633
Standardabweichung	0.079	0.037
Variationskoeffizient	5.15	5.91

Probe A (RMW = 1.53 mmol/l)

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max	
Alle	129	0.001	1.50	1.53	1.58	1.96		
2	30	5	1.34	1.54	1.54	1.96		
3	30	5	1.50	1.57	1.57	1.62		
5	4	20	1.08	1.47	1.51	1.55	1.65	
5	30	57	1.46	1.50	1.52	1.55	1.72	
5	38	4	1.50	1.52	1.52	1.54		
5	43	13	1.51	1.54	1.58	1.61		
5	328	3	1.59	1.60	1.60	1.80		
6	4	4	1.44	1.46	1.46	1.51		
6	30	3	1.50	1.52	1.52	1.52		

Probe B (RMW = 0.640 mmol/l)

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max	
Alle	129	0.000	0.600	0.635	0.660	0.720		
2	30	5	0.480	0.650	0.650	0.670		
3	30	5	0.590	0.650	0.650	0.680		
5	4	20	0.450	0.590	0.617	0.644	0.674	
5	30	57	0.600	0.620	0.642	0.660	0.700	
5	38	4	0.610	0.630	0.630	0.630		
5	43	13	0.640	0.642	0.670	0.698	0.720	
5	328	3	0.570	0.580	0.590	0.590		
6	4	4	0.570	0.600	0.630	0.630		
6	30	3	0.610	0.640	0.660	0.660		

Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt:

A 0.6 %
B -4.2 %

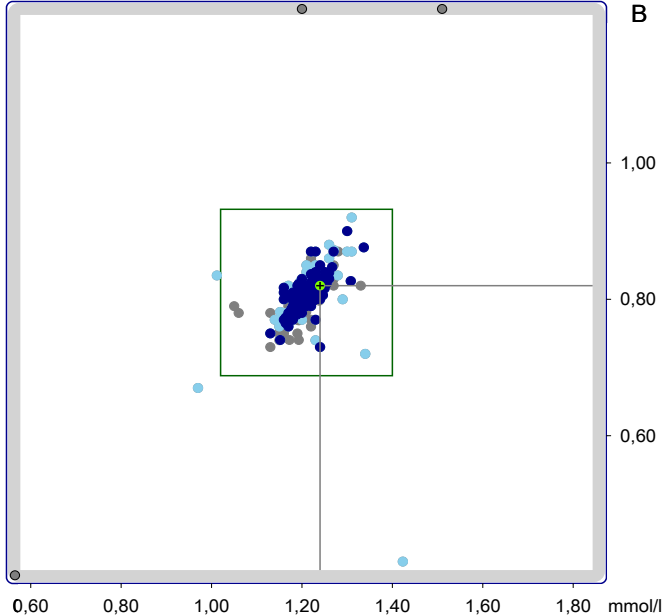
Andere Kits (Anzahl):

1-43(1), 1-99(2), 3-99(1), 3-328(1), 5-05(1), 5-40(1), 5-99(1), 5-126(2), 6-38(1), 6-40(2), 6-91(1), 6-126(1),

Analyt **Magnesium**
Methode Alle Methoden

Erfolgsquote 98,6 %

Ausreisser 3



A

Teilnehmerzahl	434	
Probe/Einheit	A	mmol/l
Mittelwert	1.21	0.802
Standardabweichung	0.037	0.032
Variationskoeffizient	3.09	4.00

Probe A (RMW = 1.21 mmol/l)

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max	
Alle	434	0.970	1.18	1.21	1.23	1.51		
2	30	3	1.13	1.16	1.16	1.22		
4	4	13	1.17	1.17	1.22	1.24	1.29	
4	30	207	1.13	1.19	1.21	1.23	1.34	
4	38	34	1.14	1.16	1.19	1.21	1.23	
4	40	3	1.16	1.18	1.18	1.18		
4	43	23	1.17	1.18	1.21	1.23	1.24	
4	126	3	1.23	1.26	1.26	1.31		
6	43	4	1.18	1.21	1.21	1.24		
6	328	19	1.13	1.15	1.19	1.22	1.27	
7	30	35	1.15	1.18	1.21	1.24	1.33	
8	4	50	1.15	1.17	1.20	1.22	1.25	
8	30	10	1.16	1.17	1.21	1.22	1.25	
8	99	3	1.20	1.21	1.21	1.27		

Probe B (RMW = 0.810 mmol/l)

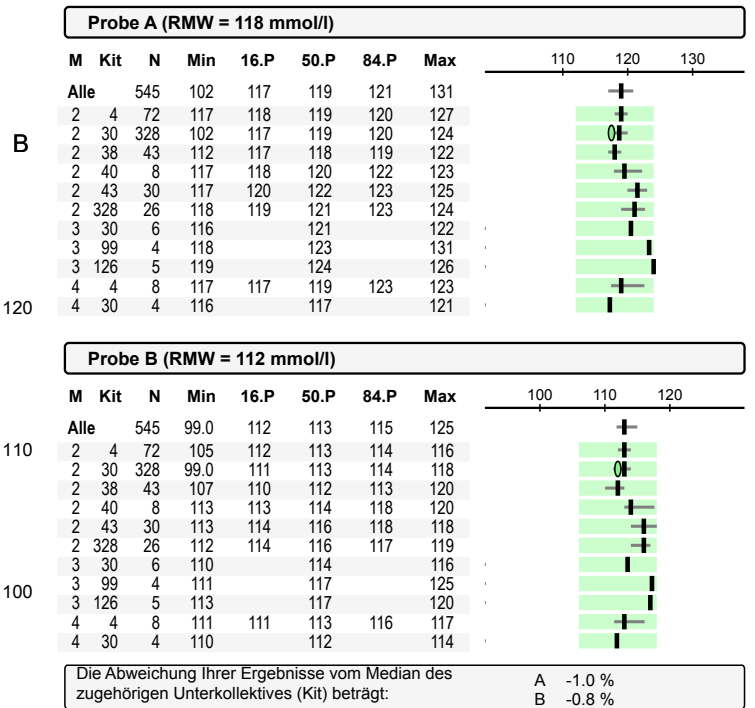
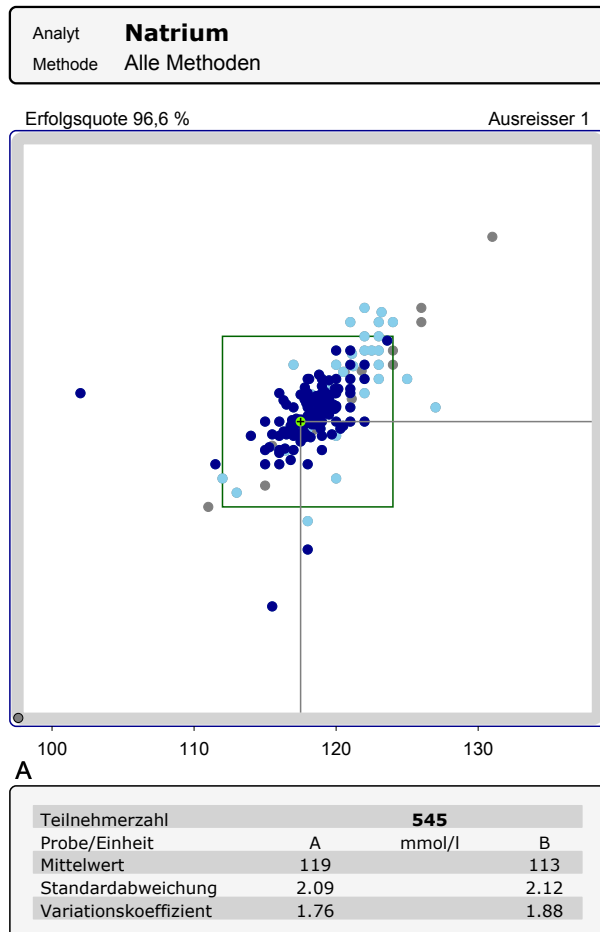
M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max	
Alle	434	0.415	0.780	0.800	0.823	1.43		
2	30	3	0.730	0.800	0.800	0.860		
4	4	13	0.780	0.780	0.800	0.806	0.810	
4	30	207	0.730	0.790	0.810	0.823	0.900	
4	38	34	0.760	0.781	0.800	0.819	0.850	
4	40	3	0.780	0.798	0.798	0.798		
4	43	23	0.740	0.788	0.800	0.840	0.850	
4	126	3	0.840	0.860	0.860	0.920		
6	43	4	0.770	0.800	0.800	0.820		
6	328	19	0.730	0.742	0.770	0.808	0.830	
7	30	35	0.757	0.788	0.806	0.830	0.870	
8	4	50	0.750	0.780	0.790	0.810	1.29	
8	30	10	0.777	0.779	0.800	0.815	0.830	
8	99	3	0.780	0.800	0.800	0.820		

Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt:

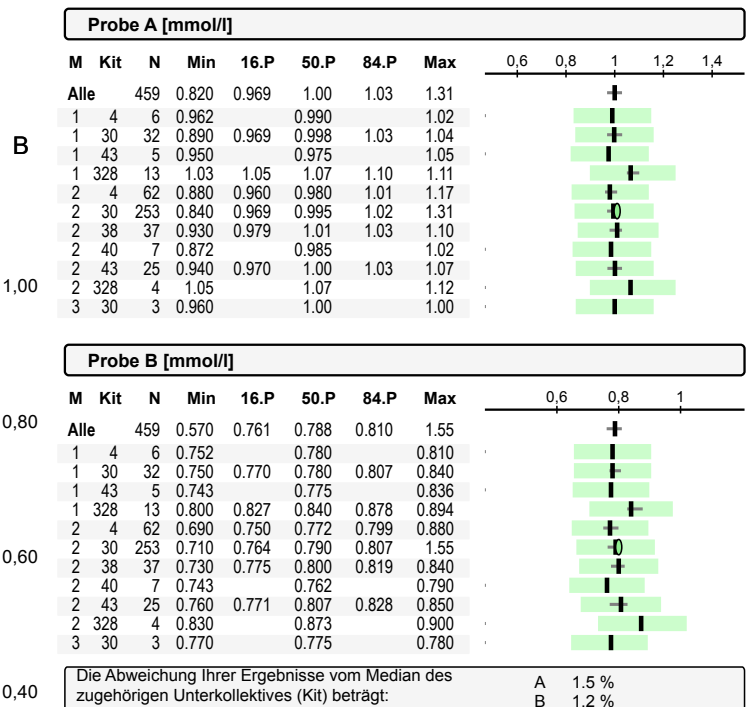
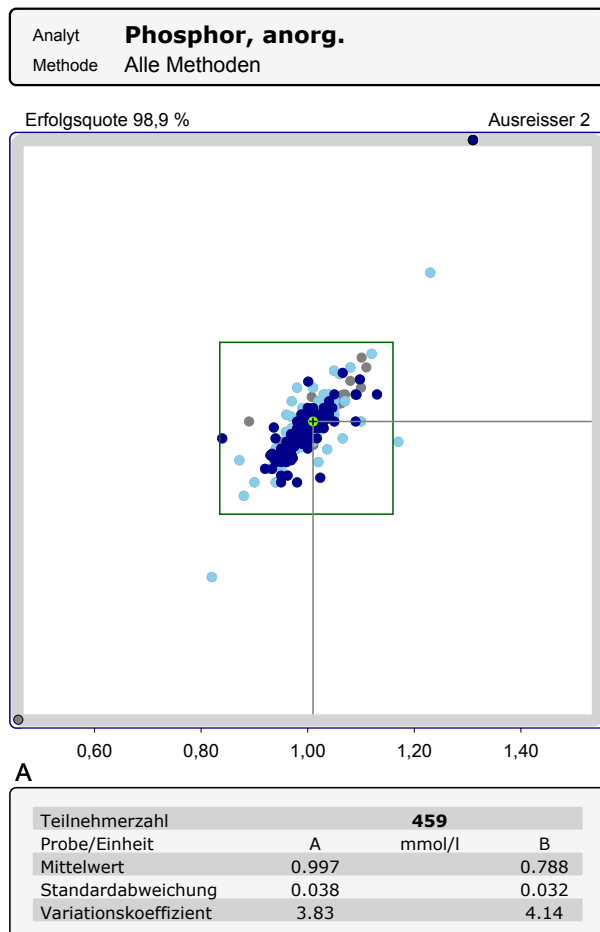
A 2.4 %
B 1.2 %

Andere Kits (Anzahl):

1-04(1), 1-30(2), 1-328(1), 3-30(1), 4-07(2), 4-16(1), 4-22(1), 4-25(1), 4-32(1), 4-37(1), 4-99(2), 4-163(1), 4-168(2), 4-328(1), 4-335(2), 5-04(1), 5-99(2), 5-228(1), 6-30(1), 6-40(1), 8-328(1),



Andere Kits (Anzahl):
1-22(2), 2-32(1), 2-228(1), 3-04(1), 3-07(1), 3-43(1), 3-61(1), 4-43(1), 4-99(2),

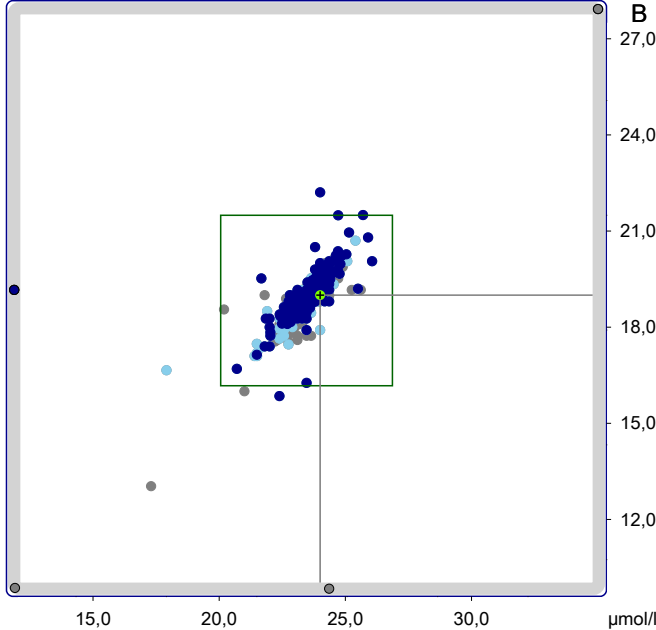


Andere Kits (Anzahl):
1-32(1), 1-126(1), 1-228(1), 1-335(1), 2-07(1), 2-99(1), 2-126(1), 2-163(1), 2-168(2), 3-37(1), 3-126(1),

Analyt **Eisen**
Methode Alle Methoden

Erfolgsquote 98,1 %

Ausreisser 5



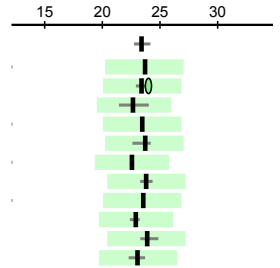
A

Teilnehmerzahl	482		
Probe/Einheit	A	μmol/l	B
Mittelwert	23.4		18.8
Standardabweichung	0.830		0.750
Variationskoeffizient	3.55		3.98

B

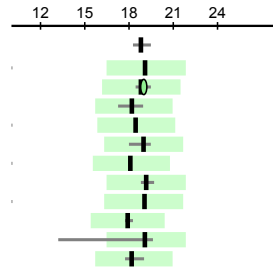
Probe A [μmol/l]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		482	0.233	22.7	23.4	24.2	23890
2	4	7	23.1		23.7		24.2
2	30	289	0.233	22.9	23.4	24.0	26.1
2	38	8	21.4	21.4	22.7	24.0	24.2
2	40	7	21.7		23.5		24.2
2	43	26	21.5	22.6	23.7	24.2	25.1
2	328	6	22.4		22.6		23.4
3	4	55	22.2	23.3	23.8	24.4	25.6
3	126	4	23.2		23.6		24.7
3	328	13	22.2	22.4	22.9	23.2	23.5
4	4	8	23.3	23.3	23.9	24.9	25.3
4	38	29	17.3	22.3	23.1	23.7	24.5



Probe B [μmol/l]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		482	8.88	18.3	18.8	19.5	19017
2	4	7	18.8		19.1		19.3
2	30	289	15.9	18.4	18.8	19.5	22.2
2	38	8	17.1	17.3	18.2	19.0	19.0
2	40	7	17.4		18.4		19.7
2	43	26	17.2	18.0	19.0	19.5	20.1
2	328	6	17.6		18.1		18.6
3	4	55	17.8	18.8	19.2	19.7	20.1
3	126	4	18.6		19.1		19.5
3	328	13	17.6	17.7	17.9	18.3	18.6
4	4	8	8.88	13.2	19.1	19.6	19.7
4	38	29	13.0	17.7	18.2	19.0	20.1



Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt:

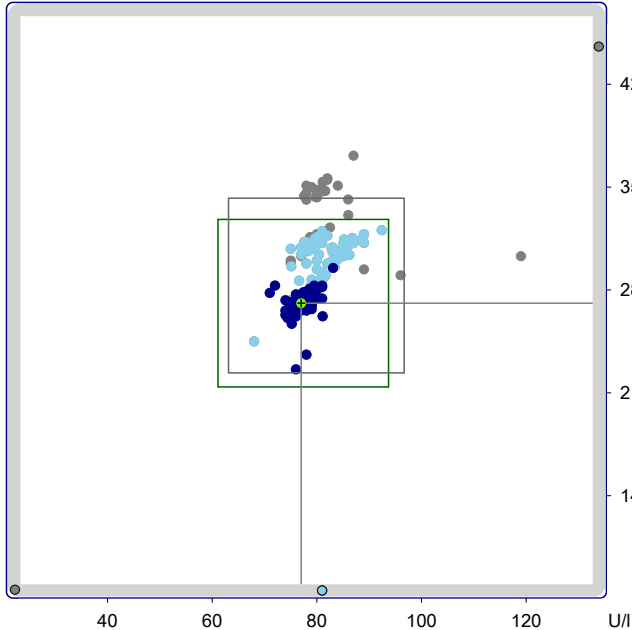
A 2.5 %
B 1.0 %

Andere Kits (Anzahl):
1-30(1), 1-43(1), 1-328(1), 2-45(1), 2-99(3), 2-126(1), 2-168(3), 2-228(1), 3-07(1), 3-12(1), 3-30(3), 3-32(2), 3-38(1), 3-43(3), 3-99(1), 3-161(1), 3-163(1), 3-335(2), 4-25(2).

Analyt **Alpha-Amylase**
Methode Alle Methoden

Erfolgsquote 98,5 %

Ausreisser 3



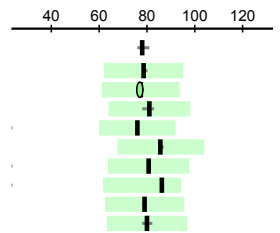
A

Teilnehmerzahl	339		
Probe/Einheit	A	U/l	B
Mittelwert	78.9		287
Standardabweichung	3.93		23.5
Variationskoeffizient	4.98		8.17

B

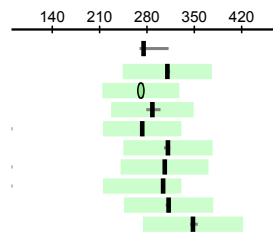
Probe A [U/l]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		339	68.0	76.0	78.0	81.0	163
1	4	29	75.1	77.9	78.6	80.2	86.0
1	30	194	71.0	76.0	77.4	78.7	83.1
1	38	30	75.0	78.0	81.0	83.0	85.0
1	40	5	75.0		76.0		82.0
1	43	18	78.0	85.0	85.6	87.0	89.0
1	126	4	80.0		80.7		82.8
1	335	3	68.0		86.2		92.4
2	4	23	75.0	77.9	79.0	80.0	82.5
2	328	17	77.6	78.0	80.0	82.2	87.0



Probe B [U/l]

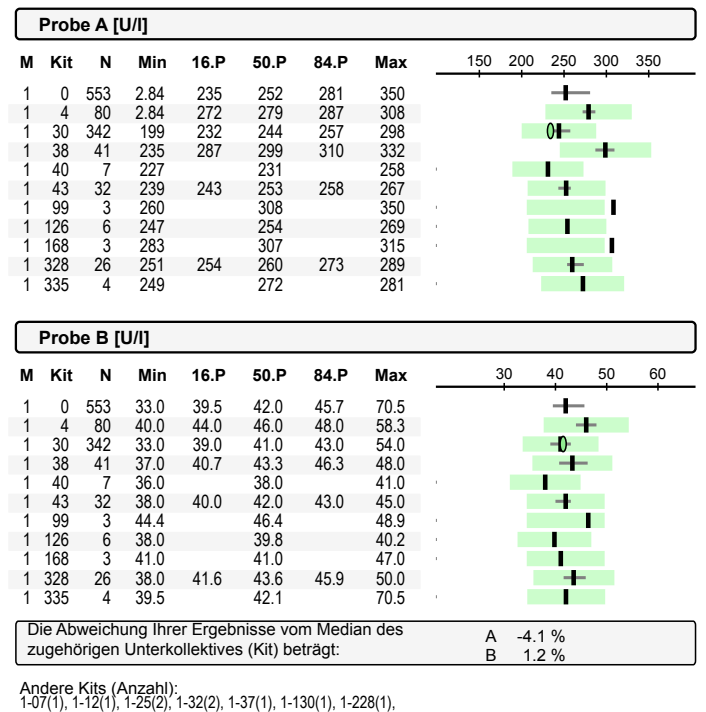
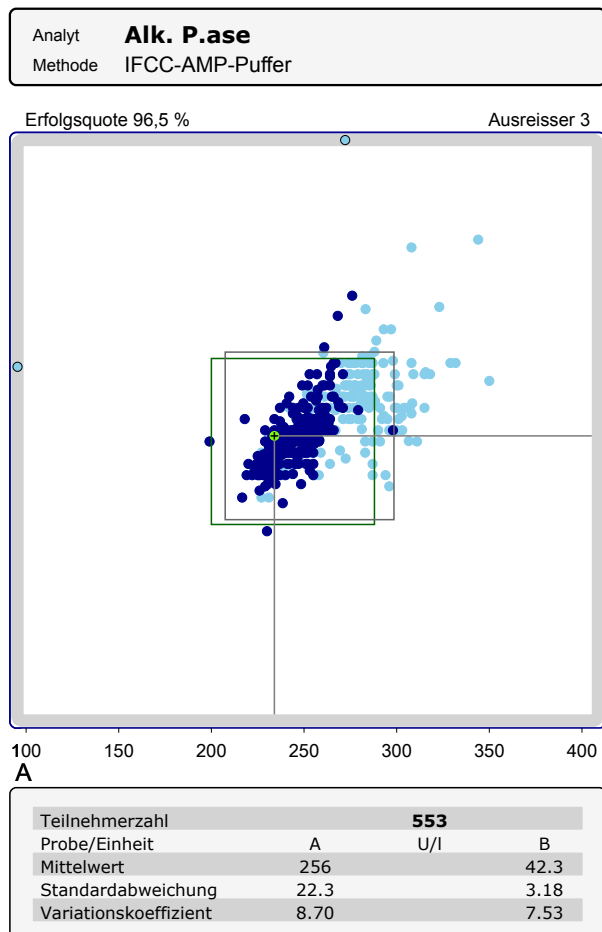
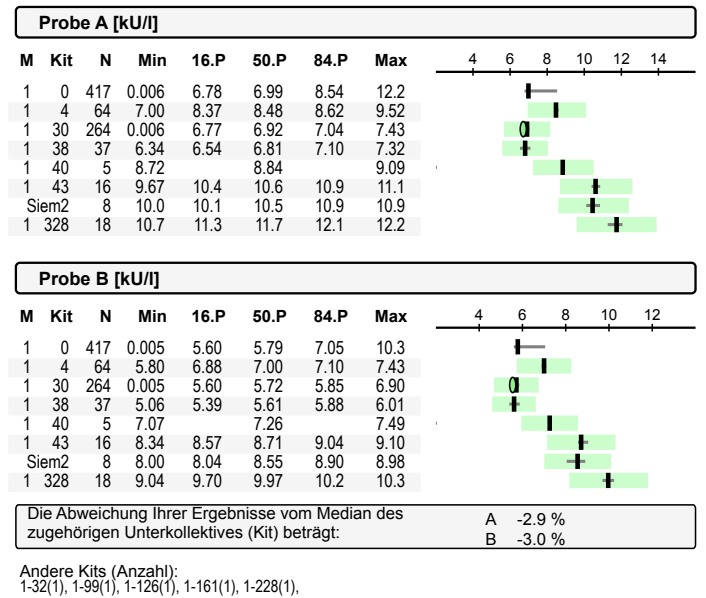
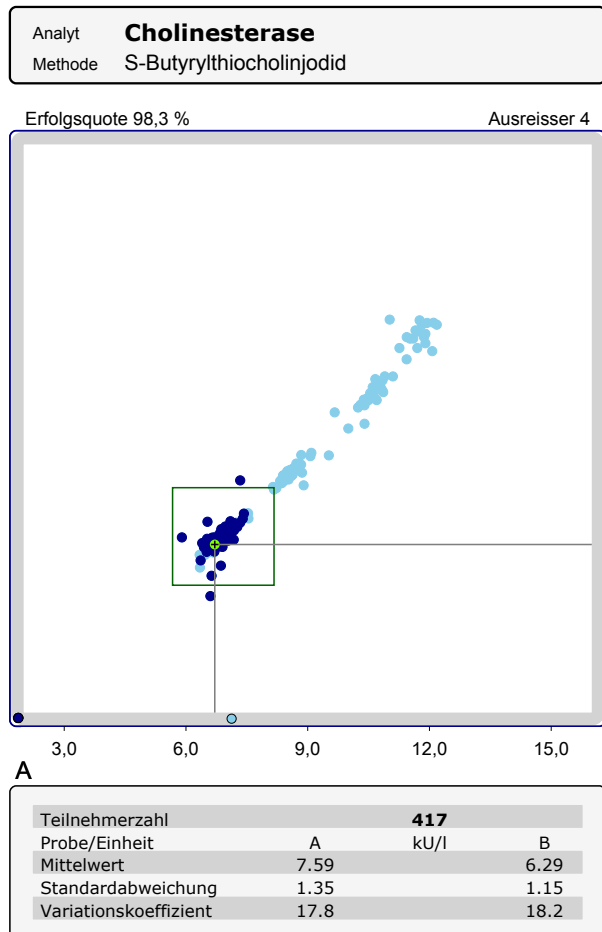
M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		339	44.0	269	275	312	446
1	4	29	296	307	310	314	320
1	30	194	226	267	271	275	295
1	38	30	44.0	279	288	300	306
1	40	5	268		273		298
1	43	18	298	305	311	314	318
1	126	4	300		306		312
1	335	3	245		304		321
2	4	23	298	308	312	315	323
2	328	17	343	344	348	355	371



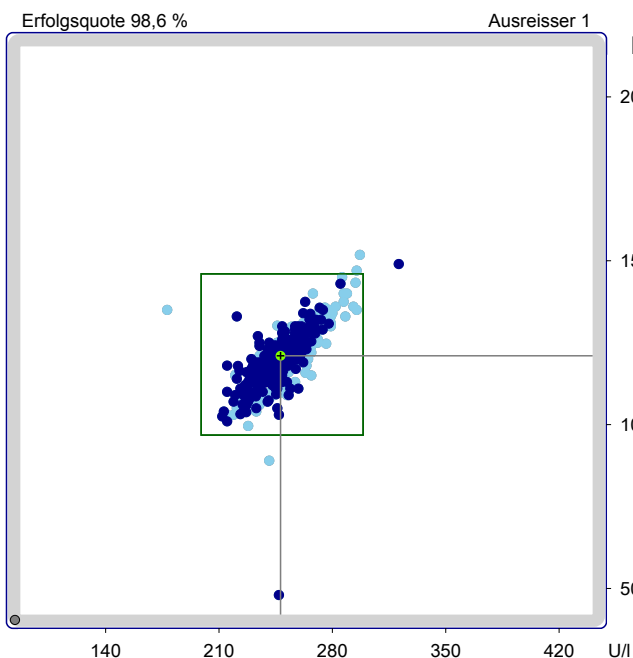
Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt:

A -0.5 %
B -0.0 %

Andere Kits (Anzahl):
1-07(1), 1-99(2), 2-25(1), 2-30(1), 2-32(1), 2-38(1), 2-43(2), 2-99(2), 2-168(1), 2-228(1), 3-168(1), 4-04(1), 4-335(1).



Analyt	CK
Methode	Alle Methoden



Teilnehmerzahl	535		
Probe/Einheit	A	U/I	B
Mittelwert	250		121
Standardabweichung	15.2		8.54
Variationskoeffizient	6.10		7.08

B

200

150

100

50

140

210

280

350

420

U/I

A

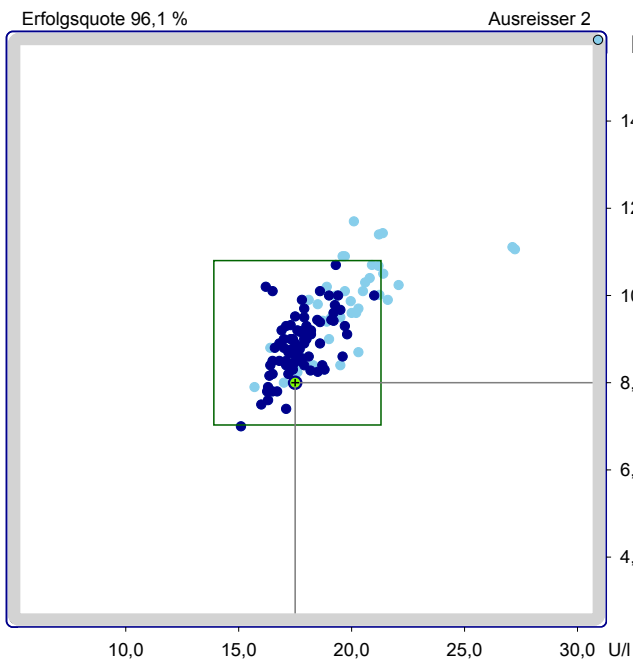
Probe A (ZW = 249 [U/I])							
M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle	535	178	235	249	263	321	
1	4	78	220	245	260	274	295
1	30	335	212	235	248	260	321
1	38	41	215	240	262	275	293
1	40	7	233		250		271
1	43	31	219	229	239	249	265
1	126	6	233		253		286
1	328	26	220	230	247	262	297

Probe B (ZW = 121 [U/I])							
M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle	535	48.0	113	121	128	152	
1	4	78	106	115	124	132	147
1	30	335	48.0	113	120	126	149
1	38	41	89.0	113	124	132	140
1	40	7	114		124		134
1	43	31	103	108	114	121	131
1	126	6	114		125		145
1	328	26	104	114	122	127	152

Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt:		A	-0.1 %
		B	0.8 %

Andere Kits (Anzahl):
1-07(1), 1-16(1), 1-32(1), 1-37(1), 1-99(1), 1-161(1), 1-163(1), 1-168(2), 1-228(1), 1-335(1),

Analyt	GLDH
Methode	Standardmethode DGKC



Teilnehmerzahl	131		
Probe/Einheit	A	U/I	B
Mittelwert	18.4		9.17
Standardabweichung	1.81		0.891
Variationskoeffizient	9.82		9.72

B

14,0

12,0

10,0

8,0

6,0

4,0

10,0

15,0

20,0

25,0

30,0

U/I

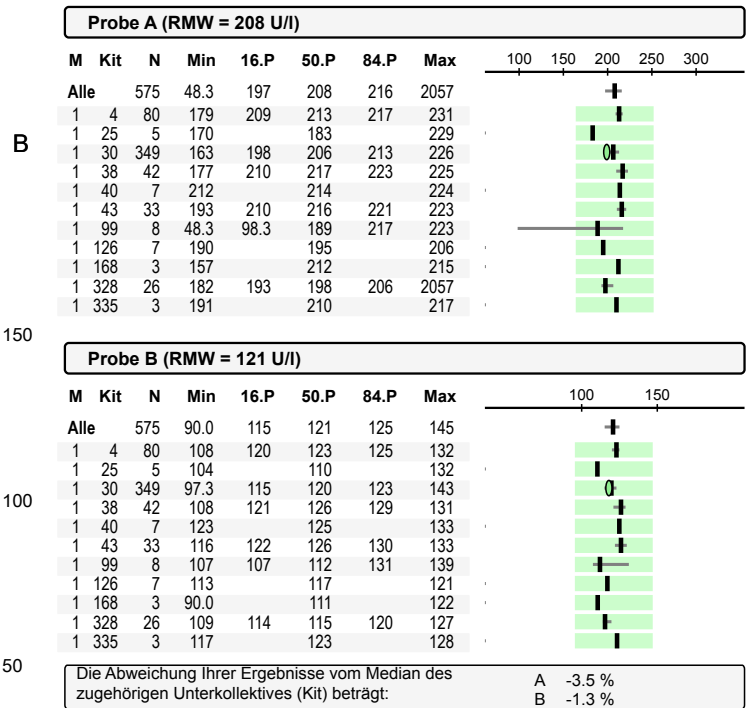
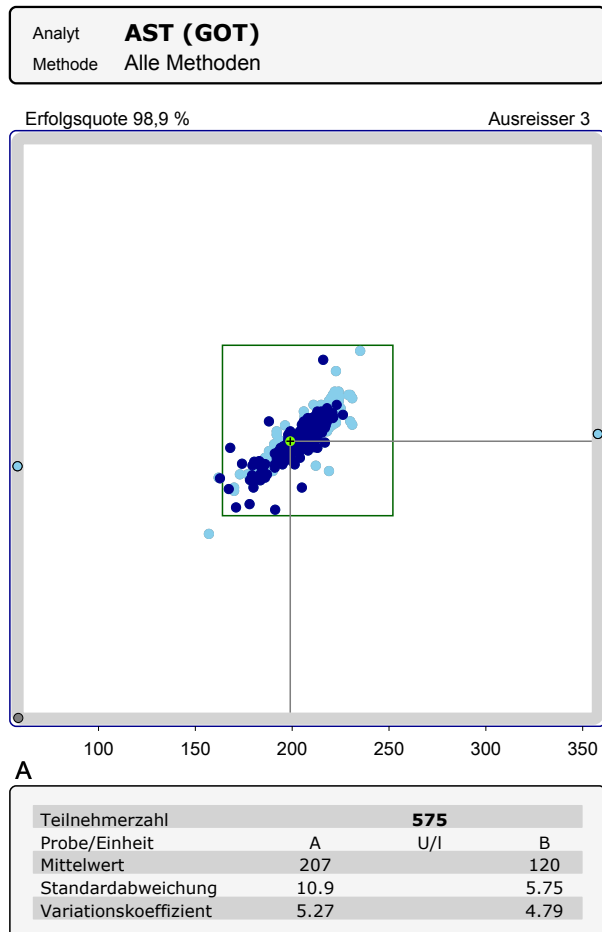
A

Probe A [U/I]							
M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
1	0	131	15.1	17.0	18.0	19.9	191
1	4	2	17.5		18.8		20.1
1	12	29	16.4	18.2	19.7	21.2	22.1
1	30	86	15.1	16.6	17.6	19.0	21.0
1	38	6	17.7		18.9		21.4
1	40	2	17.0		18.0		19.0
1	43	4	19.0		27.2		191

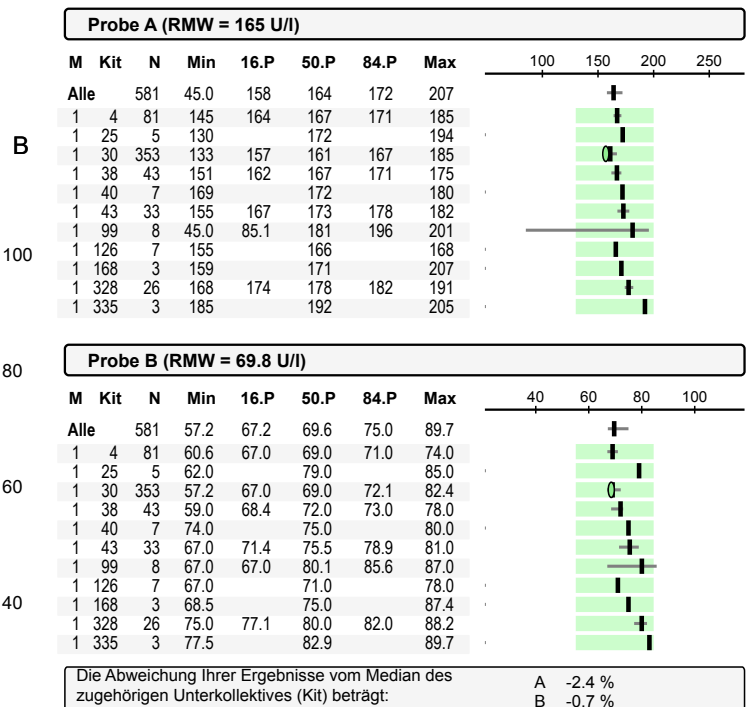
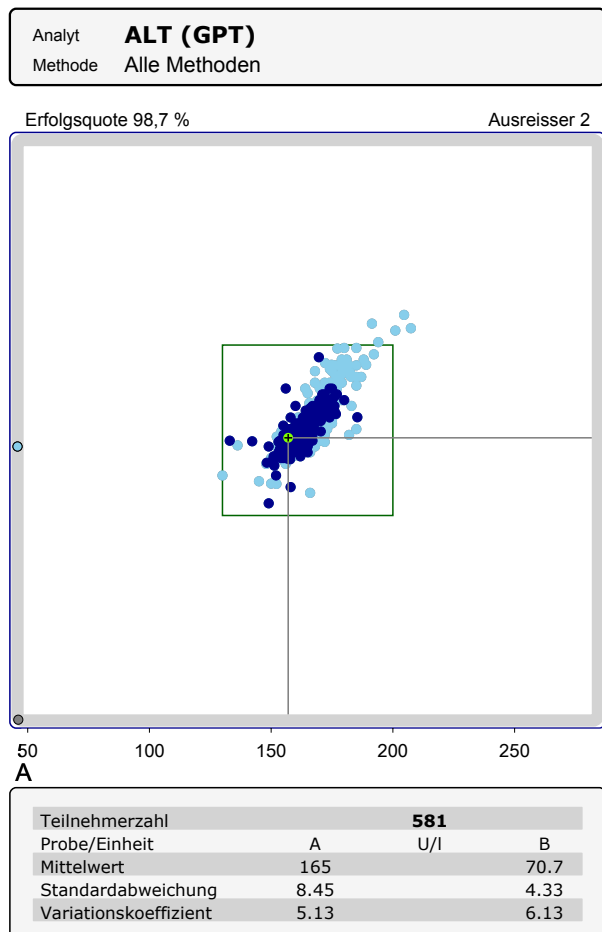
Probe B [U/I]							
M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
1	0	131	7.00	8.40	9.11	10.1	112
1	4	2	8.50		10.1		11.7
1	12	29	8.24	8.64	9.87	10.7	11.4
1	30	86	7.00	8.27	8.90	9.54	10.7
1	38	6	8.60		9.85		10.5
1	40	2	9.00		9.00		9.00
1	43	4	10.0		11.1		112

Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt:		A	-0.5 %
		B	-10.11 %

Andere Kits (Anzahl):
1-108(1), 1-328(1),

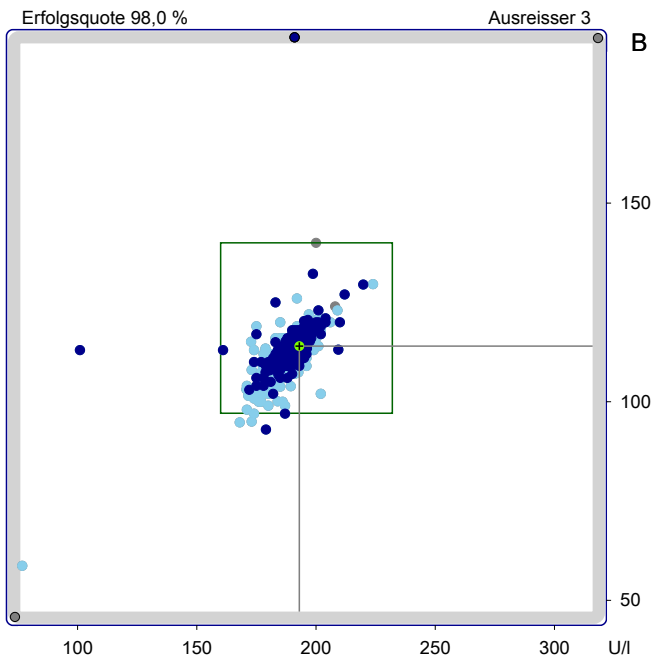


Andere Kits (Anzahl):
1-07(2), 1-12(1), 1-16(1), 1-32(2), 1-37(1), 1-108(1), 1-130(1), 1-163(2), 1-228(1),



Andere Kits (Anzahl):
1-07(2), 1-12(1), 1-16(1), 1-32(2), 1-37(1), 1-108(1), 1-130(1), 1-163(2), 1-228(1),

Analyt **LDH**
Methode Alle Methoden



Teilnehmerzahl	524		
Probe/Einheit	A	U/l	B
Mittelwert	189		112
Standardabweichung	9.43		5.49
Variationskoeffizient	4.99		4.89

B

Probe A (RMW = 196 U/l)

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		524	76.8	183	190	195	445
1	4	79	173	179	186	192	209
1	30	328	101	186	191	195	220
1	38	40	171	181	187	195	202
1	40	7	192		199		206
1	43	28	181	189	194	199	200
1	126	5	168		194		201
1	328	26	76.8	175	180	189	194

Probe B (RMW = 119 U/l)

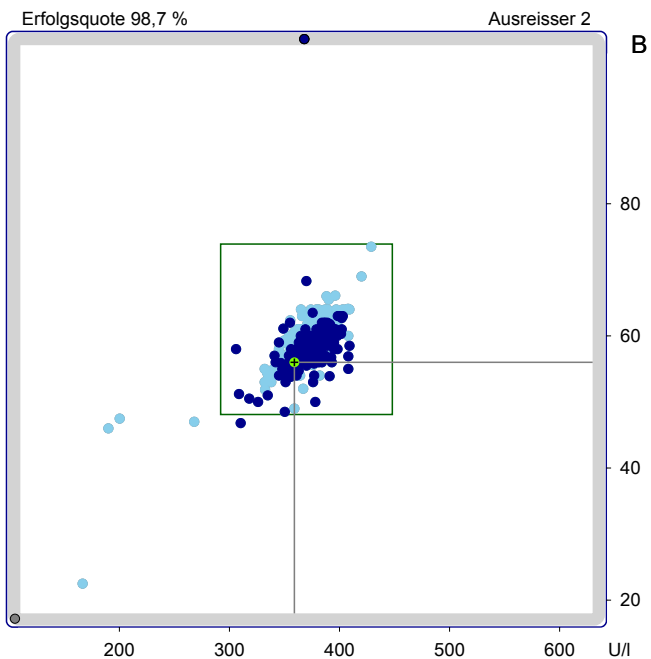
M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		524	58.7	108	113	116	252
1	4	79	95.0	104	109	115	123
1	30	328	93.0	110	113	116	192
1	38	40	98.0	107	111	115	126
1	40	7	114		117		120
1	43	28	109	112	114	116	117
1	126	5	94.8		117		121
1	328	26	58.7	102	109	114	116

Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt:

A	1.0 %
B	0.8 %

Andere Kits (Anzahl):
1-07(1), 1-16(1), 1-99(1), 1-163(1), 1-228(1), 2-30(2), 2-99(1), 2-168(2), 2-335(1),

Analyt **Gamma-GT**
Methode Alle Methoden



Teilnehmerzahl	570		
Probe/Einheit	A	U/l	B
Mittelwert	372		58.4
Standardabweichung	20.5		3.11
Variationskoeffizient	5.51		5.33

B

Probe A (RMW = 370 U/l)

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		570	167	359	374	386	429
1	4	81	346	359	373	389	409
1	30	348	306	364	375	385	409
1	38	44	341	354	367	373	393
1	40	7	334		357		382
1	43	33	332	364	387	397	400
1	99	6	167		234		358
1	126	7	332		350		364
1	168	3	332		389		408
1	328	26	350	361	374	382	429
1	335	3	359		359		363

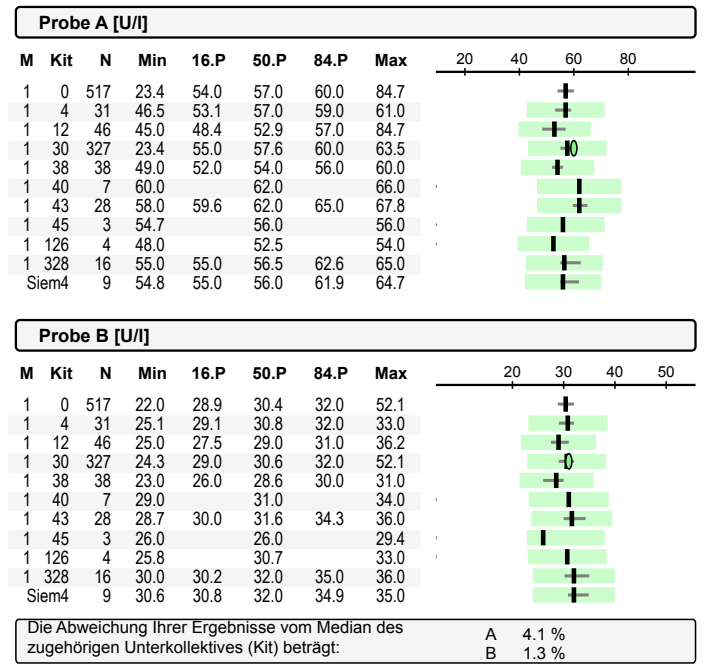
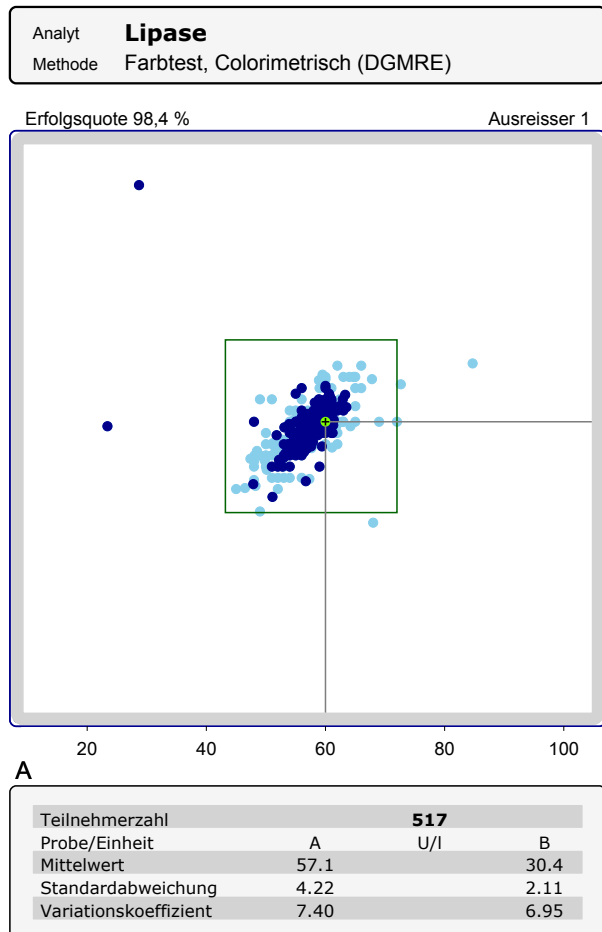
Probe B (RMW = 61.0 U/l)

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		570	22.5	56.5	58.6	61.0	118
1	4	81	54.0	57.0	59.0	60.0	64.0
1	30	348	46.8	56.6	58.2	60.0	118
1	38	44	52.0	56.0	58.0	59.5	62.0
1	40	7	49.0		56.8		60.0
1	43	33	53.0	57.4	61.0	62.6	64.0
1	99	6	22.5		47.2		57.6
1	126	7	55.0		57.0		59.0
1	168	3	51.9		64.0		64.1
1	328	26	56.0	59.7	62.0	64.0	73.5
1	335	3	59.3		59.9		60.6

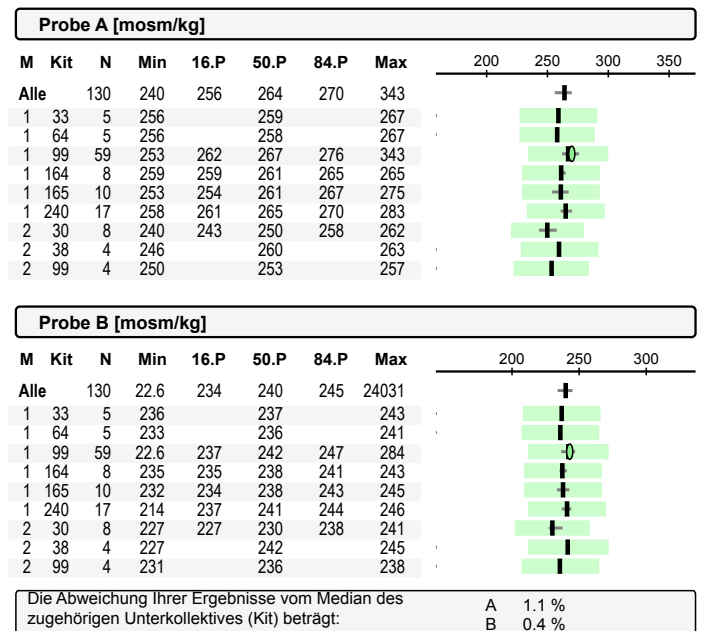
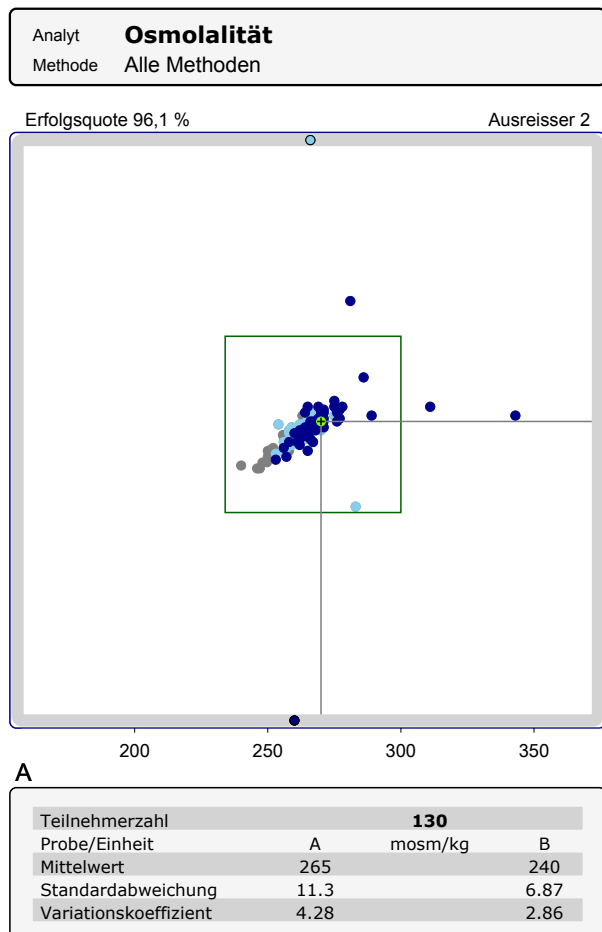
Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt:

A	-4.2 %
B	-3.7 %

Andere Kits (Anzahl):
1-07(2), 1-12(2), 1-25(2), 1-32(2), 1-37(1), 1-108(1), 1-163(1), 1-228(1),



Andere Kits (Anzahl):
1-07(1), 1-32(1), 1-37(1), 1-89(1), 1-99(1), 1-163(1), 1-168(2),



Andere Kits (Anzahl):
1-07(1), 1-30(1), 1-93(1), 1-163(1), 1-358(2), 2-04(2), 3-99(2),

