

Ringversuch: **KU2/25**
im Monat: **April 2025**
Teilnehmer-Nr.: **0000002**
ausgestellt am: **05.04.25**



Referenzinstitut für Bioanalytik

Medizinische Hochschule Hannover
Institut für Klinische Chemie
Prof. Dr. med. Brand
z.Hd. Dr. Grote-Koska
Carl-Neuberg-Str. 1
30625 Hannover



Ringversuchsleiter

Prof. Dr. C. Knabbe
Prof. Dr. Dr. K.P. Kohse
Prof. Dr. M. Neumaier

Leitung RfB

Dr. A. Kessler

Bonn, 17. April 2025

Zertifikat

Wir bestätigen Ihnen hiermit, dass Sie am Ringversuch für klinisch-chemische Analyte im Urin teilgenommen haben.

Sie haben die Anforderungen des Ringversuches für folgende Messgrößen erfüllt:

Glucose	(1)	Harnsäure	(3)	Harnstoff	(3)
Kreatinin	(2)	Oxalat	(2)	Gesamtprotein	(4)
a1-Mikroglobulin	(2)	Albumin	(2)	IgG	(2)
Calcium	(6)	Chlorid	(4)	Kalium	(2)
Magnesium	(2)	Natrium	(2)	Phosphor, anorg.	(4)
Osmolalität	(1)	a2-Makroglobulin	(1)	Proteinurie	(1)
pH-ST	(2)	Eiweiß-ST	(2)	Glucose-ST	(2)
Hämoglobin-ST	(2)	Leukozyten-ST	(2)	Keton-ST	(2)
Nitrit-ST	(2)	Bilirubin-ST	(2)	spez. Gew.-ST	(2)
Urobilinog.-ST	(2)				

Dieses Zertifikat ist gemäß aktueller Version der RiliBÄK gültig bis einschließlich Oktober 2025.

W. Brand *A. Kessler* *M. Enders*

Die hinter jedem Analyten angegebene Ziffer kennzeichnet die angewendete Analysenmethode.
Die Zuordnung der Ziffer zur jeweiligen Methode ist der Gesamtauswertung zu entnehmen.

Ringversuch: **KU2/25**
im Monat: **April 2025**
Teilnehmer-Nr.: **0000002**
ausgestellt am: **05.04.25**



Referenzinstitut für Bioanalytik

Medizinische Hochschule Hannover
Institut für Klinische Chemie
Prof. Dr. med. Brand
z.Hd. Dr. Grote-Koska
Carl-Neuberg-Str. 1
30625 Hannover



Ringversuchsleiter

Prof. Dr. C. Knabbe
Prof. Dr. Dr. K.P. Kohse
Prof. Dr. M. Neumaier

Leitung RfB

Dr. A. Kessler

Bonn, 17. April 2025

Teilnahmebescheinigung

Wir bestätigen Ihnen hiermit, dass Sie am Ringversuch für klinisch-chemische Analyte im Urin teilgenommen haben.

Die von Ihnen bestimmten Messgrößen sind nachfolgend aufgeführt:

Glucose	(1)	Harnsäure	(3)	Harnstoff	(3)
Kreatinin	(2)	Oxalat	(2)	Gesamtprotein	(4)
a1-Mikroglobulin	(2)	Albumin	(2)	IgG	(2)
Calcium	(6)	Chlorid	(4)	Kalium	(2)
Magnesium	(2)	Natrium	(2)	Phosphor, anorg.	(4)
Osmolalität	(1)	a2-Makroglobulin	(1)	Proteinurie	(1)
pH-ST	(2)	Eiweiß-ST	(2)	Glucose-ST	(2)
Hämoglobin-ST	(2)	Leukozyten-ST	(2)	Keton-ST	(2)
Nitrit-ST	(2)	Bilirubin-ST	(2)	spez. Gew.-ST	(2)
Urobilinog.-ST	(2)	Diagn.-Graph A	(1)	Diagn.-Graph B	(1)

W. Brand *A. Kessler* *M. Enders*

Die hinter jedem Analyten angegebene Ziffer kennzeichnet die angewendete Analysenmethode.
Die Zuordnung der Ziffer zur jeweiligen Methode ist der Gesamtauswertung zu entnehmen.

Ringversuch: **KU2/25**
im Monat: **April 2025**
Teilnehmer-Nr.: **0000002**

Auflistung und Bewertung aller Ihrer Ergebnisse

Erläuterungen

Zertifikat

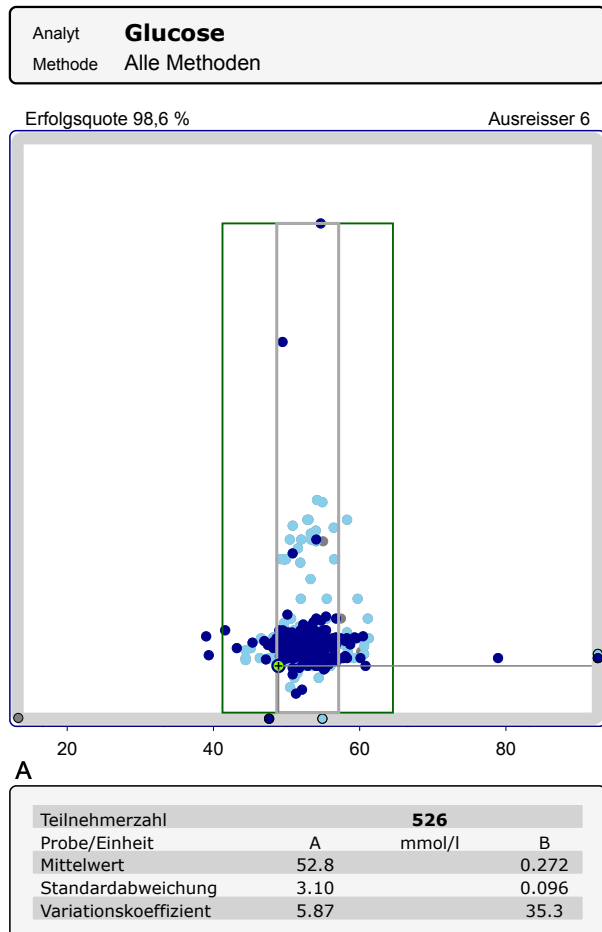
Ein Zertifikat wird nur dann für eine Messgrösse ausgestellt, wenn die Grundlagen für die Bewertung der Richtigkeit durch die Richtlinie der Bundesärztekammer gegeben ist bzw. wenn eine Bewertung in Analogie zu dieser Richtlinie (s. Hinweise zur Auswertung) möglich ist, und wenn beide Ergebnisse innerhalb der vorgegebenen Grenzen liegen. (Kennzeichnung unter B: +)

Teilnahmebescheinigung

In der Teilnahmebescheinigung sind alle Messgrössen aufgeführt, welche die Liste auf dieser Seite enthält.
Wenn alle untersuchten Messgrössen im Zertifikat aufgeführt sind, entfällt der Ausdruck einer Teilnahmebescheinigung.

Zeichenerklärung: B=Bewertung, M=Methoden-Nr., E=Ihr Ergebnis, D=Abweichung (E-ZW) Dmax=Betrag der maximal zulässigen Messabweichung, z. T. vorgegeben durch die Anlage 1 der Richtlinie der BÄK (Dt. Ärzteblatt 111, Heft 38, 19.9.2014). ZW=Zielwert, ggf. Referenzmethodenwert o. Sollwert, UG OG = untere bzw. obere Grenze								Bewertung: + = erfüllt (Quotient D/Dmax ≤ 1.0) - = nicht erfüllt (Quotient D/Dmax > 1.0 ± = Bewertung entfällt aus analytischen oder technischen Gründen							
--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--

	B	M	E	D/Dmax	ZW	UG	OG		B	M	E	D/Dmax	ZW	UG	OG
Glucose	+	1	A 48.9	-0.34	52.9	41.2	64.6	Glucose-ST	+	2	A Ch. 4		Ch. 5	Ch. 4	Ch. 5
[mmol/l]			B 0.200	-0.23	0.260	0	1.45	[ohne]			B Ch. 1		Ch. 1	Ch. 1	Ch. 1
Harnsäure	+	3	A 0.855	-0.04	0.863	0.660	1.07	Hämoglobin-ST	+	2	A Ch. 1		Ch. 1	Ch. 1	Ch. 1
[mmol/l]			B 0.935	-0.02	0.940	0.719	1.17	[ohne]			B Ch. 1		Ch. 1	Ch. 1	Ch. 1
Harnstoff	+	3	A 132	-0.27	140	110	170	Leukozyten-ST	+	2	A Ch. 1		Ch. 1	Ch. 1	Ch. 1
[mmol/l]			B 100	-0.09	102	80.4	124	[ohne]			B Ch. 3		Ch. 4	Ch. 3	Ch. 4
Kreatinin	+	2	A 9.95	0.47	9.02	7.11	11.0	Keton-ST	+	2	A Ch. 1		Ch. 1	Ch. 1	Ch. 1
[mmol/l]			B 9.90	0.44	9.02	7.11	11.0	[ohne]			B Ch. 1		Ch. 1	Ch. 1	Ch. 1
Oxalat	+	2	A 181	-0.31	210	115	305	Nitrit-ST	+	2	A neg		neg	neg	neg
[µmol/l]			B 119	-0.20	131	72.0	190	[ohne]			B neg		neg	neg	neg
Gesamtprotein	+	4	A 0.145	-0.41	0.161	0.122	0.200	Bilirubin-ST	+	2	A Ch. 1		Ch. 1	Ch. 1	Ch. 1
[g/l]			B 0.040	0.14	0.030	0	0.100	[ohne]			B Ch. 1		Ch. 1	Ch. 1	Ch. 1
a1-Mikroglobulin	+	2	A 0.006	0.00	0.005	0	0.020	spez. Gew.-ST	+	2	A 1.015	-0.50	1.020	1.010	1.030
[g/l]			B 0.005	0	0.005	0	0.020	[g/ml]			B 1.008	-0.20	1.010	1.000	1.020
Albumin	+	2	A 0.110	-0.46	0.125	0.092	0.158	Urobilinog.-ST	+	2	A Ch. 1		Ch. 1	Ch. 1	Ch. 1
[g/l]			B 0.003	0	0.003	0	0.020	[ohne]			B Ch. 1		Ch. 1	Ch. 1	Ch. 1
IgG	+	2	A 0.007	0.44	0.004	0	0.010	Diagn.-Graph A	±	1	A 97.8				
[g/l]			B 0.007	0.50	0.004	0	0.010	[mg/g Krea]			B 5.33				
Calcium	+	6	A 1.48	-0.15	1.52	1.26	1.78	Diagn.-Graph B	±	1	A 2.68				
[mmol/l]			B 1.13	0.15	1.10	0.913	1.29	[mg/g Krea]			B 4.47				
Chlorid	+	4	A 117	0	117	100	134								
[mmol/l]			B 53.0	0	53.0	45.5	60.5								
Kalium	+	2	A 31.0	0	31.0	26.3	35.7								
[mmol/l]			B 29.5	0.09	29.1	24.7	33.5								
Magnesium	+	2	A 2.01	-0.13	2.08	1.53	2.63								
[mmol/l]			B 1.97	-0.04	1.99	1.47	2.51								
Natrium	+	2	A 115	0.07	114	100	128								
[mmol/l]			B 71.0	0.11	70.0	61.6	78.4								
Phosphor, anorg.	+	4	A 10.1	0.04	10.0	8.00	12.1								
[mmol/l]			B 10.1	0	10.1	8.10	12.2								
Osmolalität	+	1	A 503	0.03	501	440	562								
[mosm/kg]			B 297	0.20	290	255	325								
a2-Makroglobulin	+	1	A 0.003	0	0.003	0	0.005								
[g/l]			B 0.003	0	0.003	0	0.005								
Proteinurie	+	1	A Ch. 12		Ch. 12,										
[ohne]			B Ch. 11		Ch. 11,										
pH-ST	+	2	A 5,5		5,5	5	6								
[ohne]			B 7,5		7,5	6,5	8								
Eiweiß-ST	+	2	A Ch. 2		Ch. 2	Ch. 1	Ch. 3								
[ohne]			B Ch. 1		Ch. 1	Ch. 1	Ch. 1								



B

1,50

1,00

0,50

mmol/l

Probe A (ZW = 52.9 [mmol/l])

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max	
Alle	526	39.0	50.5	52.9	55.1	111		
1	4	72	44.4	49.8	52.6	55.5	111	
1	30	328	39.0	50.8	53.1	55.1	108	
1	38	41	49.0	51.9	54.4	58.0	61.2	
1	40	13	46.3	46.5	48.5	51.2	51.7	
1	43	41	44.4	49.1	51.3	52.7	55.3	
1	126	4	51.4		53.1		54.9	
1	328	18	49.6	49.9	53.1	56.5	59.7	

Probe B (ZW = 0.260 [mmol/l])

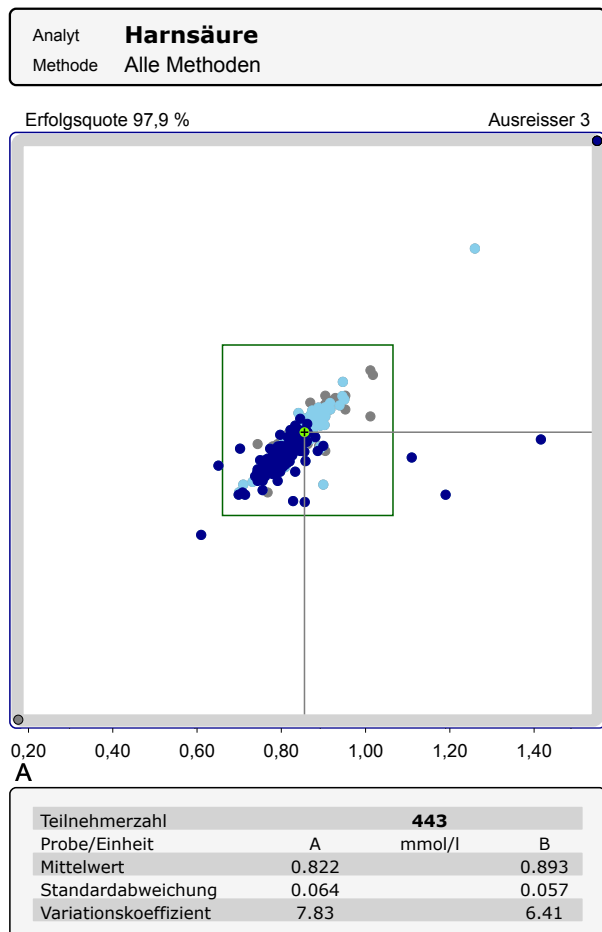
M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max	
Alle	526	0	0.222	0.260	0.283	1.44		
1	4	72	0.167	0.216	0.224	0.250	0.555	
1	30	328	0.033	0.222	0.266	0.279	1.44	
1	38	41	0	0.200	0.250	0.278	0.555	
1	40	13	0.220	0.222	0.222	0.272	0.278	
1	43	41	0.200	0.232	0.278	0.301	0.500	
1	126	4	0.200		0.250		0.660	
1	328	18	0.222	0.389	0.515	0.610	0.666	

Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt:

A -7.8 %
B -24.93 %

Andere Kits (Anzahl):

1-07(1), 1-128(1), 1-228(1), 3-99(1), 4-04(1), 4-08(1), 4-13(1), 4-38(1), 5-30(1),



B

1,50

1,00

0,50

mmol/l

Probe A (RMW = 0.863 mmol/l)

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max	
Alle	443	0.610	0.774	0.810	0.869	959		
1	4	13	0.762	0.781	0.821	0.859	0.890	
1	30	18	0.762	0.770	0.792	0.815	0.833	
1	43	6	0.869		0.900		0.952	
1	328	10	0.851	0.851	0.905	1.01	1.02	
2	30	5	0.774		0.825		959	
3	4	42	0.710	0.800	0.821	0.853	1.26	
3	30	262	0.610	0.774	0.798	0.833	45.2	
3	38	27	0.700	0.810	0.841	0.891	0.946	
3	40	12	0.807	0.811	0.881	0.915	0.950	
3	43	30	0.800	0.851	0.875	0.899	0.939	
3	328	4	0.827		0.881		0.945	

Probe B (RMW = 0.940 mmol/l)

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max	
Alle	443	0.670	0.850	0.888	0.945	809		
1	4	13	0.857	0.869	0.899	0.926	0.946	
1	30	18	0.780	0.834	0.866	0.904	0.905	
1	43	6	0.952		1.01		1.03	
1	328	10	0.887	0.887	0.985	1.04	1.08	
2	30	5	0.833		0.917		809	
3	4	42	0.800	0.869	0.900	0.929	1.41	
3	30	262	0.670	0.840	0.875	0.900	37.0	
3	38	27	0.780	0.893	0.930	0.968	1.07	
3	40	12	0.800	0.845	0.946	0.993	1.02	
3	43	30	0.893	0.920	0.959	0.994	1.01	
3	328	4	0.884		0.966		1.03	

Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt:

A 7.1 %
B 6.8 %

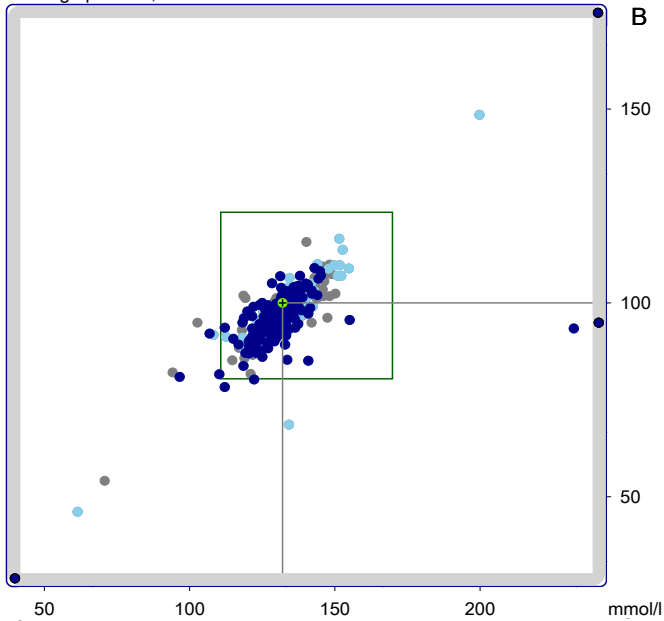
Andere Kits (Anzahl):

1-38(2), 1-40(2), 1-128(1), 1-168(1), 2-04(1), 2-43(1), 3-07(1), 3-126(1), 3-228(1), 4-08(1), 5-04(1), 5-328(1),

Analyt **Harnstoff**
Methode Alle Methoden

Erfolgsquote 96,5 %

Ausreisser 4



A

Teilnehmerzahl	487	
Probe/Einheit	A	mmol/l
Mittelwert	131	96.5
Standardabweichung	10.4	6.64
Variationskoeffizient	7.95	6.89

B

Probe A (RMW = 140 mmol/l)

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle	487	23.5	124	131	138	332	
1	4	11	122	123	126	142	146
1	30	42	117	122	129	134	148
1	38	5	122		132		136
1	43	11	118	124	130	134	141
2	30	9	94.2	112	131	143	148
2	328	4	144		146		149
3	4	45	113	124	129	136	200
3	30	241	23.5	124	130	136	332
3	38	28	61.4	125	133	139	152
3	40	11	133	134	138	152	153
3	43	24	118	126	132	139	140
3	328	6	132		146		155
4	30	17	123	127	134	140	147
6	30	6	121		131		137

Probe B (RMW = 102 mmol/l)

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle	487	10.7	91.6	96.4	101	212	
1	4	11	88.8	90.0	94.9	101	109
1	30	42	85.7	91.7	96.0	99.4	110
1	38	5	88.6		96.1		101
1	43	11	89.0	92.0	95.1	99.9	104
2	30	9	82.1	88.8	97.4	102	102
2	328	4	101		104		107
3	4	45	87.5	91.0	96.1	102	149
3	30	241	10.7	91.6	96.2	100	212
3	38	28	46.1	92.0	97.6	103	117
3	40	11	68.6	95.6	100	110	114
3	43	24	88.9	91.6	95.7	99.9	103
3	328	6	99.1		106		110
4	30	17	89.3	94.5	96.6	102	108
6	30	6	81.7		93.7		100

Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt:

A 1.6 %
B 3.9 %

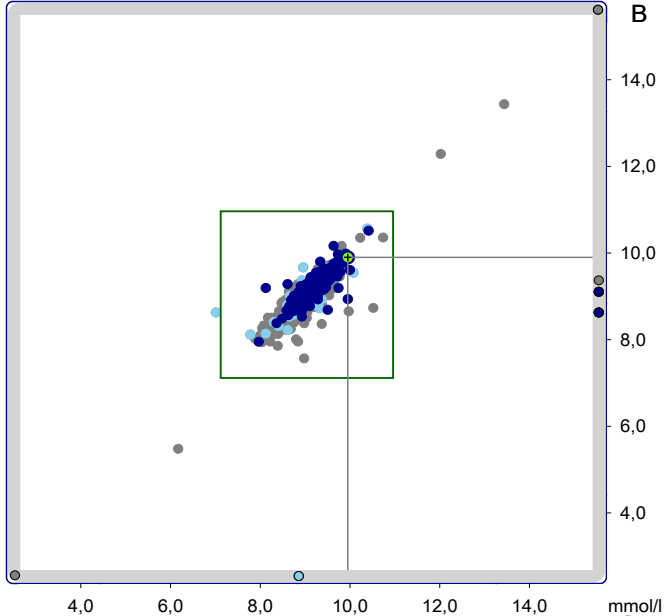
Andere Kits (Anzahl):

1-40(2), 1-328(3), 2-04(3), 2-38(1), 2-43(1), 3-07(1), 3-99(1), 3-126(1), 3-128(1), 3-228(1), 4-04(3), 4-38(2), 4-40(1), 4-43(2), 5-04(1), 5-08(1), 6-43(1), 6-328(1).

Analyt **Kreatinin**
Methode Alle Methoden

Erfolgsquote 98,5 %

Ausreisser 7



A

Teilnehmerzahl	750	
Probe/Einheit	A	mmol/l
Mittelwert	9.03	8.99
Standardabweichung	0.466	0.474
Variationskoeffizient	5.16	5.27

B

Probe A (ZW = 9.02 [mmol/l])

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle	750	6.17	8.62	9.02	9.42	7258	
1	4	75	7.99	8.40	8.66	8.93	13.4
1	30	275	6.17	8.72	9.11	9.48	7258
1	38	50	8.40	8.78	9.11	9.37	10.2
1	40	11	7.89	8.35	8.84	9.20	9.22
1	43	29	8.04	8.25	8.58	8.81	9.20
1	126	5	8.58		9.11		9.60
1	328	23	8.50	8.64	8.84	8.96	9.49
2	4	22	8.41	8.64	8.78	8.93	9.32
2	30	177	7.97	8.86	9.20	9.58	25.5
2	38	14	8.85	8.89	9.00	9.25	10.1
2	43	23	8.12	8.66	8.99	9.18	9.33
2	126	5	7.01		8.85		10.4
4	30	7	8.51		9.37		9.81

Probe B (ZW = 9.02 [mmol/l])

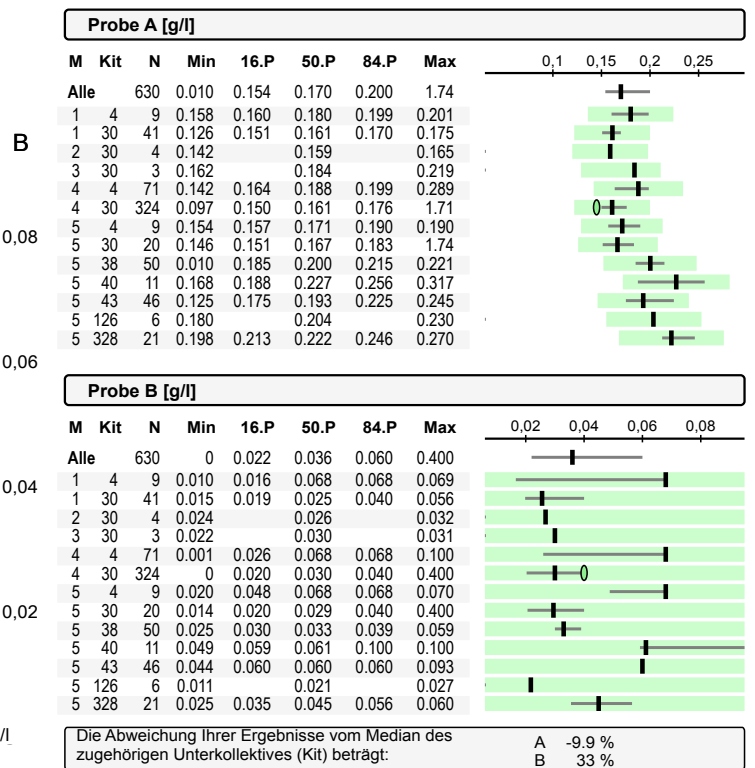
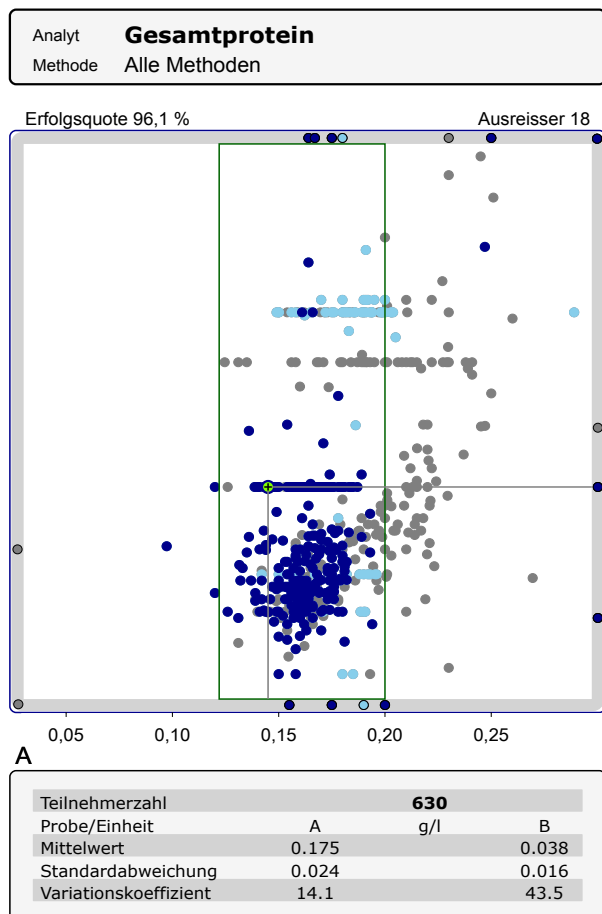
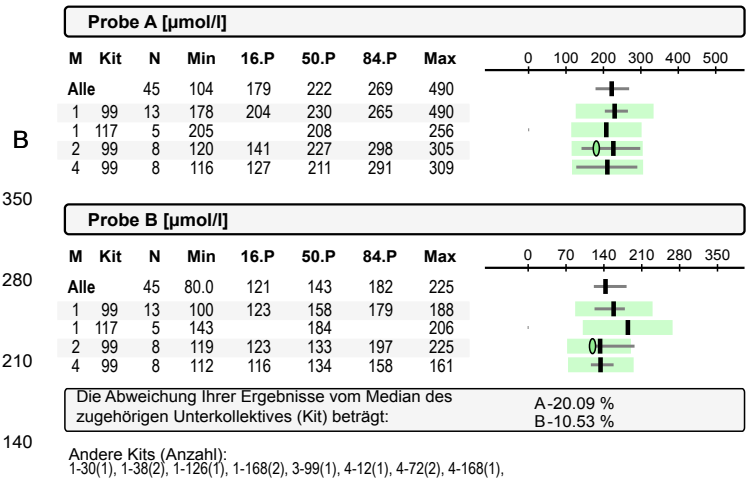
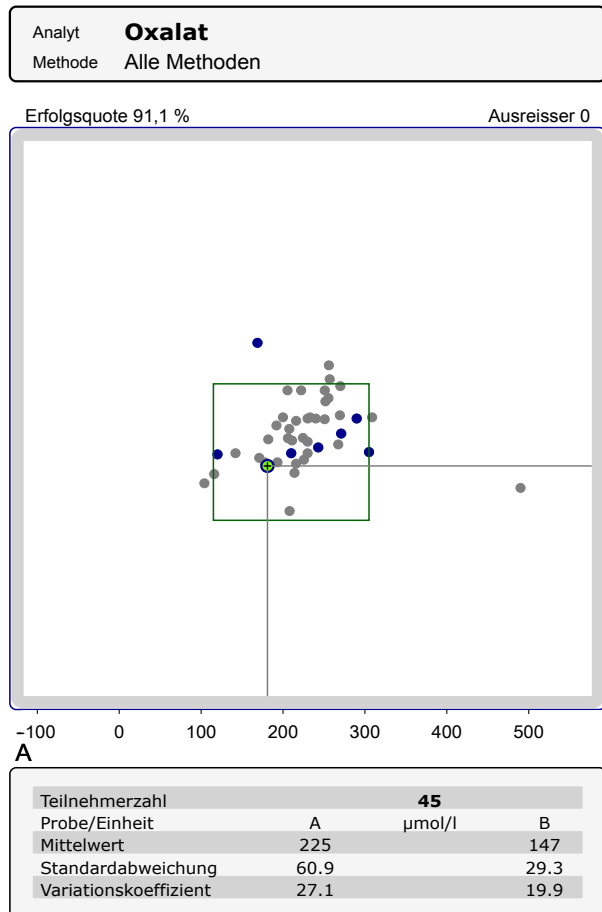
M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle	750	0.831	8.58	9.02	9.37	9513	
1	4	75	7.96	8.40	8.58	8.86	13.4
1	30	275	5.48	8.66	9.04	9.46	9513
1	38	50	8.39	8.70	9.05	9.30	10.4
1	40	11	8.02	8.30	8.88	9.21	9.28
1	43	29	7.94	8.16	8.49	8.81	9.37
1	126	5	8.66		9.17		9.66
1	328	23	8.23	8.56	8.77	8.90	9.18
2	4	22	0.831	8.46	8.76	8.93	9.02
2	30	177	7.96	8.84	9.18	9.55	10.5
2	38	14	8.80	8.85	9.09	9.48	9.67
2	43	23	8.14	8.72	9.02	9.24	9.28
2	126	5	8.63		8.90		10.6
4	30	7	8.58		9.14		9.81

Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt:

A 8.2 %
B 7.8 %

Andere Kits (Anzahl):

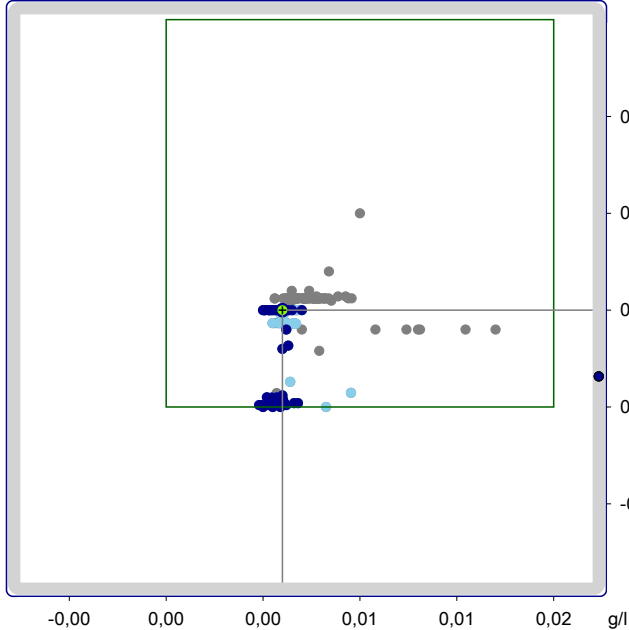
1-28(1), 1-99(2), 1-108(2), 1-128(1), 2-07(1), 2-16(1), 2-40(4), 2-99(2), 2-228(1), 2-285(1), 2-328(4), 3-08(3), 3-30(1), 4-04(3), 4-38(4), 4-43(1), 4-129(1), 4-162(1).



Analyt **a1-Mikroglobulin**
Methode Alle Methoden

Erfolgsquote 99,4 %

Ausreisser 1



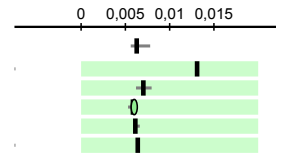
A

Teilnehmerzahl	176	
Probe/Einheit	A	B
Mittelwert	0.006	0.004
Standardabweichung	0.001	0.001
Variationskoeffizient	25.7	43.1

B

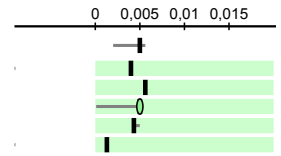
Probe A [g/l]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle	176		0.004	0.005	0.006	0.007	0.038
1	13	7	0.010		0.013		0.017
1	28	75	0.005	0.006	0.007	0.008	0.010
2	30	66	0.004	0.005	0.005	0.006	0.038
2	140	18	0.005	0.005	0.006	0.006	0.006
2	156	3	0.005		0.006		0.008



Probe B [g/l]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle	176		0	0.002	0.005	0.005	0.010
1	28	75	0.000	0.005	0.005	0.005	0.010
2	30	66	0	0.000	0.005	0.005	0.005
2	140	18	0.004	0.004	0.004	0.005	0.005
2	156	3	0		0.001		0.005



Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt:

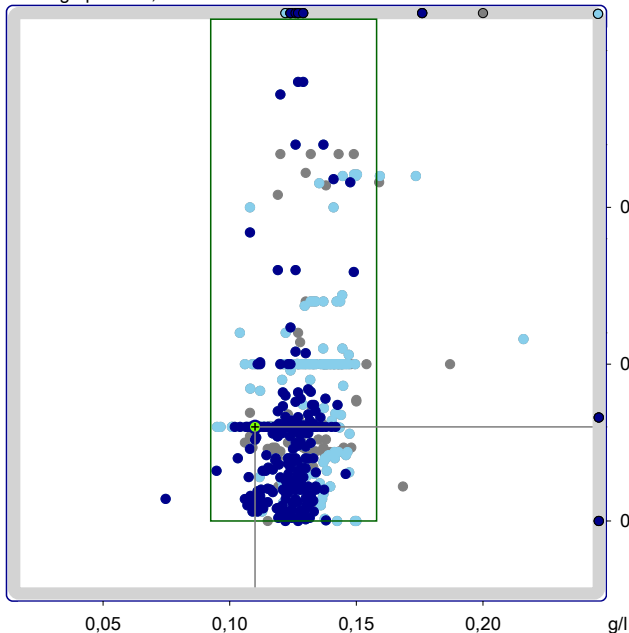
A	2.4 %
B	0 %

Andere Kits (Anzahl):
1-30(1), 1-43(2), 1-140(1), 2-14(1), 2-99(1), 7-30(1),

Analyt **Albumin**
Methode Alle Methoden

Erfolgsquote 97,2 %

Ausreisser 13



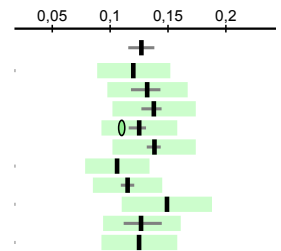
A

Teilnehmerzahl	550	
Probe/Einheit	A	B
Mittelwert	0.127	0.003
Standardabweichung	0.012	0.002
Variationskoeffizient	9.69	74.2

B

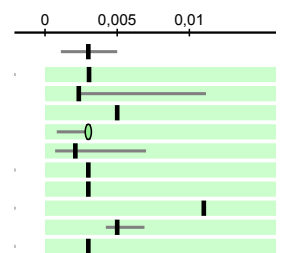
Probe A [g/l]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle	550		0.005	0.116	0.127	0.138	1.48
1	13	6	0.108		0.120		0.130
1	28	36	0.109	0.118	0.132	0.143	0.150
2	4	58	0.005	0.127	0.138	0.144	0.216
2	30	311	0.074	0.116	0.125	0.131	0.498
2	38	41	0.123	0.132	0.138	0.144	0.147
2	40	7	0.101		0.106		0.141
2	43	37	0.095	0.109	0.115	0.121	0.122
2	140	7	0.135		0.149		0.159
2	328	11	0.108	0.112	0.127	0.145	0.147
3	30	6	0.115		0.125		0.133



Probe B [g/l]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle	550		0	0.001	0.003	0.005	0.200
1	13	6	0.002		0.003		0.005
1	28	36	0.001	0.002	0.002	0.011	0.011
2	4	58	0.000	0.005	0.005	0.005	0.140
2	30	311	0	0.000	0.003	0.003	0.040
2	38	41	0	0.000	0.002	0.007	0.010
2	40	7	0.001		0.003		0.006
2	43	37	0.000	0.003	0.003	0.003	0.020
2	140	7	0.010		0.011		0.011
2	328	11	0.004	0.004	0.005	0.006	0.007
3	30	6	0.001		0.003		0.003



Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt:

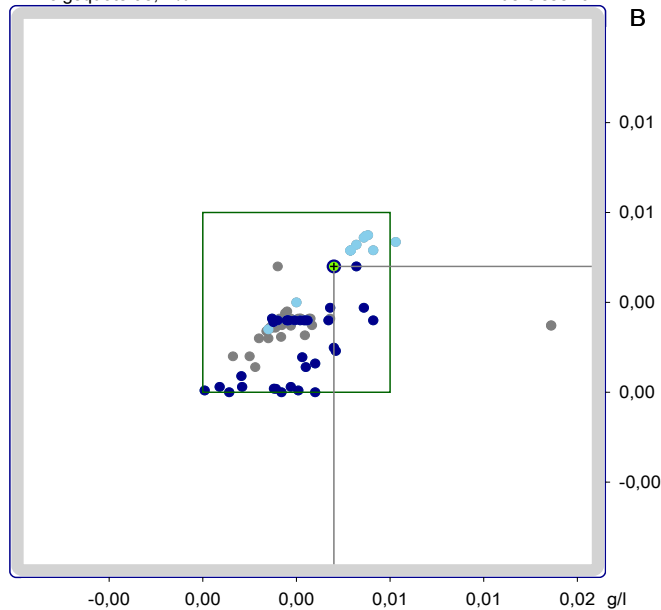
A	12.07 %
B	0 %

Andere Kits (Anzahl):
1-04(1), 1-30(3), 1-43(2), 1-140(1), 1-228(1), 2-08(2), 2-14(1), 2-126(3), 2-156(2), 3-04(3), 3-08(1), 3-38(1), 3-40(1), 3-328(1), 4-30(1), 6-30(3), 6-44(3),

Analyt	IgG
Methode	Alle Methoden

Erfolgsquote 98,7 %

Ausreisser 0



A

Teilnehmerzahl	165		
Probe/Einheit	A	g/l	B
Mittelwert	0.004		0.004
Standardabweichung	0.002		0.001
Variationskoeffizient	47.3		45.3

B

Probe A [g/l]												
M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max	0 0,005 0,01 0,015				
Alle		165	0.000	0.003	0.004	0.007	0.018					
1	13	9	0.002	0.002	0.003	0.003	0.003					
1	28	78	0.003	0.003	0.004	0.004	0.018					
1	30	3	0.001		0.002		0.003					
2	30	53	0.000	0.003	0.004	0.006	0.009					
2	140	17	0.007	0.007	0.007	0.009	0.010					

Probe B [g/l]												
M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max	0 0,005 0,01 0,015				
Alle		165	0	0.003	0.004	0.004	0.008					
1	13	9	0.002	0.002	0.003	0.003	0.003					
1	28	78	0.003	0.003	0.004	0.004	0.007					
1	30	3	0.001		0.002		0.003					
2	30	53	0	0.000	0.004	0.004	0.007					
2	140	17	0.007	0.007	0.007	0.008	0.008					

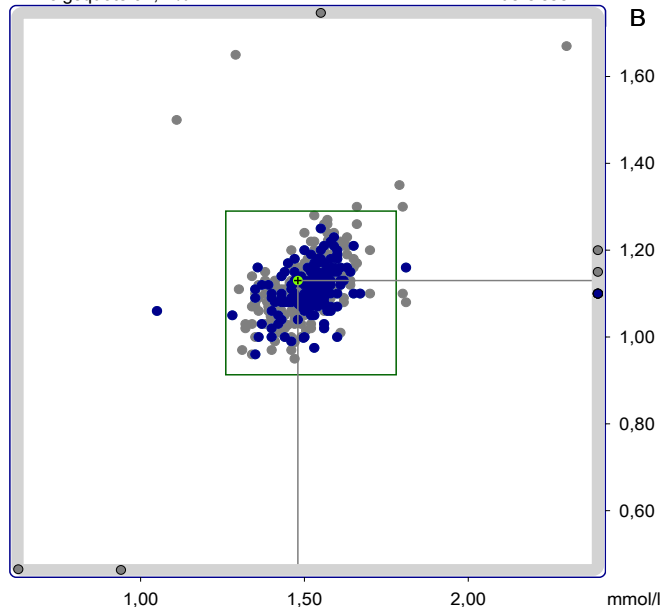
Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt:

A 52 %
B 75 %Andere Kits (Anzahl):
1-43(1), 1-140(1), 1-328(1), 2-14(1), 2-28(1),

Analyt	Calcium
Methode	Alle Methoden

Erfolgsquote 97,2 %

Ausreisser 7



A

Teilnehmerzahl	547		
Probe/Einheit	A	mmol/l	B
Mittelwert	1.51		1.11
Standardabweichung	0.090		0.070
Variationskoeffizient	5.98		6.32

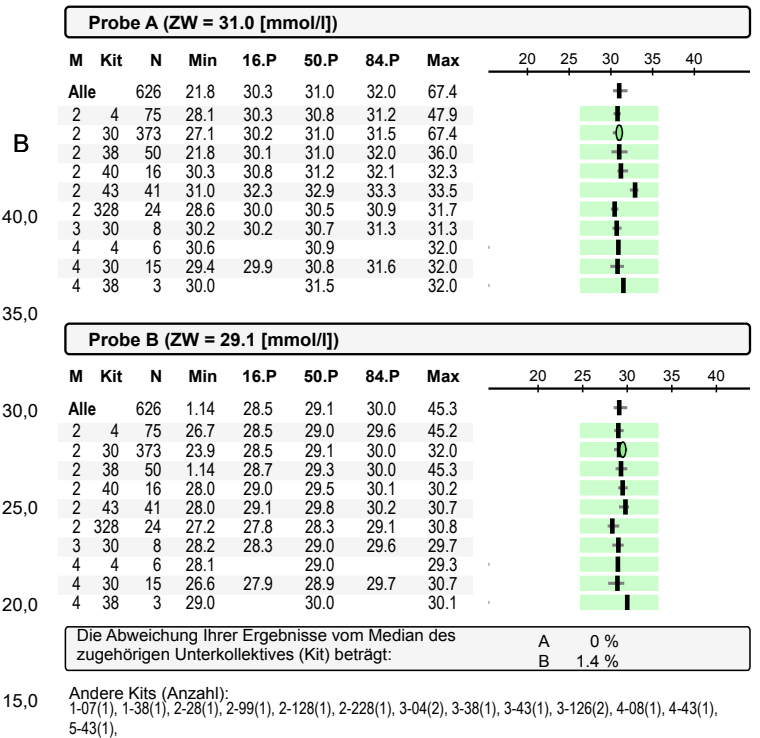
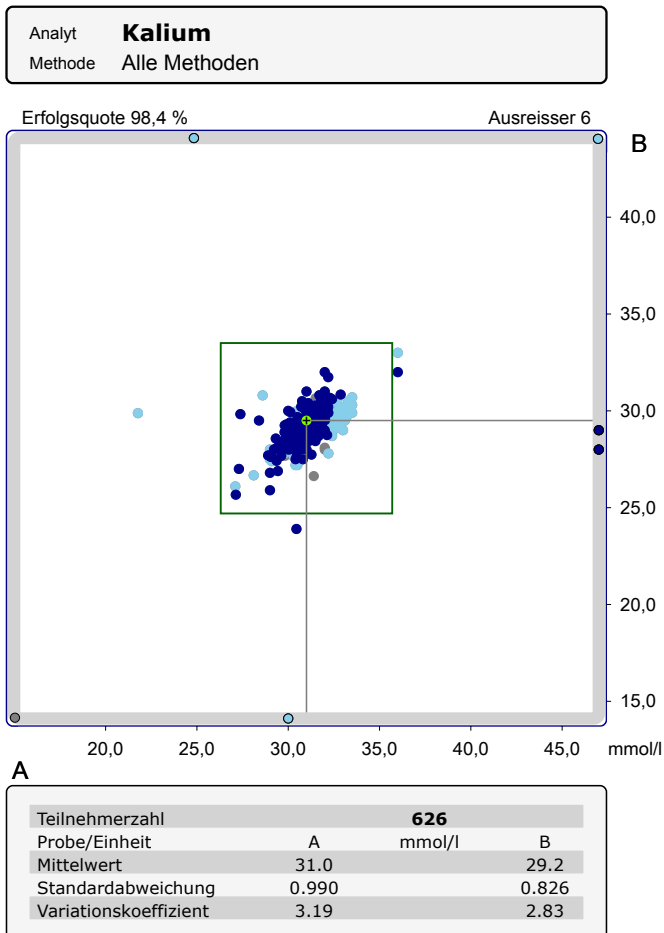
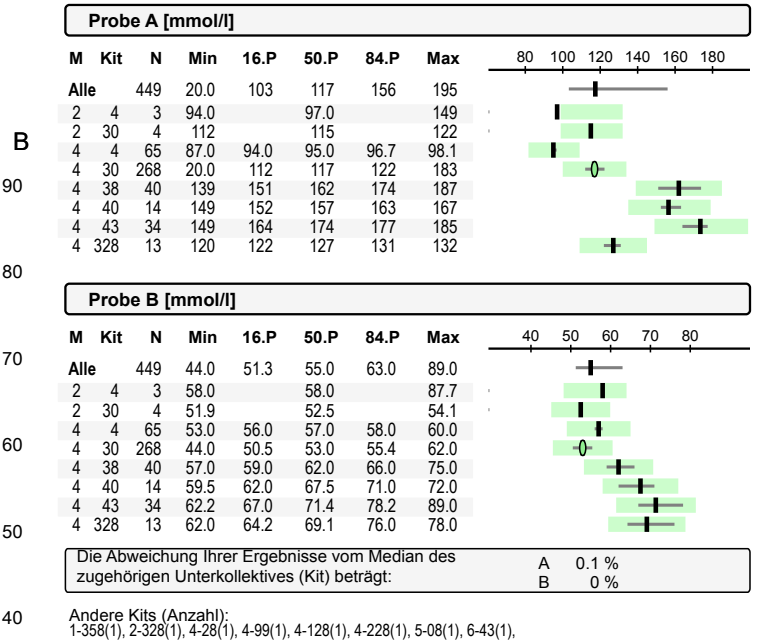
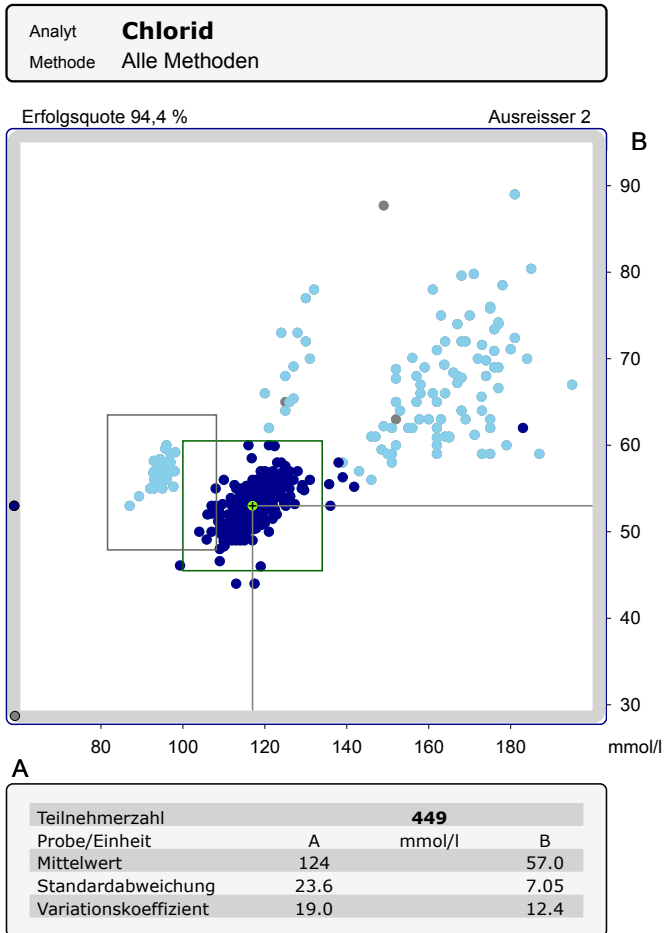
B

Probe A [mmol/l]											
M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max		1	1,5	2
Alle	547		0.940	1.42	1.51	1.58	1.54				
3	4	10	1.34	1.37	1.43	1.50	1.51				
3	30	132	1.34	1.46	1.51	1.57	2.50				
3	38	7	1.44		1.54		1.81				
3	40	9	1.34	1.37	1.40	1.49	1.51				
3	43	17	1.34	1.41	1.50	1.56	1.54				
3	328	21	1.29	1.52	1.58	1.63	1.66				
4	4	62	1.30	1.36	1.46	1.51	2.30				
4	30	6	1.42		1.50		1.59				
4	38	33	1.11	1.48	1.54	1.60	1.80				
4	43	21	1.38	1.48	1.53	1.60	1.65				
6	30	195	1.05	1.44	1.52	1.59	4.90				
8	4	7	1.35		1.40		1.51				
8	38	5	1.53		1.56		1.64				
8	126	4	1.35		1.46		1.49				

Probe B [mmol/l]													
M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max	0,8 1 1,2 1,4 1,6					
Alle		547	0.320	1.06	1.10	1.18	28.0						
3	4	10	1.00	1.00	1.08	1.15	1.20						
3	30	132	0.970	1.07	1.10	1.16	1.25						
3	38	7	1.02		1.12		1.20						
3	40	9	0.970	1.01	1.07	1.10	1.10						
3	43	17	0.950	1.03	1.08	1.12	1.15						
3	328	21	1.16	1.18	1.23	1.26	1.65						
4	4	62	0.960	1.03	1.09	1.13	1.67						
4	30	6	1.03		1.08		1.23						
4	38	33	1.03	1.08	1.13	1.20	1.50						
4	43	21	1.01	1.08	1.10	1.19	1.22						
6	30	195	0.960	1.07	1.10	1.17	1.25						
8	4	7	1.06		1.08		1.10						
8	38	5	1.10		1.12		28.0						
8	126	4	1.00		1.01		1.03						

Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt:

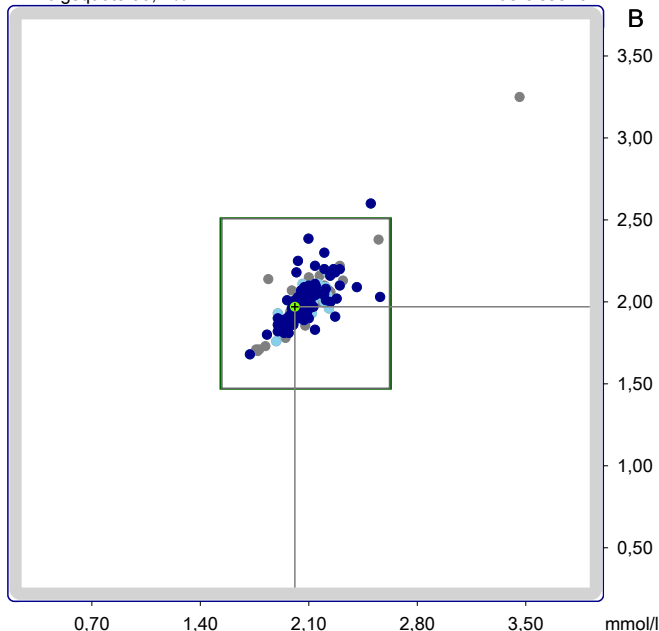
A -2.6 %
B 2.7 %Andere Kits (Anzahl):
1-43(1), 1-99(1), 1-134(1), 3-07(1), 3-08(1), 3-128(1), 3-228(1), 4-40(3), 4-99(1), 4-126(1), 5-08(1), 7-30(1), 7-38(1), 7-99(1), 8-134(2),



Analyt **Magnesium**
Methode Alle Methoden

Erfolgsquote 99,2 %

Ausreisser 0



A

Teilnehmerzahl	266		
Probe/Einheit	A	mmol/l	B
Mittelwert	2.09		2.00
Standardabweichung	0.140		0.132
Variationskoeffizient	6.68		6.61

Probe A (ZW = 2.08 [mmol/l])

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max	
Alle	266		1.72	2.00	2.08	2.18	3.46	
1	99	3	1.96		2.10		2.20	
2	4	8	2.00	2.04	2.14	2.20	2.20	
2	30	119	1.72	1.98	2.05	2.17	2.56	
2	38	14	2.00	2.03	2.10	2.17	2.23	
2	40	9	1.89	1.90	2.03	2.19	2.21	
2	43	26	2.00	2.05	2.10	2.16	2.22	
3	4	31	1.76	1.99	2.12	2.23	3.46	
4	30	3	2.00		2.08		2.32	
5	30	19	1.82	1.99	2.02	2.18	2.22	
6	4	5	2.06		2.11		2.30	
6	30	7	1.84		2.10		2.21	
6	43	3	2.06		2.13		2.17	
6	328	6	2.02		2.10		2.12	

Probe B (ZW = 1.99 [mmol/l])

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max	
Alle	266		1.68	1.90	1.99	2.09	3.25	
1	99	3	1.90		2.00		2.10	
2	4	8	1.90	1.94	2.01	2.10	2.11	
2	30	119	1.68	1.89	1.98	2.09	2.60	
2	38	14	1.93	1.93	2.00	2.09	2.11	
2	40	9	1.76	1.84	1.93	2.08	2.09	
2	43	26	1.89	1.93	1.99	2.04	2.10	
3	4	31	1.70	1.90	2.02	2.10	3.25	
4	30	3	1.90		1.98		2.13	
5	30	19	1.73	1.90	1.97	2.06	2.10	
6	4	5	1.98		2.01		2.22	
6	30	7	1.78		2.02		2.15	
6	43	3	1.93		2.00		2.00	
6	328	6	1.97		2.00		2.06	

Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt:

A -1.9 %
B -0.5 %

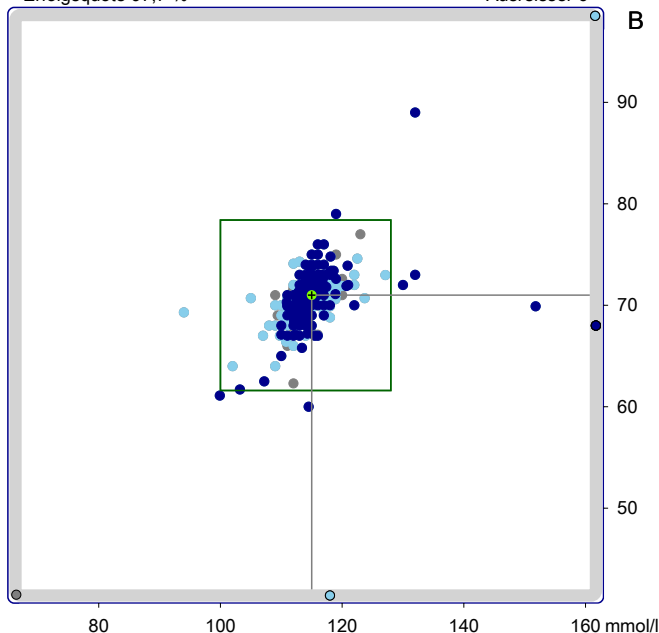
Andere Kits (Anzahl):

1-27(1), 2-99(1), 2-328(2), 3-30(1), 4-08(1), 4-38(1), 5-04(1), 6-38(1), 6-99(1), 6-134(2), 6-228(1),

Analyt **Natrium**
Methode Alle Methoden

Erfolgsquote 97,7 %

Ausreisser 6



A

Teilnehmerzahl	632		
Probe/Einheit	A	mmol/l	B
Mittelwert	114		70.3
Standardabweichung	3.33		2.09
Variationskoeffizient	2.92		2.98

Probe A (ZW = 114 [mmol/l])

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max	
Alle	632		67.0	112	114	116	290	
2	4	76	102	111	113	114	178	
2	30	377	99.9	113	114	116	290	
2	38	52	94.0	111	112	114	124	
2	40	16	111	111	114	115	117	
2	43	41	113	117	118	119	123	
2	328	24	67.0	110	112	113	116	
3	30	8	112	112	113	118	118	
4	4	4	112		114		118	
4	30	12	109	111	113	116	117	
4	38	3	109		111		114	
5	4	3	113		113		116	

Probe B (ZW = 70.0 [mmol/l])

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max	
Alle	632		30.1	69.0	70.0	72.0	111	
2	4	76	64.0	69.0	70.0	71.0	110	
2	30	377	60.0	69.0	70.8	72.0	89.0	
2	38	52	67.0	68.0	69.0	70.0	73.0	
2	40	16	67.0	68.3	70.0	70.9	71.4	
2	43	41	30.1	70.0	71.0	72.0	74.6	
2	328	24	64.0	66.4	68.0	70.0	111	
3	30	8	69.0	69.0	70.5	73.6	74.0	
4	4	4	69.0		70.5		71.0	
4	30	12	62.3	66.2	70.0	72.4	74.0	
4	38	3	70.0		70.0		71.0	
5	4	3	67.0		68.0		70.0	

Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt:

A 0.8 %
B 0.2 %

Andere Kits (Anzahl):

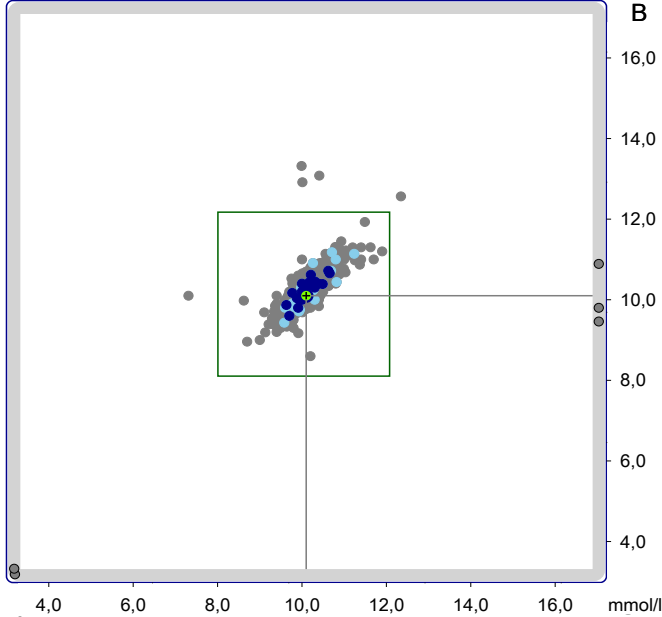
1-07(1), 1-30(1), 1-38(1), 2-28(1), 2-99(1), 2-128(1), 2-228(1), 3-04(2), 3-43(1), 3-126(1), 4-08(1), 4-43(1), 5-30(2), 5-43(1),

Analyt **Phosphor, anorg.**

Methode Alle Methoden

Erfolgsquote 98,1 %

Ausreisser 5



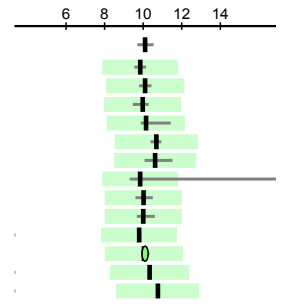
A

Teilnehmerzahl	485	
Probe/Einheit	A	mmol/l
Mittelwert	10.1	10.2
Standardabweichung	0.470	0.517
Variationskoeffizient	4.64	5.05

B

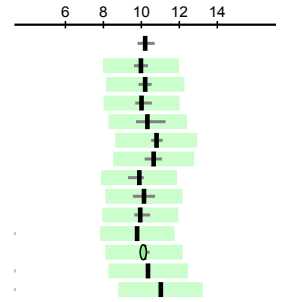
Probe A [mmol/l]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		485	3.23	9.70	10.1	10.5	46.4
1	4	57	9.00	9.54	9.85	10.1	10.5
1	30	229	7.31	9.79	10.1	10.4	31.7
1	38	27	8.70	9.46	9.98	10.3	10.9
1	40	12	9.87	9.87	10.2	11.4	11.6
1	43	34	9.70	10.4	10.7	10.9	12.3
1	328	10	10.0	10.1	10.6	11.5	11.9
2	4	10	9.00	9.30	9.84	19.0	46.4
2	30	38	3.23	9.60	10.0	10.5	11.7
2	38	8	9.57	9.67	10.0	10.6	10.8
4	4	6	9.58		9.79		9.95
4	30	30	9.63	9.90	10.0	10.3	10.7
4	38	4	9.98		10.3		10.8
4	328	4	10.3		10.8		11.2



Probe B [mmol/l]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		485	3.33	9.80	10.2	10.7	13.3
1	4	57	9.00	9.61	9.98	10.3	13.3
1	30	229	8.60	9.85	10.2	10.5	13.1
1	38	27	8.96	9.68	10.0	10.6	11.5
1	40	12	9.17	9.72	10.3	11.3	11.9
1	43	34	9.70	10.5	10.8	11.1	12.6
1	328	10	10.1	10.2	10.6	11.1	11.2
2	4	10	9.00	9.30	9.89	10.1	10.2
2	30	38	3.33	9.55	10.1	10.7	11.0
2	38	8	9.60	9.63	9.94	10.5	10.6
4	4	6	9.43		9.78		9.91
4	30	30	9.60	10.0	10.1	10.4	10.7
4	38	4	10.0		10.4		11.0
4	328	4	10.4		11.0		11.2



Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt:

A 0.5 %
B -0.3 %

Andere Kits (Anzahl):

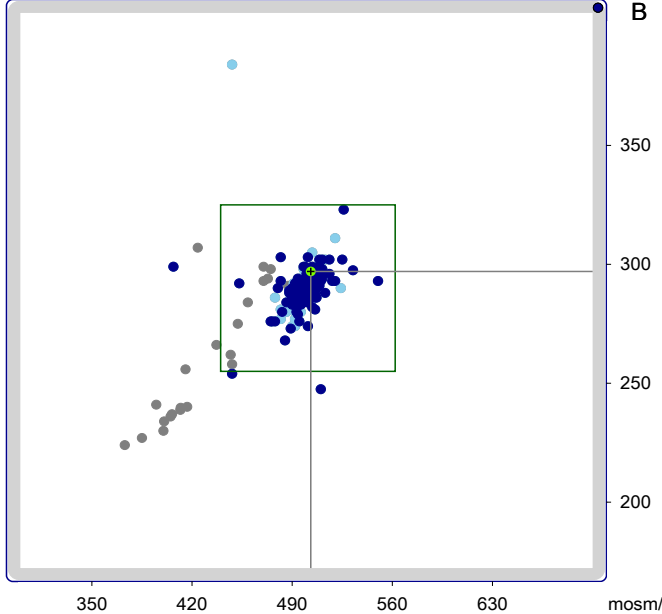
1-07(1), 1-126(3), 1-128(1), 1-168(1), 1-228(1), 2-40(1), 2-43(3), 3-08(2), 3-38(1), 4-40(1), 4-43(1),

Analyt **Osmolalität**

Methode Alle Methoden

Erfolgsquote 96,3 %

Ausreisser 1



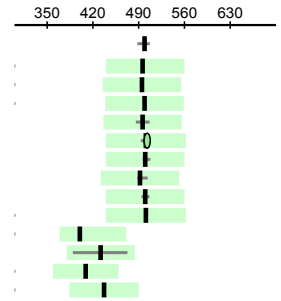
A

Teilnehmerzahl	271	
Probe/Einheit	A	mosm/kg
Mittelwert	493	288
Standardabweichung	24.4	15.5
Variationskoeffizient	4.95	5.40

B

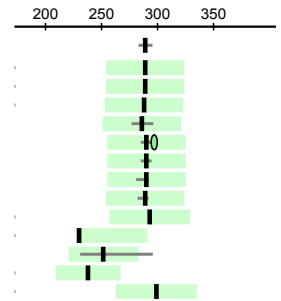
Probe A [mosm/kg]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		271	373	488	499	507	497000
1	7	3	494		496		497
1	30	6	492		495		504
1	33	7	488		499		513
1	64	11	482	486	496	507	514
1	99	163	407	493	501	508	497000
1	164	13	493	496	500	508	509
1	165	11	487	488	492	504	524
1	240	19	490	494	500	506	520
1	358	5	493		501		513
2	4	3	373		400		415
2	30	8	385	389	432	473	475
2	38	4	401		409		459
2	99	5	424		437		473



Probe B [mosm/kg]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		271	224	283	289	295	292000
1	7	3	287		289		289
1	30	6	285		289		305
1	33	7	274		288		296
1	64	11	274	277	286	296	299
1	99	163	248	285	290	296	292000
1	164	13	280	285	290	295	295
1	165	11	280	281	290	292	297
1	240	19	277	282	289	292	311
1	358	5	282		293		302
2	4	3	224		230		256
2	30	8	227	231	252	296	298
2	38	4	234		238		284
2	99	5	266		299		307



Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt:

A 0.3 %
B 2.4 %

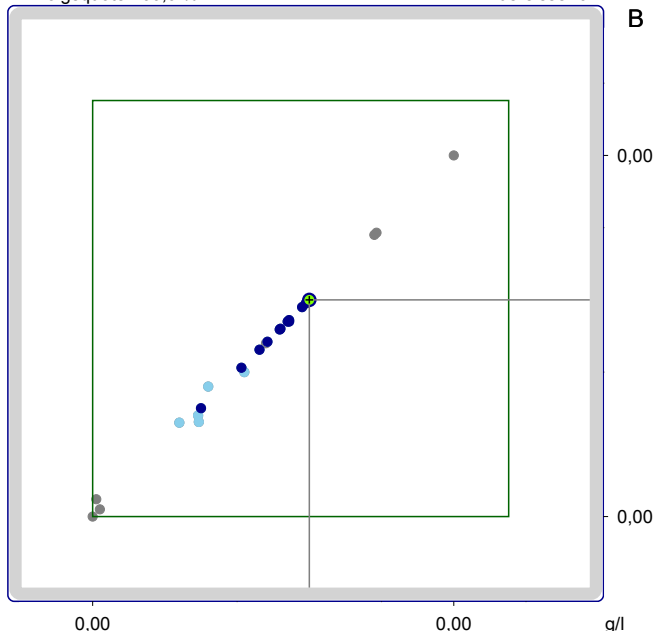
Andere Kits (Anzahl):

1-01(1), 1-04(2), 1-49(1), 1-145(2), 1-163(1), 2-145(1), 2-328(1), 3-02(1), 3-99(2), 3-240(1),

Analyt **a2-Makroglobulin**
Methode Alle Methoden

Erfolgsquote 100,0 %

Ausreisser 0



A

Teilnehmerzahl	91		
Probe/Einheit	A	g/l	B
Mittelwert	0.002		0.002
Standardabweichung	0.000		0.000
Variationskoeffizient	32.9		32.7

Probe A [g/l]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max		0	0,005
Alle	91	0	0.002	0.002	0.003	0.005			+	
1	13	5	0.001	0.001	0.001	0.002				
1	28	58	0.001	0.002	0.003	0.003			-	
1	228	2	0.002	0.002	0.002	0.002				
2	30	3	0	0.000	0.000	0.003				
2	140	12	0.002	0.002	0.002	0.002			-	
2	156	7	0	0.003	0.003	0.003				

B

Probe B [g/l]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max		0	0,005
Alle	91	0	0.002	0.002	0.003	0.005			+	
1	13	5	0.001	0.001	0.001	0.002				
1	28	58	0.001	0.002	0.003	0.003			-	
1	228	2	0.002	0.002	0.002	0.002				
2	30	3	0	0.000	0.000	0.003				
2	140	12	0.002	0.002	0.002	0.002			-	
2	156	7	0	0.003	0.003	0.003				

Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt:

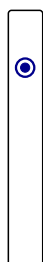
A 1.6 %
B 1.6 %

Andere Kits (Anzahl):
1-43(1), 1-140(1), 2-14(1), 4-69(1),

Analyt **Proteinurie**
Methode Alle Methoden

- Auswertung der Beurteilungsschlüssel -

Probe A



- 2 normale Proteinausscheidung
- 111 glom. Proteinurie (a1-Mikroglobulin <14mg/g Krea.!)
 - 3 glomeruläre Proteinurie und tubuläre Proteinurie
 - 2 tub. Proteinurie (z.B. bei tubulo-interst. Nephropathie)
 - praerenale Proteinurie (z. B. Bence-Jones Proteinurie)
 - postrenale Proteinurie (z. B. bei postrenaler Blutung)
 - 5 andere Konstellationen

Probe B



- 122 normale Proteinausscheidung
 - glom. Proteinurie (a1-Mikroglobulin <14mg/g Krea.!)
 - glomeruläre Proteinurie und tubuläre Proteinurie
 - tub. Proteinurie (z.B. bei tubulo-interst. Nephropathie)
 - praerenale Proteinurie (z. B. Bence-Jones Proteinurie)
 - postrenale Proteinurie (z. B. bei postrenaler Blutung)
 - 1 andere Konstellationen

Teilnehmerzahl

123

[Erfolgsquote 89 %]

Analyt **pH-ST**
Methode Alle Methoden

Probe A

37	195	pH Wert 5
13	241	pH Wert 5,5
19	246	pH Wert 6
-	2	pH Wert 6,5
-	2	pH Wert 7
-	-	pH Wert 7,5
-	-	pH Wert 8
-	-	pH Wert 8,5
-	-	pH Wert 9

Probe B

1	1	pH Wert 5
-	-	pH Wert 5,5
1	7	pH Wert 6
4	16	pH Wert 6,5
28	369	pH Wert 7
17	217	pH Wert 7,5
18	76	pH Wert 8
-	1	pH Wert 8,5
-	-	pH Wert 9

visuell optisch-automatisiert

Teilnehmerzahl

756

Analyt **Eiweiß-ST**
Methode Alle Methoden

Probe A

2 30	2 145	2 40	2 99	1 30	andere	alle	Methode Kit
10	19	66	22	6	89	212	negativ
106	127	46	9	19	58	365	schw./grenzw. pos.
122	10	8	2	9	17	168	positiv
1	1	-	-	1	1	4	stark positiv

Probe B

2 30	2 145	2 40	2 99	1 30	andere	alle	Methode Kit
214	156	120	33	30	162	715	negativ
14	2	-	-	4	1	21	schw./grenzw. pos.
11	-	-	-	1	2	14	positiv
-	-	-	-	-	0	0	stark positiv

Teilnehmerzahl

750

Analyt **Glucose-ST**
Methode Alle Methoden

Probe A

2 30	2 145	2 40	2 99	1 30	andere	alle	Methode Kit
3	-	-	-	-	0	3	< 50 mg/dl
-	-	1	1	-	5	7	50-99 mg/dl
4	4	4	1	-	14	27	100-299 mg/dl
18	31	39	12	3	69	172	300- 999 mg/dl
214	122	76	19	32	76	539	>=1000 mg/dl

Probe B

2 30	2 145	2 40	2 99	1 30	andere	alle	Methode Kit
235	158	120	32	34	164	743	< 50 mg/dl
-	-	-	-	-	0	0	50-99 mg/dl
-	-	-	-	-	0	0	100-299 mg/dl
2	-	-	1	-	0	3	300- 999 mg/dl
2	-	-	-	-	0	2	>=1000 mg/dl

Teilnehmerzahl

748

Analyt **Hämoglobin-ST**
Methode Alle Methoden

Probe A

2 30	2 145	2 40	2 99	1 30	andere	alle	Methode Kit
223	156	119	31	37	164	730	negativ
8	1	1	-	1	3	14	5 - 12 Erys/ul
6	-	-	-	-	0	6	13 - 50 Erys/ul
1	-	-	-	-	0	1	> 50 Erys/ul

Probe B

2 30	2 145	2 40	2 99	1 30	andere	alle	Methode Kit
233	158	120	31	38	163	743	negativ
3	-	-	-	-	4	7	5 - 12 Erys/ul
-	-	-	-	-	0	0	13 - 50 Erys/ul
2	-	-	-	-	0	2	> 50 Erys/ul

Teilnehmerzahl

752

Analyt Leukozyten-ST		Methode Alle Methoden						
Probe	2	2	2	2	1			Methode
A	30	145	40	99	30	andere	alle	Kit
	229	157	118	32	37	166	739	negativ
	5	-	-	1	-	0	6	5 - 50 /ul
	2	-	-	-	-	0	2	51 - 250 /ul
	3	-	-	-	-	0	3	> 250 /ul

Analyt Keton-ST		Methode Alle Methoden						
Probe	2	2	2	2	1			Methode
A	30	145	40	99	30	andere	alle	Kit
	237	157	118	32	32	161	737	negativ/Spur
	1	-	-	-	-	3	4	5 - 49 mg/dl
	-	-	-	-	-	0	0	>=50 mg/dl

Probe	2	2	2	2	1			Methode
B	30	145	40	99	30	andere	alle	Kit
	8	1	-	-	-	5	14	negativ
	5	23	15	-	3	4	50	5 - 50 /ul
	48	123	100	17	18	77	383	51 - 250 /ul
	178	11	3	16	17	80	305	> 250 /ul

Probe	2	2	2	2	1			Methode
B	30	145	40	99	30	andere	alle	Kit
	239	158	118	32	32	161	740	negativ/Spur
	-	-	-	-	-	3	3	5 - 49 mg/dl
	-	-	-	-	-	0	0	>=50 mg/dl

Teilnehmerzahl

752

Teilnehmerzahl

743

Analyt Nitrit-ST		Methode Alle Methoden						
Probe	2	2	2	2	1			Methode
A	30	145	40	99	30	andere	alle	Kit
	237	157	118	32	34	165	743	negativ
	1	-	-	-	-	0	1	positiv

Analyt Bilirubin-ST		Methode Alle Methoden						
Probe	2	2	2	2	1			Methode
A	30	145	40	99	30	andere	alle	Kit
	236	156	114	31	33	166	736	negativ/schwach
	-	-	-	-	-	0	0	mittel
	-	-	-	-	-	0	0	stark

Probe	2	2	2	2	1			Methode
B	30	145	40	99	30	andere	alle	Kit
	239	158	118	32	34	164	745	negativ
	-	-	-	-	-	1	1	positiv

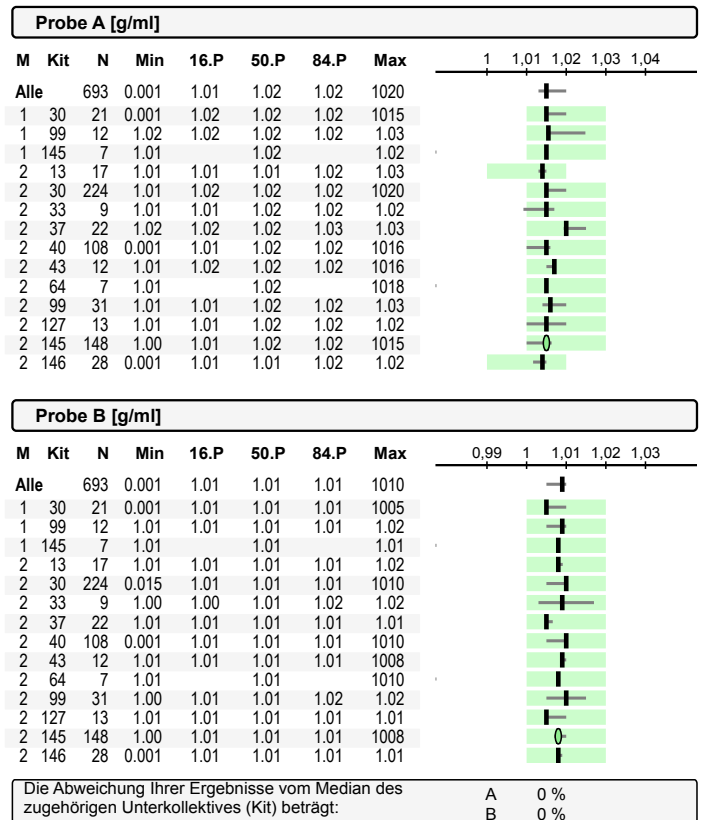
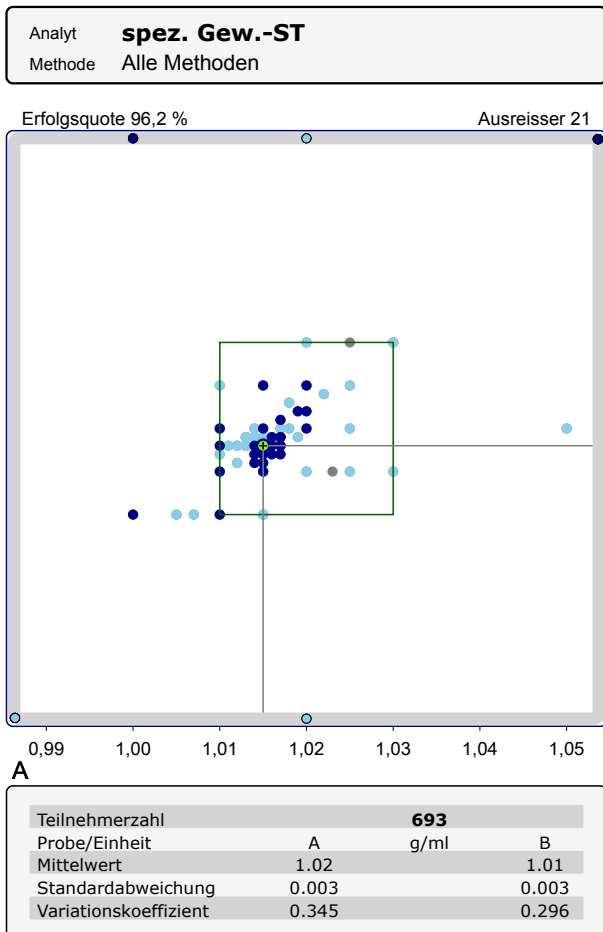
Probe	2	2	2	2	1			Methode
B	30	145	40	99	30	andere	alle	Kit
	237	156	114	31	33	166	737	negativ/schwach
	-	-	-	-	-	0	0	mittel
	-	1	-	-	-	0	1	stark

Teilnehmerzahl

746

Teilnehmerzahl

738



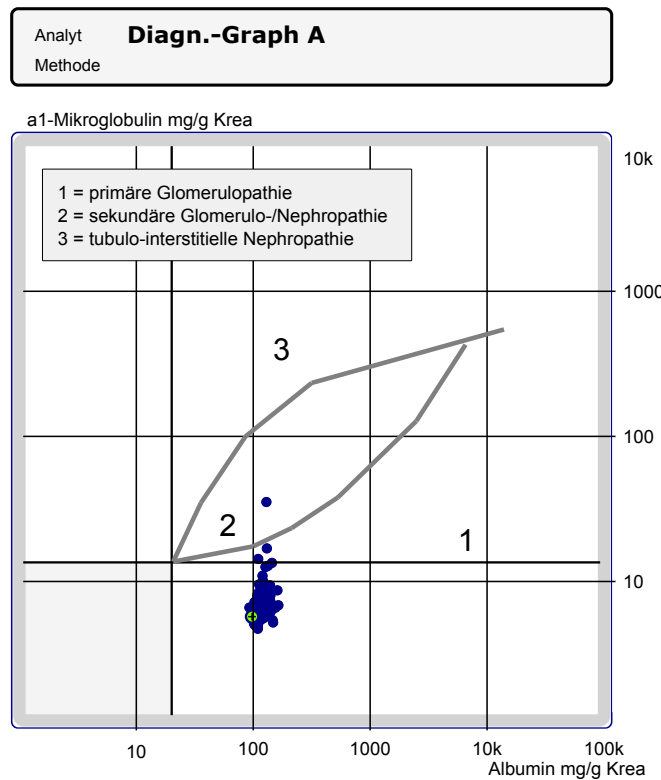
Analyt **Urobilinog.-ST**
Methode Alle Methoden

Probe A

2	2	2	2	1	andere	alle	Methode
30	145	40	99	30			Kit
239	156	108	32	33	160	728	normal
-	-	2	-	-	1	3	2-4 mg/dl
-	-	-	-	-	1	1	> 4 mg/dl

Probe B

2	2	2	2	1	andere	alle	Methode
30	145	40	99	30			Kit
237	157	108	32	33	159	726	normal
-	-	2	-	-	1	3	2-4 mg/dl
-	-	-	-	-	1	1	> 4 mg/dl

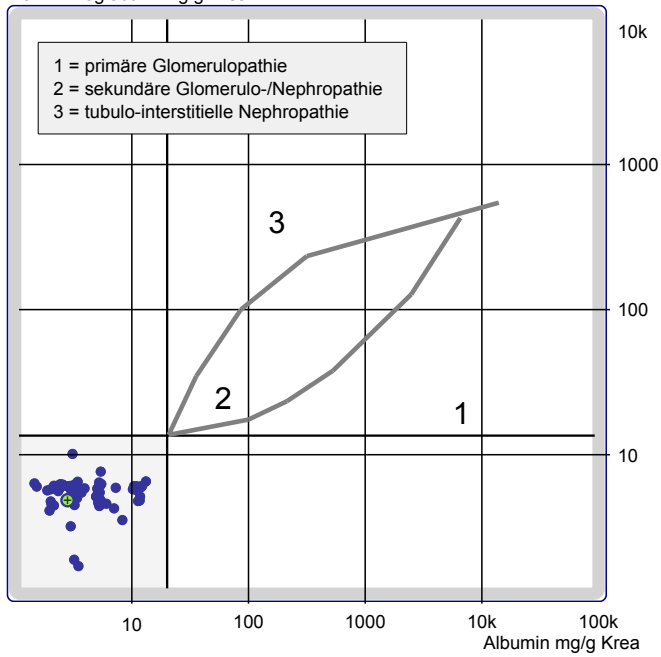


Teilnehmerzahl	157	
Abszisse/Ordinate	Albumin	mg/g Krea a1-Mikrogl.
Median	123	6.18

Teilnehmerzahl 732

Analyt **Diagn.-Graph B**
Methode

a1-Mikroglobulin mg/g Krea



Teilnehmerzahl	157		
Abszisse/Ordinate	Albumin	mg/g Krea	a1-Mikrogl.
Median	2.97		4.95

