

Medizinische Hochschule Hannover
Institut für Klinische Chemie
Prof. Dr. med. Brand
z.Hd. Dr. Grote-Koska
Carl-Neuberg-Str. 1
30625 Hannover

Ringversuch: **IG1/26**
im Monat: **Februar 2026**
Teilnehmer-Nr.: **0000002**
Gültig ab: **07.02.26**

Medizinische Hochschule Hannover
Institut für Klinische Chemie und Zentrallabor
Prof. Dr. med. Brand
z.Hd. Dr. Grote-Koska
Carl-Neuberg-Str. 1
30625 Hannover



Bonn, 26. Februar 2026

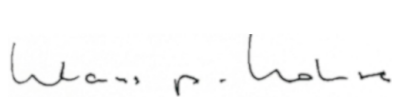
Zertifikat

Wir bestätigen Ihnen hiermit, dass Sie am Ringversuch für Proteinbestimmungen im Serum teilgenommen haben.

Dieses Zertifikat ist gemäß aktueller Version der RiLiBÄK gültig bis einschließlich August 2026.

Sie haben die Anforderungen des Ringversuches für folgende Messgrößen erfüllt:

Albumin	(4)	Transferrin	(4)	IgA	(4)
IgG	(4)	IgM	(4)	a1-Antitrypsin	(4)
Coeruloplasmin	(4)	Haptoglobin	(4)	C3-Komplement	(4)
C4-Komplement	(4)	CRP	(4)	IgE	(5)
Cystatin C	(4)	Lösl.Transf.Rez.	(4)	IgG1	(2)
IgG2	(2)	IgG3	(2)	IgG4	(2)



Prof. Dr. Dr. K. P. Kohse
Ringversuchsleitung



Dr. Anja Kessler
Leitung Referenzinstitut

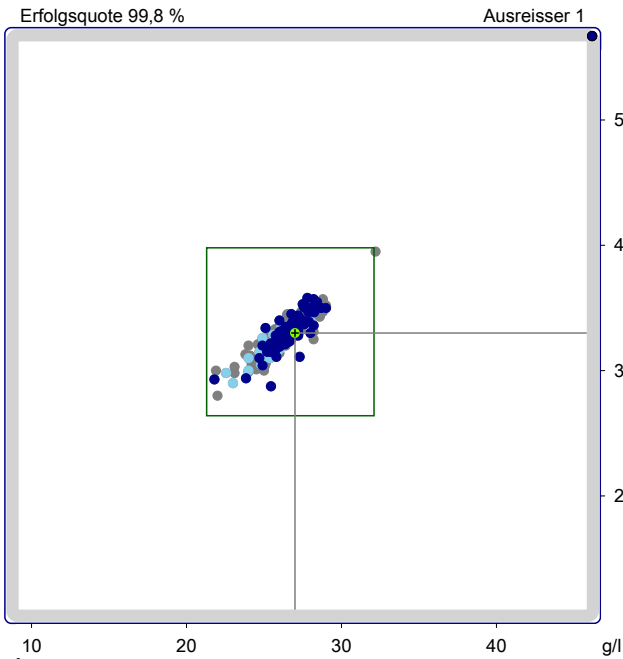


Dr. Marika Enders
EQAS-Board

Die hinter jedem Analyten angegebene Ziffer kennzeichnet die angewendete Analysenmethode.
Die Zuordnung der Ziffer zur jeweiligen Methode ist der Gesamtauswertung zu entnehmen.

Dieses Zertifikat ist in Verbindung mit dem Abschlussbericht vom 26.02.26 gültig.
Dieser steht im RfB-Online System zum Download zur Verfügung.

Analyt **Albumin**
Methode Alle Methoden



A

Teilnehmerzahl	512	
Probe/Einheit	A	B
Mittelwert	26.2	32.6
Standardabweichung	1.25	1.35
Variationskoeffizient	4.78	4.14

Probe A [g/l]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle	512		21.8	25.0	26.1	27.3	280
1	30	4	27.0		27.5		28.1
2	13	4	25.0		25.4		26.2
2	28	13	24.2	24.6	26.4	27.7	28.1
4	4	10	24.0	24.0	25.1	27.0	28.0
4	30	117	21.8	25.7	26.7	27.6	280
4	38	6	24.8		25.0		25.4
4	43	6	24.7		25.0		26.1
4	140	4	26.0		27.3		28.3
4	328	8	22.6	23.2	25.0	25.0	25.0
7	4	68	23.0	24.5	25.0	25.6	26.4
7	30	186	23.1	26.0	27.0	27.8	32.2
7	38	26	24.4	24.7	25.2	25.9	26.5
7	43	37	22.0	24.8	25.3	26.0	27.5
7	328	8	24.0	24.1	25.0	25.3	25.4

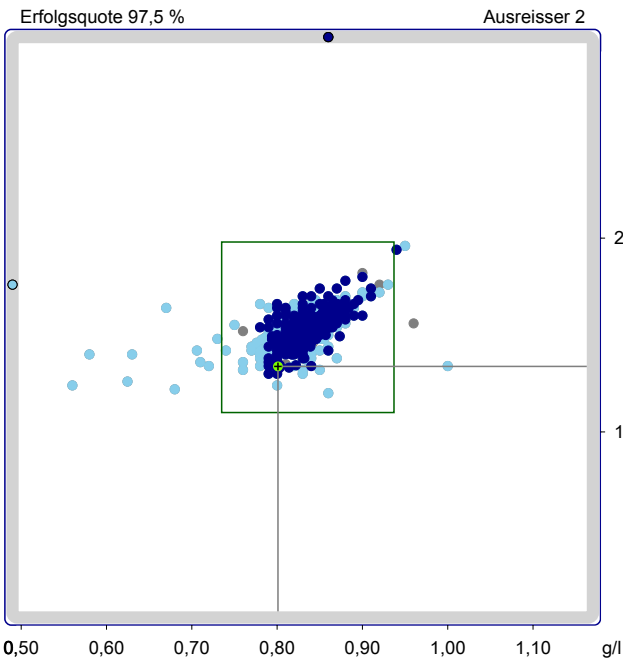
Probe B [g/l]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle	512		28.0	31.2	32.7	34.0	340
1	30	4	33.0		33.6		35.1
2	13	4	32.0		32.5		33.2
2	28	13	30.8	31.1	32.9	34.8	35.0
4	4	10	30.0	30.4	31.5	33.7	33.7
4	30	117	28.8	32.1	33.1	34.2	340
4	38	6	31.0		31.1		32.0
4	43	6	31.0		31.9		33.5
4	140	4	31.7		33.7		35.5
4	328	8	29.8	30.3	31.1	32.0	32.0
7	4	68	29.0	30.6	31.6	32.0	33.3
7	30	186	29.8	32.4	33.3	34.3	39.5
7	38	26	30.1	30.8	31.7	32.2	33.0
7	43	37	28.0	31.0	32.0	33.0	34.5
7	328	8	30.7	30.8	31.1	31.9	32.0

Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt: A 1.1 %
B -0.3 %

Andere Kits (Anzahl):
2-30(1), 2-38(1), 2-43(2), 2-140(1), 4-12(1), 4-13(1), 5-43(1), 5-335(1), 7-02(1), 7-13(2), 7-99(1), 7-126(1), 7-166(1),

Analyt **Transferrin**
Methode Alle Methoden



A

Teilnehmerzahl	623	
Probe/Einheit	A	B
Mittelwert	0.832	1.76
Standardabweichung	0.038	0.047
Variationskoeffizient	4.67	2.67

Probe A [g/l]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle	623		0.246	0.800	0.830	0.860	1.00
2	28	3	0.810		0.830		0.837
4	4	95	0.740	0.790	0.810	0.830	0.880
4	30	386	0.780	0.810	0.836	0.860	0.940
4	38	50	0.560	0.725	0.834	0.870	0.950
4	43	48	0.246	0.840	0.860	0.900	0.930
4	126	5	0.730		0.820		1.00
4	328	12	0.820	0.830	0.845	0.869	0.880
7	43	3	0.830		0.900		0.920

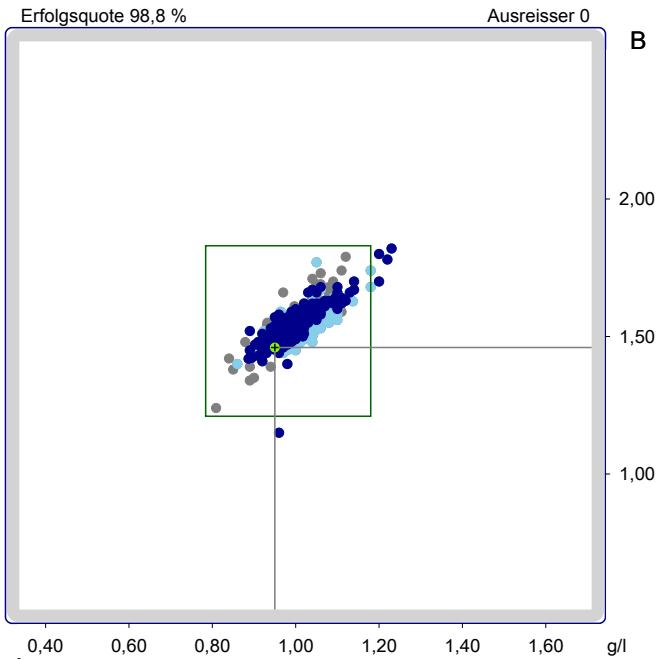
Probe B [g/l]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle	623		1.60	1.72	1.77	1.80	52.3
2	28	3	1.68		1.77		1.82
4	4	95	1.68	1.72	1.77	1.81	1.85
4	30	386	1.65	1.73	1.77	1.80	52.3
4	38	50	1.61	1.70	1.76	1.80	1.98
4	43	48	1.69	1.75	1.80	1.83	1.88
4	126	5	1.67		1.75		1.83
4	328	12	1.60	1.65	1.69	1.72	1.78
7	43	3	1.69		1.88		1.91

Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt: A -4.1 %
B -5.7 %

Andere Kits (Anzahl):
1-04(1), 1-30(2), 2-13(2), 2-30(2), 2-38(1), 2-43(2), 4-08(1), 4-13(2), 4-128(1), 4-140(1), 4-335(1), 5-04(1), 5-30(1), 7-30(2), 7-99(1),

Analyt **IgA**
Methode Alle Methoden



A

Teilnehmerzahl	502	
Probe/Einheit	A	B
Mittelwert	1.01	1.55
Standardabweichung	0.057	0.071
Variationskoeffizient	5.68	4.64

Probe A [g/l]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle	502	0.809	0.956	1.01	1.06	1.23	
2	13	8	0.809	0.823	0.885	0.932	0.932
2	28	38	0.890	1.01	1.05	1.08	1.12
2	43	4	0.970		1.03		1.07
4	4	78	0.960	1.01	1.04	1.09	1.18
4	30	279	0.887	0.950	0.980	1.03	1.23
4	38	32	0.960	1.01	1.04	1.07	1.18
4	43	37	0.930	0.999	1.03	1.06	1.08
4	126	3	0.860		0.924		0.964
4	140	6	0.907		0.969		1.04
4	328	5	0.970		1.01		1.09

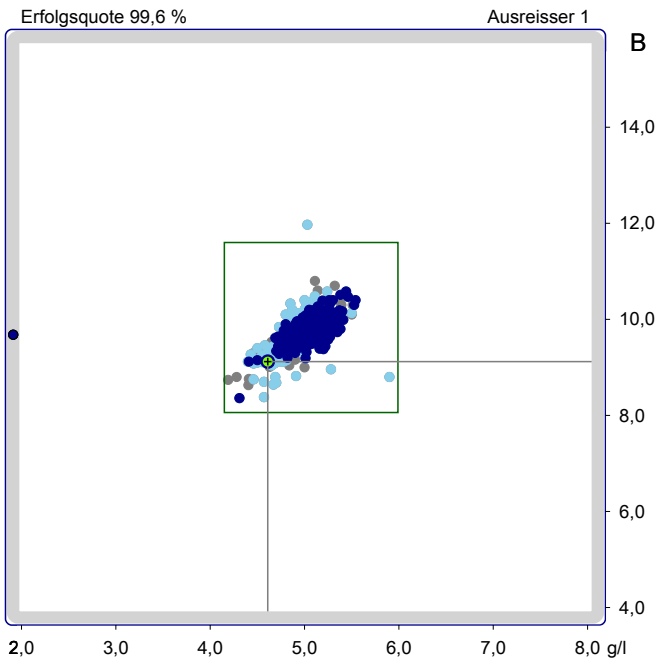
Probe B [g/l]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle	502	1.15	1.49	1.54	1.61	1.82	
2	13	8	1.24	1.29	1.41	1.55	1.55
2	28	38	1.34	1.57	1.64	1.70	1.79
2	43	4	1.56		1.60		1.66
4	4	78	1.45	1.51	1.55	1.60	1.74
4	30	279	1.15	1.48	1.52	1.59	1.82
4	38	32	1.48	1.51	1.56	1.60	1.68
4	43	37	1.46	1.52	1.57	1.60	1.67
4	126	3	1.40		1.52		1.59
4	140	6	1.45		1.53		1.65
4	328	5	1.44		1.56		1.62

Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt: A -3.0 % B -3.9 %

Andere Kits (Anzahl): 1-30(1), 2-30(2), 2-140(1), 4-13(2), 4-128(1), 4-335(1), 5-04(1), 7-30(1), 7-43(1), 7-99(1),

Analyt **IgG**
Methode Alle Methoden



A

Teilnehmerzahl	502	
Probe/Einheit	A	B
Mittelwert	4.99	9.77
Standardabweichung	0.219	0.368
Variationskoeffizient	4.38	3.77

Probe A [g/l]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle	502	0.056	4.80	5.01	5.20	5.90	
2	13	10	4.46	4.51	4.70	4.97	5.07
2	28	38	4.41	4.88	5.03	5.22	5.51
2	43	3	4.19		4.28		5.00
4	4	78	4.69	4.83	4.97	5.09	5.26
4	30	280	0.056	4.90	5.07	5.23	5.54
4	38	33	4.46	4.55	4.67	4.83	5.11
4	43	35	4.40	4.67	4.91	5.08	5.50
4	126	3	4.43		4.80		4.85
4	140	5	4.65		4.69		5.26
4	328	5	4.91		5.22		5.90

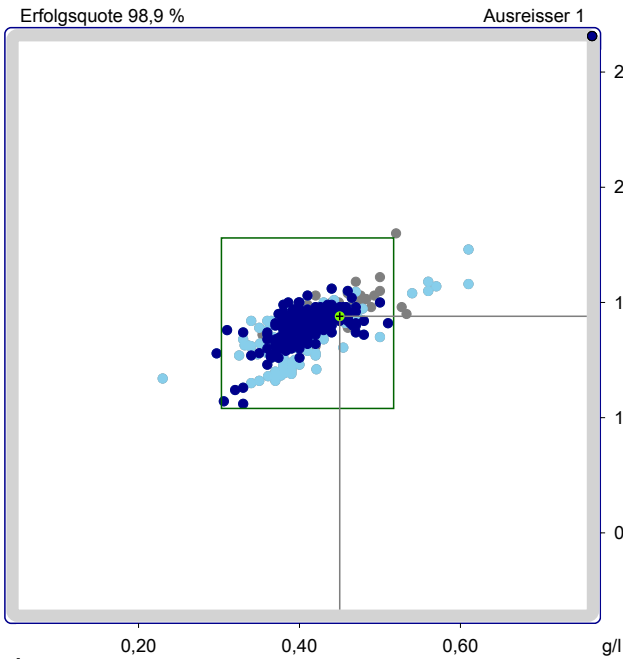
Probe B [g/l]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle	502	8.36	9.42	9.82	10.1	12.0	
2	13	10	9.04	9.13	9.33	10.0	10.1
2	28	38	8.63	9.53	9.81	10.2	10.8
2	43	3	8.74		8.80		10.1
4	4	78	9.40	9.74	10.0	10.2	10.6
4	30	280	8.36	9.54	9.83	10.0	10.6
4	38	33	8.64	9.09	9.20	9.55	10.3
4	43	35	8.38	9.35	9.77	10.0	10.1
4	126	3	9.27		9.77		10.1
4	140	5	9.04		9.32		9.84
4	328	5	8.80		9.75		9.90

Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt: A -9.0 % B -7.2 %

Andere Kits (Anzahl): 1-30(1), 2-30(2), 2-140(1), 4-13(2), 4-128(1), 4-335(1), 5-04(1), 7-30(1), 7-43(1), 7-99(1),

Analyt **IgM**
Methode Alle Methoden



Teilnehmerzahl	499		
Probe/Einheit	A	g/l	B
Mittelwert	0.409		1.39
Standardabweichung	0.039		0.085
Variationskoeffizient	9.64		6.12

Probe A [g/l]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle	499		0.230	0.380	0.404	0.440	4.00
2	13	8	0.387	0.388	0.414	0.428	0.430
2	28	38	0.378	0.420	0.452	0.492	0.533
2	43	3	0.354		0.383		0.400
4	4	80	0.340	0.378	0.391	0.414	0.457
4	30	275	0.297	0.380	0.410	0.436	4.00
4	38	33	0.230	0.370	0.380	0.416	0.500
4	43	36	0.332	0.360	0.400	0.432	0.479
4	126	3	0.330		0.360		0.386
4	140	5	0.348		0.454		0.473
4	328	5	0.540		0.560		0.610

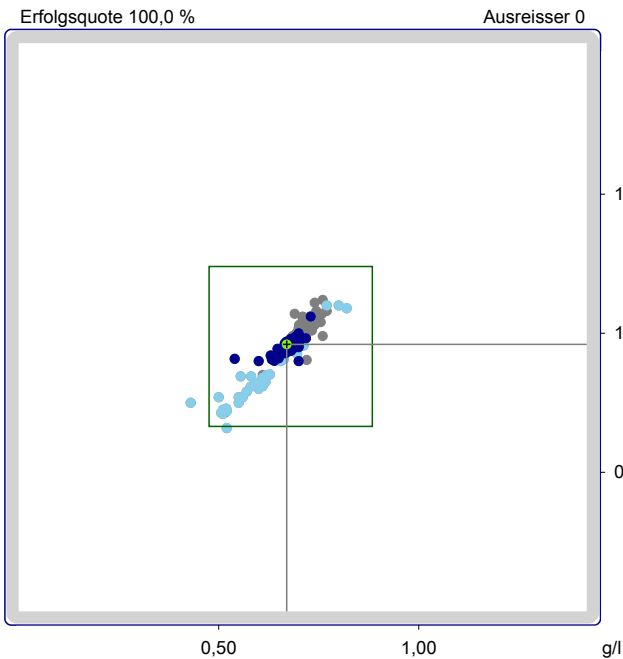
Probe B [g/l]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle	499		1.06	1.31	1.40	1.45	14.4
2	13	8	1.30	1.34	1.43	1.51	1.53
2	28	38	1.36	1.41	1.46	1.53	1.80
2	43	3	1.33		1.36		1.43
4	4	80	1.28	1.31	1.36	1.39	1.44
4	30	275	1.06	1.34	1.41	1.45	14.4
4	38	33	1.15	1.17	1.21	1.27	1.35
4	43	36	1.31	1.35	1.42	1.49	1.55
4	126	3	1.30		1.34		1.38
4	140	5	1.27		1.39		1.44
4	328	5	1.54		1.58		1.73

Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt: A 9.7 % B 2.1 %

Andere Kits (Anzahl): 1-30(1), 2-30(2), 2-140(1), 4-13(2), 4-128(1), 4-335(1), 5-04(1), 5-30(1), 7-30(1), 7-43(1), 7-99(1),

Analyt **a1-Antitrypsin**
Methode Alle Methoden



Teilnehmerzahl	138		
Probe/Einheit	A	g/l	B
Mittelwert	0.665		0.939
Standardabweichung	0.068		0.095
Variationskoeffizient	10.3		10.2

Probe A [g/l]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle	138		0.430	0.601	0.680	0.720	0.820
2	28	41	0.516	0.684	0.710	0.744	0.770
4	4	12	0.560	0.581	0.607	0.620	0.628
4	30	57	0.540	0.650	0.680	0.700	0.730
4	38	4	0.640		0.659		0.770
4	43	4	0.430		0.540		0.700
4	140	11	0.500	0.506	0.520	0.571	0.581

Probe B [g/l]

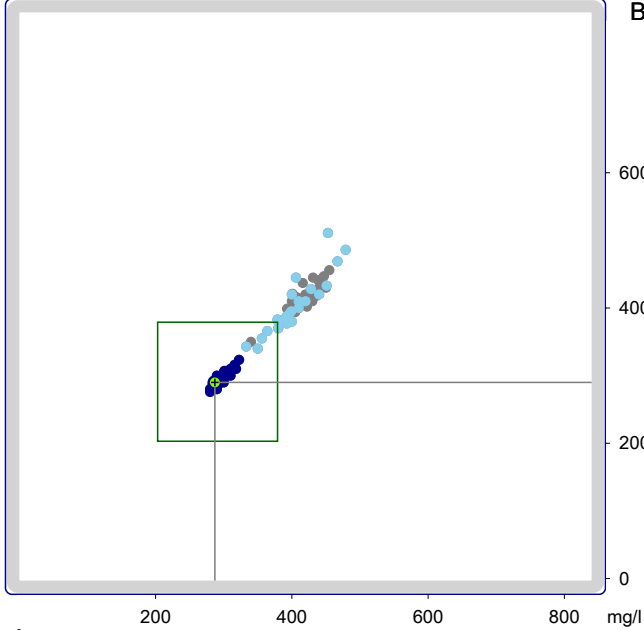
M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle	138		0.659	0.840	0.950	1.03	1.12
2	28	41	0.715	0.972	1.01	1.07	1.12
4	4	12	0.770	0.801	0.822	0.849	0.852
4	30	57	0.900	0.920	0.950	0.980	1.06
4	38	4	0.900		0.914		1.10
4	43	4	0.750		0.825		0.920
4	140	11	0.659	0.706	0.729	0.794	0.845

Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt: A -1.4 % B 1.0 %

Andere Kits (Anzahl): 2-13(1), 4-13(1), 4-28(1), 4-126(1), 4-156(2), 7-02(1), 7-30(2),

Analyt **Coeruloplasmin**
Methode Alle Methoden

Erfolgsquote 100,0 % Ausreisser 0



Teilnehmerzahl	114		
Probe/Einheit	A	mg/l	B
Mittelwert	363		362
Standardabweichung	63.1		63.0
Variationskoeffizient	17.4		17.4

Probe A [mg/l]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle	114	280	290	380	430	479	
2	28	38	300	405	420	440	455
4	4	6	392		398		410
4	30	47	280	286	291	301	322
4	38	2	333		342		350
4	43	4	380		395		420
4	140	13	364	379	406	464	479

Probe B [mg/l]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle	114	276	290	380	423	511	
2	28	38	300	402	417	431	456
4	4	6	380		389		400
4	30	47	276	285	291	302	323
4	38	2	340		342		343
4	43	4	380		395		410
4	140	13	366	372	420	482	511

Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt: A -1.3 % B -0.3 %

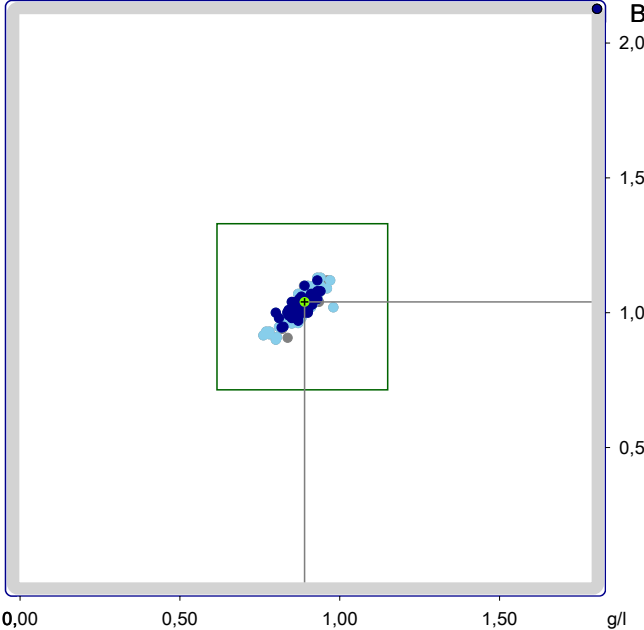
Andere Kits (Anzahl):
2-04(1), 2-13(1), 4-13(1), 7-02(1),

A

B

Analyt **Haptoglobin**
Methode Alle Methoden

Erfolgsquote 99,7 % Ausreisser 1



Teilnehmerzahl	379		
Probe/Einheit	A	g/l	B
Mittelwert	0.883		1.03
Standardabweichung	0.029		0.035
Variationskoeffizient	3.29		3.45

Probe A [g/l]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle	379	0.761	0.860	0.882	0.910	83.6	
2	13	3	0.888		0.906		0.935
2	28	12	0.820	0.838	0.892	0.919	0.944
4	4	60	0.830	0.880	0.907	0.927	0.940
4	30	227	0.800	0.860	0.880	0.900	83.6
4	38	22	0.829	0.853	0.888	0.903	0.935
4	43	39	0.800	0.854	0.880	0.930	0.980
4	140	3	0.870		0.884		0.902
4	328	5	0.761		0.804		0.852

Probe B [g/l]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle	379	0.900	1.00	1.02	1.06	96.0	
2	13	3	1.03		1.04		1.10
2	28	12	0.907	0.944	1.04	1.09	1.10
4	4	60	0.980	1.03	1.06	1.09	1.13
4	30	227	0.945	1.00	1.02	1.04	96.0
4	38	22	0.963	0.980	1.02	1.06	1.10
4	43	39	0.900	0.986	1.03	1.07	1.12
4	140	3	0.962		1.04		1.05
4	328	5	0.909		0.930		1.03

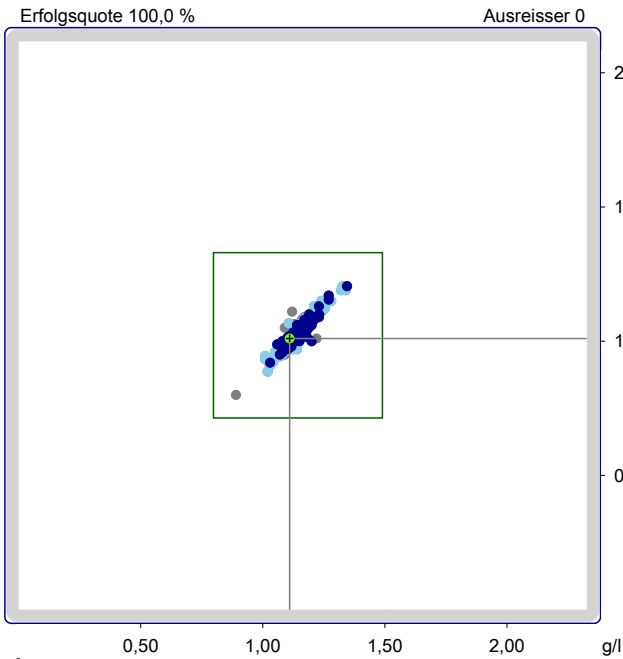
Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt: A 1.1 % B 1.9 %

Andere Kits (Anzahl):
2-43(2), 4-12(1), 4-13(1), 4-45(1), 5-30(1), 7-43(1), 7-99(1),

A

B

Analyt **C3-Komplement**
Methode Alle Methoden



Teilnehmerzahl	267	
Probe/Einheit	A g/l	B
Mittelwert	1.14	1.03
Standardabweichung	0.054	0.052
Variationskoeffizient	4.79	5.08

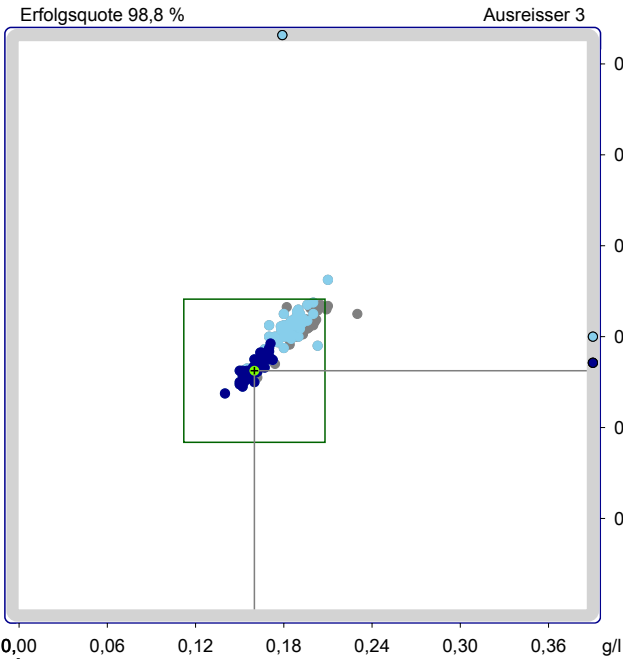
Probe A [g/l]							
M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle	267	0.890	1.10	1.14	1.19	1.35	
2	13	5	1.03		1.09	1.14	
2	28	58	1.09	1.13	1.16	1.19	1.24
4	4	24	1.08	1.09	1.12	1.15	1.17
4	30	122	1.03	1.10	1.14	1.19	1.35
4	38	11	1.02	1.04	1.08	1.12	1.13
4	43	19	1.01	1.04	1.19	1.28	1.33
4	126	6	1.06		1.14	1.34	
4	140	10	1.07	1.07	1.12	1.14	1.15

Probe B [g/l]							
M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle	267	0.800	0.980	1.03	1.07	1.21	
2	13	5	0.913		0.979	1.00	
2	28	58	0.977	1.04	1.06	1.08	1.11
4	4	24	0.970	0.980	1.01	1.05	1.06
4	30	122	0.920	0.989	1.02	1.06	1.21
4	38	11	0.887	0.917	0.957	1.00	1.04
4	43	19	0.910	0.956	1.09	1.15	1.20
4	126	6	0.943		1.03	1.19	
4	140	10	0.944	0.959	1.00	1.06	1.07

Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt: A -2.6 % B -0.7 %

Andere Kits (Anzahl):
2-30(1), 2-43(2), 2-140(1), 2-156(1), 3-43(1), 4-12(1), 4-28(1), 4-40(1), 4-328(1), 5-04(1), 7-02(1),

Analyt **C4-Komplement**
Methode Alle Methoden



Teilnehmerzahl	267	
Probe/Einheit	A g/l	B
Mittelwert	0.175	0.232
Standardabweichung	0.016	0.021
Variationskoeffizient	9.57	9.13

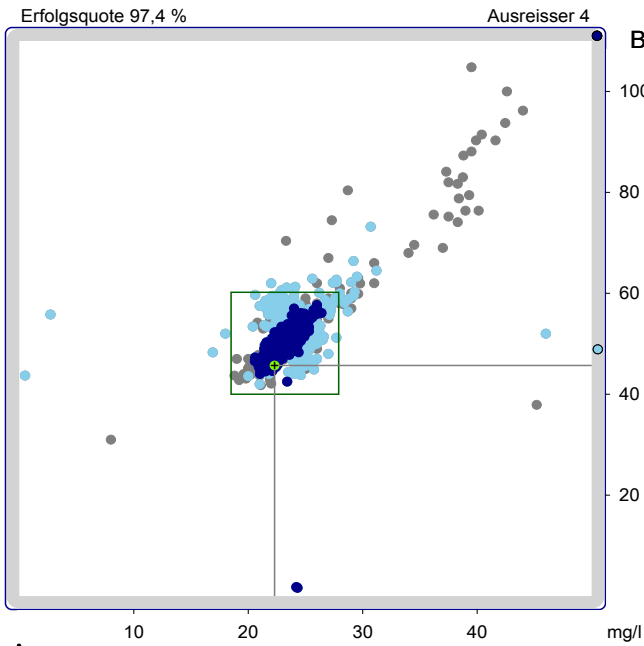
Probe A [g/l]							
M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle	267	0.140	0.159	0.174	0.193	0.209	1.79
2	13	5	0.174		0.195	0.209	0.209
2	28	57	0.160	0.187	0.193	0.200	0.230
4	4	23	0.179	0.181	0.190	0.191	0.200
4	30	122	0.140	0.153	0.160	0.165	1.62
4	38	11	0.170	0.179	0.190	0.200	0.200
4	43	21	0.167	0.171	0.180	0.184	1.79
4	126	6	0.170		0.183	0.210	
4	140	10	0.178	0.180	0.185	0.195	0.203

Probe B [g/l]							
M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle	267	0.190	0.210	0.233	0.254	0.245	2.45
2	13	5	0.216		0.252	0.265	0.265
2	28	57	0.204	0.242	0.250	0.255	0.270
4	4	23	0.243	0.248	0.255	0.261	2.45
4	30	122	0.190	0.204	0.210	0.220	0.234
4	38	11	0.240	0.249	0.254	0.263	0.270
4	43	21	0.229	0.233	0.247	0.255	0.268
4	126	6	0.220		0.241	0.290	
4	140	10	0.230	0.232	0.244	0.251	0.252

Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt: A 0 % B 0 %

Andere Kits (Anzahl):
2-04(1), 2-30(1), 2-43(2), 2-140(1), 4-12(1), 4-28(1), 4-328(2), 5-04(1), 7-02(1), 7-43(1),

Analyt **CRP**
Methode Alle Methoden



A

Teilnehmerzahl	1236	
Probe/Einheit	A	B
Mittelwert	24.0	52.0
Standardabweichung	2.98	6.35
Variationskoeffizient	12.4	12.2

Probe A [mg/l]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle	1236	0.500	22.1	23.8	25.3	260	
1	61	45	22.0	24.0	25.0	29.0	
2	13	10	20.8	21.2	22.1	23.3	
2	28	44	18.8	20.0	20.7	23.3	
4	4	148	21.0	23.7	24.8	25.4	29.2
4	7	50	0.500	23.7	25.4	28.0	31.2
4	30	607	20.6	22.1	23.2	24.1	260
4	38	81	20.4	21.9	22.8	23.6	25.6
4	43	70	20.0	24.4	25.2	25.9	89.0
4	126	16	23.5	24.2	25.0	26.6	27.7
4	328	36	24.0	24.1	24.5	25.1	25.8
5	44	22	25.0	34.3	38.6	41.9	44.0
5	61	23	23.0	24.0	25.0	29.0	242
6	130	9	8.00	14.6	24.0	29.8	37.0

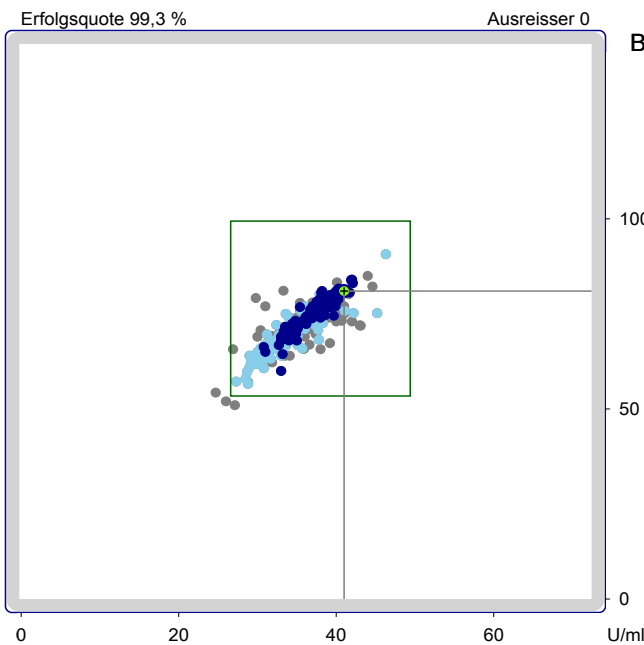
Probe B [mg/l]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle	1236	1.64	48.0	51.0	55.4	520	
1	61	45	48.0	53.0	54.0	67.0	
2	13	10	53.0	53.9	56.7	70.4	
2	28	44	42.1	43.7	45.7	49.5	
4	4	148	42.0	52.6	54.0	55.2	66.4
4	7	50	43.7	49.3	55.3	58.8	64.5
4	30	607	1.64	47.8	50.1	52.0	520
4	38	81	46.6	55.0	57.1	59.0	62.9
4	43	70	43.6	47.9	49.6	50.8	54.6
4	126	16	43.8	44.3	46.3	49.7	51.2
4	328	36	46.1	49.0	50.5	52.0	52.9
5	44	22	53.9	72.7	81.9	92.2	100
5	61	23	50.0	51.7	54.0	59.2	167
6	130	9	31.0	40.6	50.0	59.4	69.0

Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt: A -3.8 % B -8.7 %

Anderer Kits (Anzahl):
1-99(1), 2-40(1), 3-159(1), 4-507(6), 4-08(3), 4-12(6), 4-13(2), 4-32(1), 4-33(7), 4-34(1), 4-36(1), 4-40(3), 4-89(1), 4-99(4), 4-128(1), 4-140(2), 4-166(1), 4-168(1), 4-335(1), 4-364(6), 5-43(1), 5-89(1), 5-159(5), 6-08(5), 6-89(7), 6-99(1), 7-30(1), 7-99(4),

Analyt **IgE**
Methode Alle Methoden



A

Teilnehmerzahl	322	
Probe/Einheit	A	B
Mittelwert	35.9	72.6
Standardabweichung	3.62	6.00
Variationskoeffizient	10.1	8.27

Probe A [U/ml]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle	322	24.7	32.0	36.3	39.4	46.3	
1	30	10	27.1	31.4	38.0	40.2	40.8
1	72	9	31.4	32.7	35.9	37.0	37.1
2	28	13	33.0	33.5	34.6	37.9	44.0
4	4	30	26.9	31.8	33.3	37.4	43.1
4	12	4	32.0		35.3		41.0
4	30	11	32.8	33.4	38.9	40.2	41.0
4	38	5	35.4		36.3		43.0
BeckCou2	9	29.8	30.2	40.0	43.0	44.6	
4	140	3	30.0		31.9		32.9
5	30	145	30.8	34.3	38.0	39.7	42.1
5	43	20	28.7	29.3	30.8	33.4	35.1
5	44	12	29.0	29.3	32.9	38.1	42.2
5	72	35	27.3	31.1	36.3	38.4	46.3

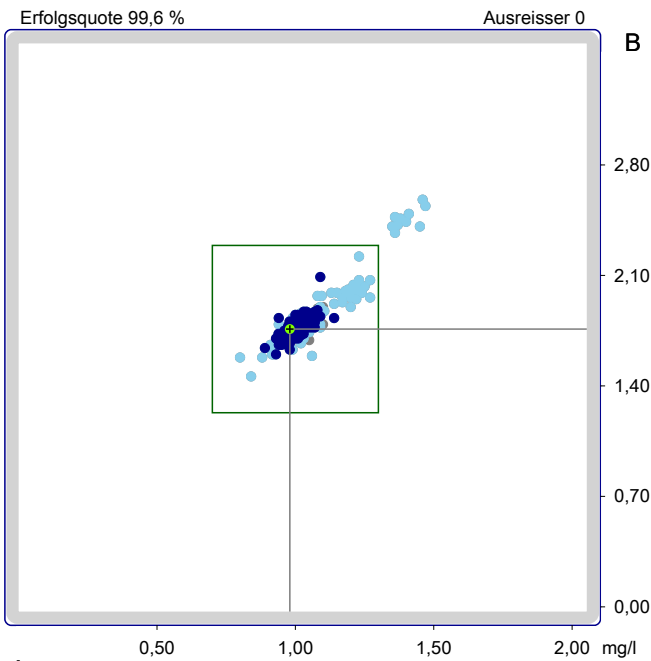
Probe B [U/ml]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle	322	51.0	66.4	73.2	78.4	90.7	
1	30	10	51.0	62.9	76.9	80.6	80.9
1	72	9	65.8	66.2	70.8	74.6	75.0
2	28	13	64.0	66.5	70.0	76.0	85.0
4	4	30	62.4	66.2	69.3	74.0	81.1
4	12	4	64.0		70.0		75.0
4	30	11	69.8	70.0	78.0	81.6	83.3
4	38	5	72.0		76.4		77.9
BeckCou2	9	70.7	72.1	75.1	81.0	82.2	
4	140	3	62.2		69.0		70.1
5	30	145	60.0	70.1	76.4	79.6	84.0
5	43	20	59.8	60.8	64.5	68.7	69.5
5	44	12	62.6	63.4	69.1	72.6	75.2
5	72	35	56.6	63.9	72.6	76.0	90.7

Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt: A 7.8 % B 6.0 %

Anderer Kits (Anzahl):
1-43(2), 4-13(2), 4-16(1), 4-43(2), 5-04(2), 5-23(2), 5-40(2), 7-43(1), 7-99(2),

Analyt **Cystatin C**
Methode Alle Methoden



A

Teilnehmerzahl	259		
Probe/Einheit	A	mg/l	B
Mittelwert	1.04		1.82
Standardabweichung	0.106		0.165
Variationskoeffizient	10.1		9.11

Probe A [mg/l]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		259	0.800	0.970	1.02	1.10	1.47
2	28	23	0.956	0.979	1.02	1.05	1.10
4	4	13	0.910	0.925	0.960	1.07	1.15
Abbott2	8	8	0.940	1.12	1.40	1.47	1.47
4	12	12	0.880	0.916	1.09	1.36	1.40
4	30	145	0.890	0.970	1.00	1.04	1.14
4	38	20	0.800	0.955	1.03	1.09	1.10
4	43	25	1.13	1.17	1.20	1.24	1.27
4	140	4	0.990		1.04		1.07

Probe B [mg/l]

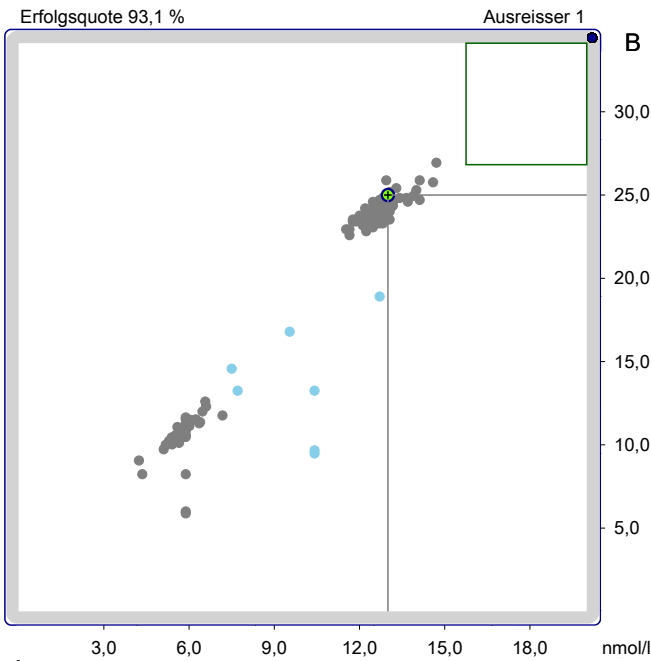
M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		259	1.46	1.70	1.77	1.91	2.58
2	28	23	1.65	1.71	1.77	1.80	1.90
4	4	13	1.64	1.67	1.76	1.88	1.99
Abbott2	8	8	1.72	2.02	2.47	2.56	2.58
4	12	12	1.58	1.60	1.92	2.41	2.44
4	30	145	1.60	1.70	1.76	1.83	2.09
4	38	20	1.46	1.64	1.78	1.87	1.97
4	43	25	1.90	1.95	1.99	2.04	2.07
4	140	4	1.72		1.81		1.87

Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt:

A	-2.0 %
B	0 %

Andere Kits (Anzahl):
2-43(1), 2-295(1), 4-13(1), 4-36(2), 4-99(1), 4-108(1), 4-295(1), 5-38(1),

Analyt **Lösl.Transf.Rez.**
Methode Alle Methoden



A

Teilnehmerzahl	132		
Probe/Einheit	A	nmol/l	B
Mittelwert	10.6		19.8
Standardabweichung	3.31		6.43
Variationskoeffizient	31.4		32.4

Probe A [nmol/l]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		132	4.24	5.79	12.4	13.1	78.8
2	28	26	5.11	5.40	5.65	6.04	12.8
4	30	89	11.5	12.2	12.7	13.2	14.7
4	43	3	5.88		5.88		5.88
4	140	2	5.39		6.28		7.18
4	154	2	4.24		4.29		4.35
5	13	10	5.53	5.71	6.12	23.9	78.8

Probe B [nmol/l]

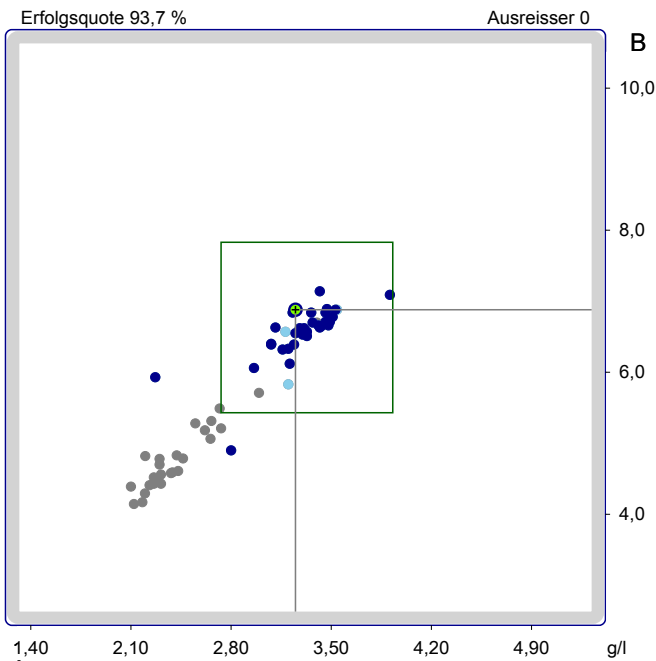
M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		132	5.88	10.6	23.5	24.7	154
2	28	26	9.73	10.1	10.5	11.5	24.0
4	30	89	22.6	23.4	24.0	24.8	26.9
4	43	3	5.88		6.00		8.24
4	140	2	10.4		11.1		11.8
4	154	2	8.24		8.65		9.06
5	13	10	10.6	10.8	11.4	46.6	154

Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt:

A	2.3 %
B	4.1 %

Andere Kits (Anzahl):

Analyt **IgG1**
Methode Alle Methoden



Teilnehmerzahl		64	
Probe/Einheit	A	g/l	B
Mittelwert	2.92		5.80
Standardabweichung	0.503		0.981
Variationskoeffizient	17.2		16.9

Probe A [g/l]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		64	2.10	2.29	3.10	3.45	3.91
2	28	33	2.27	3.09	3.33	3.49	3.91
2	43	2	3.18		3.36		3.54
4	30	2	2.66		2.66		2.66
4	140	24	2.10	2.20	2.31	2.62	2.73

Probe B [g/l]

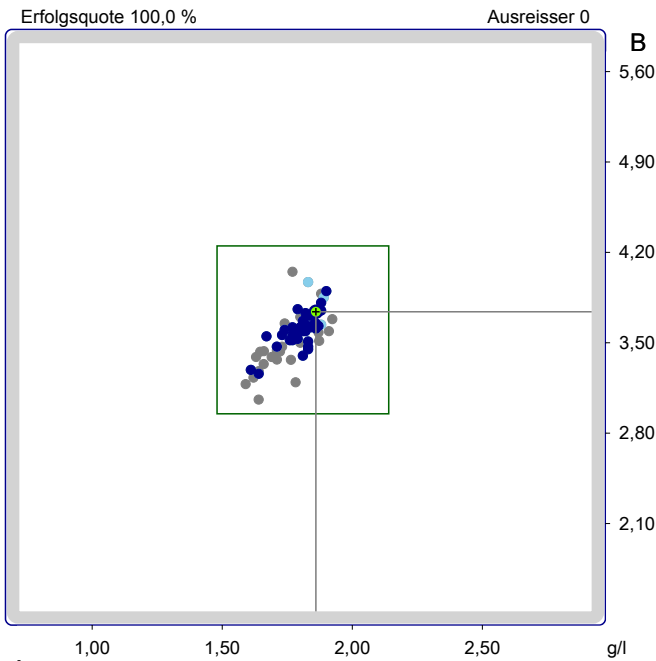
M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		64	4.15	4.54	6.22	6.76	7.14
2	28	33	4.90	6.32	6.63	6.86	7.14
2	43	2	6.57		6.73		6.88
4	30	2	5.31		5.31		5.31
4	140	24	4.15	4.39	4.59	5.18	5.49

Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt:

A	-2.4 %
B	3.7 %

Andere Kits (Anzahl):
2-13(1), 4-13(1), 7-02(1),

Analyt **IgG2**
Methode Alle Methoden



Teilnehmerzahl		67	
Probe/Einheit	A	g/l	B
Mittelwert	1.78		3.56
Standardabweichung	0.085		0.188
Variationskoeffizient	4.80		5.28

Probe A [g/l]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		67	1.59	1.67	1.80	1.87	1.92
2	28	35	1.61	1.74	1.81	1.86	1.90
2	43	2	1.88		1.89		1.89
4	30	2	1.92		1.92		1.92
4	140	25	1.59	1.64	1.72	1.87	1.91

Probe B [g/l]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		67	3.06	3.39	3.58	3.71	4.05
2	28	35	3.26	3.47	3.60	3.73	3.90
2	43	2	3.64		3.75		3.85
4	30	2	3.68		3.68		3.68
4	140	25	3.06	3.24	3.43	3.63	3.88

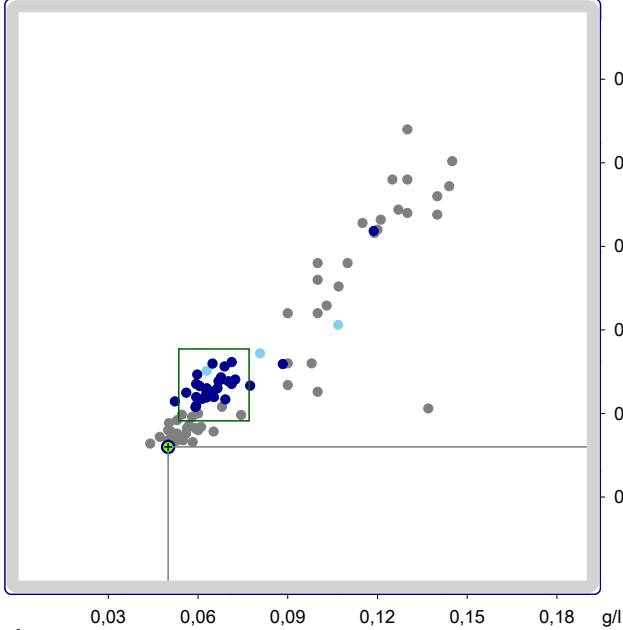
Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt:

A	2.7 %
B	3.8 %

Andere Kits (Anzahl):
2-13(1), 4-13(1), 7-02(1),

Analyt **IgG3**
Methode Alle Methoden

Erfolgsquote 77,6 % Ausreisser 0



Teilnehmerzahl		67	
Probe/Einheit	A	g/l	B
Mittelwert	0.083		0.136
Standardabweichung	0.033		0.060
Variationskoeffizient	40.1		44.5

Probe A [g/l]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		67	0.044	0.050	0.061	0.130	0.145
2	28	35	0.044	0.050	0.055	0.060	0.100
2	43	2	0.053		0.060		0.068
4	30	2	0.107		0.107		0.107
4	140	25	0.090	0.100	0.125	0.140	0.145

Probe B [g/l]

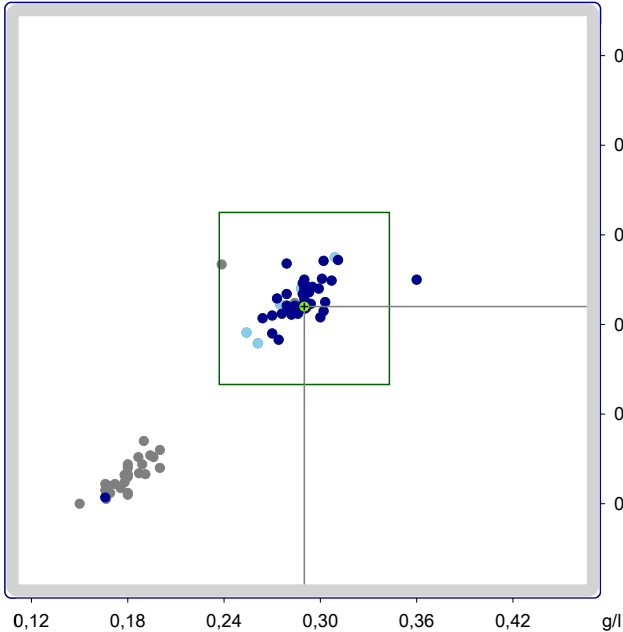
M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		67	0.079	0.084	0.099	0.220	0.270
2	28	35	0.079	0.081	0.089	0.095	0.160
2	43	2	0.096		0.100		0.104
4	30	2	0.176		0.176		0.176
4	140	25	0.103	0.161	0.216	0.239	0.270

Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt: A -9.0 % B -10.31 %

Andere Kits (Anzahl):
2-13(1), 4-13(1), 7-02(1),

Analyt **IgG4**
Methode Alle Methoden

Erfolgsquote 95,6 % Ausreisser 0



Teilnehmerzahl		69	
Probe/Einheit	A	g/l	B
Mittelwert	0.244		0.449
Standardabweichung	0.055		0.101
Variationskoeffizient	22.9		22.4

Probe A [g/l]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		69	0.150	0.178	0.273	0.295	0.360
2	28	35	0.166	0.274	0.290	0.302	0.360
2	43	4	0.261		0.282		0.309
4	30	2	0.180		0.180		0.180
4	140	25	0.150	0.167	0.180	0.194	0.200

Probe B [g/l]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		69	0.300	0.322	0.510	0.542	0.575
2	28	35	0.307	0.510	0.529	0.550	0.572
2	43	4	0.479		0.531		0.575
4	30	2	0.344		0.344		0.344
4	140	25	0.300	0.312	0.332	0.352	0.370

Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt: A 0 % B -1.7 %

Andere Kits (Anzahl):
2-13(1), 4-13(1), 7-02(1),