

Medizinische Hochschule Hannover  
Institut für Klinische Chemie  
Prof. Dr. med. Brand  
z.Hd. Dr. Grote-Koska  
Carl-Neuberg-Str. 1  
30625 Hannover

Ringversuch: **KS1/26**  
im Monat: **Januar 2026**  
Teilnehmer-Nr.: **0000002**  
Gültig ab: **17.01.26**



Seite 2 von 18

Medizinische Hochschule Hannover  
Institut für Klinische Chemie und Zentrallabor  
Prof. Dr. med. Brand  
z.Hd. Dr. Grote-Koska  
Carl-Neuberg-Str. 1  
30625 Hannover



Bonn, 18. Februar 2026

## Zertifikat

Wir bestätigen Ihnen hiermit, dass Sie am Ringversuch für klinisch-chemische Analyte im Serum teilgenommen haben.

Dieses Zertifikat ist gemäß aktueller Version der RiLiBÄK gültig bis einschließlich Juli 2026.

Sie haben die Anforderungen des Ringversuches für folgende Messgrößen erfüllt:

Bilirubin, ges.	(2)	Cholesterin	(1)	Glucose	(1)
Harnsäure	(3)	Harnstoff	(2)	Kreatinin	(2)
Lactat	(2)	Triglyceride	(2)	Gesamtprotein	(1)
Elektrophorese	(3)	Calcium	(4)	Chlorid	(7)
Kalium	(2)	Lithium	(5)	Magnesium	(4)
Natrium	(2)	Phosphor, anorg.	(2)	Eisen	(2)
Alpha-Amylase	(1)	Cholinesterase	(1)	Alk. P.ase	(1)
CK	(1)	GLDH	(1)	AST (GOT)	(1)
ALT (GPT)	(1)	LDH	(1)	Gamma-GT	(1)
Lipase	(1)	Osmolalität	(1)		

Prof. Dr. Dr. K. P. Kohse  
Ringversuchsleitung

Dr. Anja Kessler  
Leitung Referenzinstitut

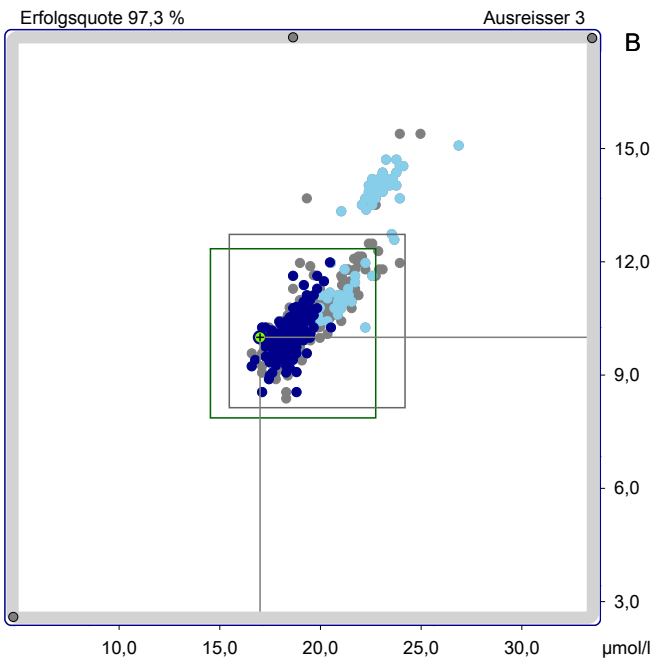
Dr. Marika Enders  
EQAS-Board

Die hinter jedem Analyten angegebene Ziffer kennzeichnet die angewendete Analysenmethode.  
Die Zuordnung der Ziffer zur jeweiligen Methode ist der Gesamtauswertung zu entnehmen.

Dieses Zertifikat ist in Verbindung mit dem Abschlussbericht vom 18.02.26 gültig.  
Dieser steht im RfB-Online System zum Download zur Verfügung.



Analyt **Bilirubin, ges.**  
Methode Alle Methoden



Teilnehmerzahl	<b>534</b>		
Probe/Einheit	A	µmol/l	B
Mittelwert	19.6		10.7
Standardabweichung	1.74		1.28
Variationskoeffizient	8.87		11.9

**Probe A [µmol/l]**

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle	534		16.6	18.2	18.8	21.7	329
1	4	57	18.8	20.0	20.5	22.3	23.1
1	30	111	16.6	17.8	18.5	19.0	329
1	43	7	18.3		19.4		22.3
1	328	21	18.8	19.7	20.4	22.1	25.0
2	4	27	20.4	20.5	20.9	21.7	22.6
2	30	214	16.6	17.8	18.7	19.2	20.5
2	38	41	21.1	22.3	22.8	23.8	26.9
2	43	4	18.7		19.1		19.4
2	126	5	19.9		20.0		20.5
3	43	29	18.2	19.2	21.7	22.3	22.6
4	30	9	17.8	18.0	18.4	20.2	22.3

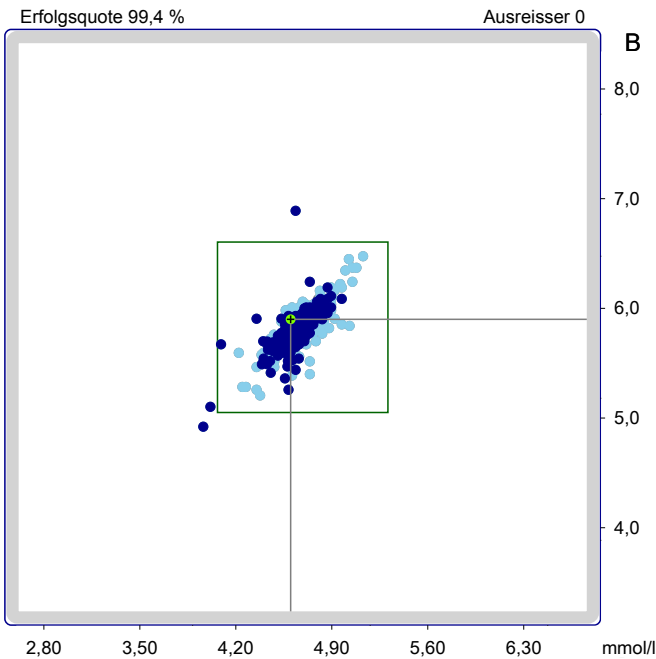
**Probe B [µmol/l]**

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle	534		8.39	9.88	10.3	12.0	993
1	4	57	9.93	10.3	10.8	12.0	12.3
1	30	111	8.39	9.76	10.3	10.6	993
1	43	7	9.93		10.7		12.0
1	328	21	10.1	10.3	10.6	12.0	15.4
2	4	27	10.3	10.3	11.0	11.7	12.0
2	30	214	8.56	9.61	10.1	10.4	12.0
2	38	41	13.4	13.7	13.9	14.4	15.1
2	43	4	10.3		10.4		10.6
2	126	5	10.4		10.8		11.2
3	43	29	9.25	10.3	12.0	12.2	12.5
4	30	9	8.56	8.77	9.93	11.7	13.7

Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt: A -8.9 % B -1.1 %

Andere Kits (Anzahl): 1-13(1), 1-32(1), 1-38(1), 1-126(1), 2-335(2), 3-04(1), 4-04(1), 4-61(1).

Analyt **Cholesterin**  
Methode Alle Methoden



Teilnehmerzahl	<b>514</b>		
Probe/Einheit	A	mmol/l	B
Mittelwert	4.65		5.81
Standardabweichung	0.134		0.181
Variationskoeffizient	2.89		3.11

**Probe A (RMW = 4.69 mmol/l)**

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle	514		3.96	4.53	4.64	4.77	5.13
1	4	79	4.40	4.58	4.66	4.77	4.97
1	30	321	3.96	4.56	4.64	4.72	4.97
1	38	40	4.22	4.56	4.71	4.90	5.13
1	43	38	4.27	4.50	4.66	4.83	4.92
1	126	7	4.80		5.02		5.08
1	328	20	4.25	4.37	4.51	4.67	4.74

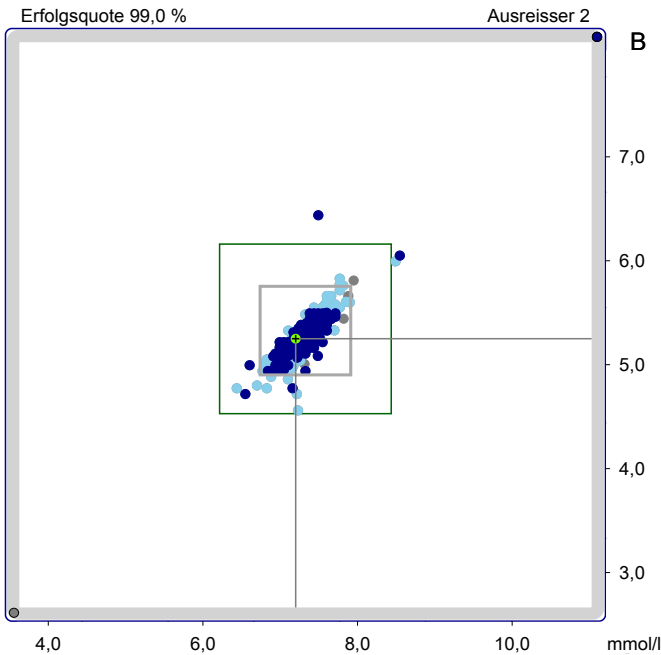
**Probe B (RMW = 5.83 mmol/l)**

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle	514		4.92	5.67	5.80	5.96	6.89
1	4	79	5.39	5.67	5.83	5.93	6.22
1	30	321	4.92	5.67	5.80	5.92	6.89
1	38	40	5.59	5.78	5.97	6.13	6.48
1	43	38	5.21	5.52	5.74	5.90	5.98
1	126	7	6.00		6.24		6.45
1	328	20	5.26	5.46	5.70	5.79	5.87

Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt: A -0.7 % B 1.7 %

Andere Kits (Anzahl): 1-12(2), 1-13(1), 1-32(1), 1-99(1), 1-161(1), 1-335(2), 2-99(1).

Analyt **Glucose**  
Methode Alle Methoden



Teilnehmerzahl	<b>552</b>		
Probe/Einheit	A	mmol/l	B
Mittelwert	7.30		5.25
Standardabweichung	0.210		0.171
Variationskoeffizient	2.87		3.26

**Probe A (RMW = 7.33 mmol/l)**

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle	552	6.44	7.10	7.30	7.49	12.4	
1	4	84	6.70	7.05	7.15	7.27	7.41
1	12	3	6.99		7.23		7.33
1	30	338	6.55	7.16	7.33	7.49	12.4
1	38	42	6.44	7.05	7.27	7.47	7.77
1	43	41	6.77	7.01	7.22	7.38	7.55
1	126	7	7.40		7.57		7.90
1	328	21	7.42	7.47	7.60	7.79	8.49

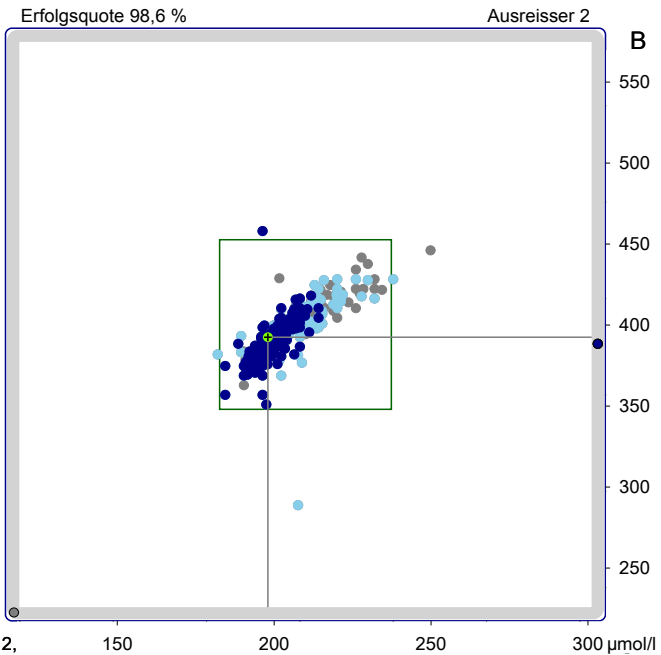
**Probe B (RMW = 5.33 mmol/l)**

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle	552	4.56	5.11	5.25	5.38	9.05	
1	4	84	4.72	5.05	5.16	5.25	5.39
1	12	3	4.56		5.11		5.48
1	30	338	4.72	5.16	5.27	5.38	9.05
1	38	42	4.77	5.04	5.21	5.33	5.55
1	43	41	4.77	5.04	5.17	5.28	5.44
1	126	7	5.30		5.46		5.60
1	328	21	5.49	5.50	5.60	5.80	5.99

Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt: A -1.7 % B -0.4 %

Andere Kits (Anzahl): 1-335(2), 2-04(1), 2-30(2), 3-04(1), 3-13(1), 3-30(1), 3-32(1), 3-99(1), 3-161(1), 4-30(1), 4-57(1), 4-112(1), 5-34(1), 5-99(1),

Analyt **Harnsäure**  
Methode Alle Methoden



Teilnehmerzahl	<b>534</b>		
Probe/Einheit	A	µmol/l	B
Mittelwert	205		397
Standardabweichung	9.03		14.5
Variationskoeffizient	4.41		3.65

**Probe A (RMW = 210 µmol/l)**

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle	534	182	196	202	214	20060	
1	4	37	196	200	207	213	214
1	30	58	190	196	202	205	230
1	38	10	190	202	214	220	220
1	43	19	208	210	214	219	220
1	328	19	214	220	227	232	250
2	30	7	196		205		211
3	4	47	196	202	205	208	215
3	30	263	185	196	200	205	20060
3	38	31	202	211	214	220	230
3	43	22	206	214	218	222	238
3	126	6	208		215		220
4	30	5	198		202		203

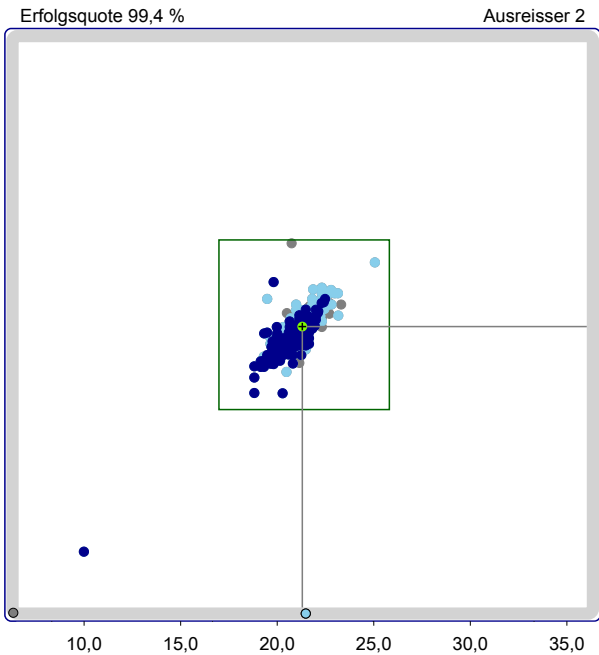
**Probe B (RMW = 400 µmol/l)**

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle	534	289	385	397	411	458	
1	4	37	392	393	405	411	417
1	30	58	363	385	393	403	438
1	38	10	384	398	405	414	417
1	43	19	393	399	414	422	425
1	328	19	405	411	423	433	446
2	30	7	387		396		410
3	4	47	369	389	399	405	413
3	30	263	351	381	392	400	458
3	38	31	377	398	406	415	428
3	43	22	408	411	417	429	429
3	126	6	289		421		428
4	30	5	388		392		394

Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt: A % B 0.0 %

Andere Kits (Anzahl): 1-32(1), 1-126(2), 3-07(1), 3-13(1), 3-99(1), 3-328(1), 3-335(2), 4-12(1),

Analyt **Harnstoff**  
Methode Alle Methoden



Teilnehmerzahl	541		
Probe/Einheit	A	mmol/l	B
Mittelwert	21.0		12.3
Standardabweichung	0.904		0.575
Variationskoeffizient	4.30		4.66

**Probe A (RMW = 21.4 mmol/l)**

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		541	9.99	20.3	21.0	21.6	25.1
1	4	8	20.8	20.8	22.0	22.4	22.4
1	30	13	20.0	20.4	21.0	22.4	23.3
1	43	5	21.0		21.1		22.1
1	328	9	21.0	21.3	22.3	22.8	23.0
2	4	75	19.2	20.6	21.3	21.8	22.8
2	30	318	9.99	20.1	20.9	21.4	22.5
2	38	41	19.3	20.1	21.2	21.9	23.0
2	43	34	20.3	20.9	21.5	21.9	22.4
2	126	5	20.3		21.0		21.8
2	328	14	21.0	21.2	22.2	23.2	25.1
4	30	3	20.3		20.5		21.6

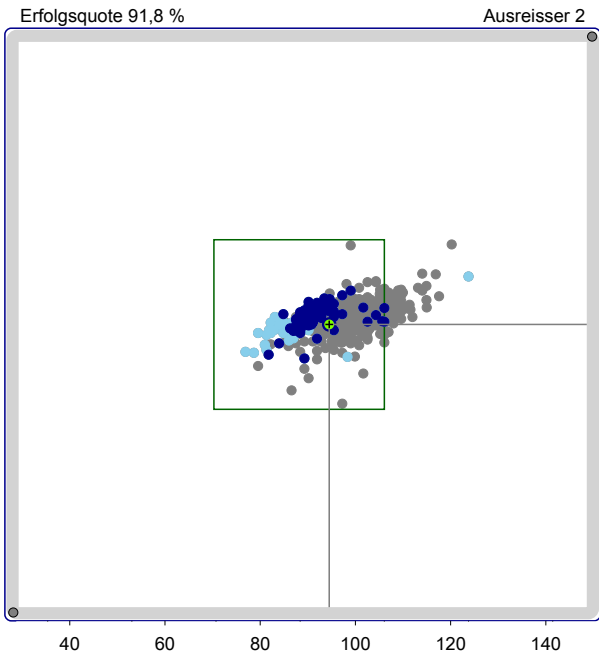
**Probe B (RMW = 12.6 mmol/l)**

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		541	1.27	11.9	12.3	12.8	15.0
1	4	8	12.2	12.3	13.1	13.4	13.5
1	30	13	11.4	11.8	12.3	13.0	13.2
1	43	5	12.3		12.7		13.2
1	328	9	12.5	12.5	12.9	13.4	13.5
2	4	75	11.5	12.0	12.5	13.0	13.6
2	30	318	5.83	11.8	12.2	12.5	13.8
2	38	41	1.27	11.8	12.5	12.9	13.5
2	43	34	12.0	12.3	12.7	13.0	13.7
2	126	5	12.1		12.7		13.3
2	328	14	12.2	12.4	12.8	13.4	14.4
4	30	3	12.0		12.7		12.9

Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt: A 1.9 % B 2.4 %

Andere Kits (Anzahl): 1-38(1), 2-07(1), 2-12(2), 2-32(2), 2-99(1), 2-335(2), 3-13(1), 3-30(1), 3-43(1), 3-126(1), 4-04(2), 4-99(1),

Analyt **Kreatinin**  
Methode Alle Methoden



Teilnehmerzahl	561		
Probe/Einheit	A	µmol/l	B
Mittelwert	97.8		402
Standardabweichung	7.59		14.4
Variationskoeffizient	7.76		3.58

**Probe A (RMW = 87.9 µmol/l)**

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		561	76.9	89.3	98.4	106	186
1	4	63	82.2	97.3	102	106	120
1	30	241	85.8	97.3	103	106	186
1	38	37	85.8	91.1	94.6	98.1	103
1	43	22	92.8	101	107	112	118
1	328	17	84.9	88.0	99.0	105	114
2	4	20	76.9	80.2	84.0	87.2	88.4
2	30	110	81.8	88.4	90.2	94.6	106
2	38	6	81.0		89.4		93.7
2	43	19	81.3	85.2	88.4	91.8	94.0
2	126	5	88.4		89.8		98.4
2	328	4	86.6		87.8		91.1
3	4	3	102		102		103

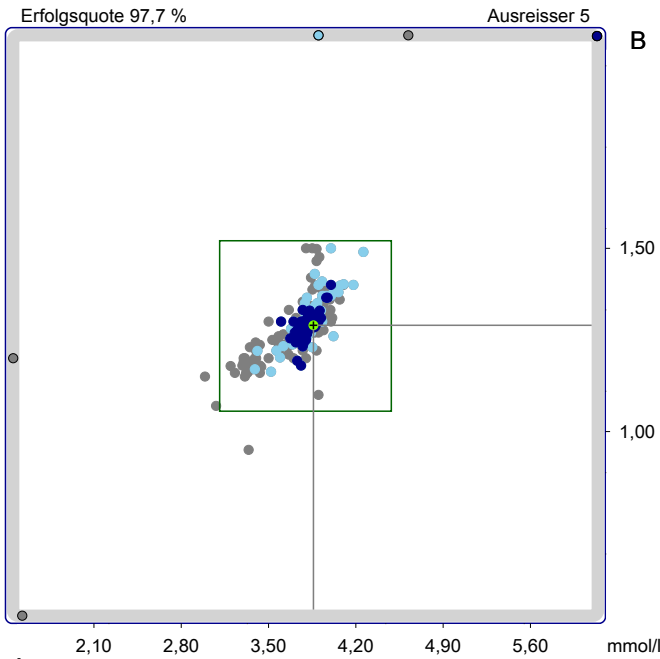
**Probe B (RMW = 397 µmol/l)**

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		561	323	390	403	414	663
1	4	63	378	400	412	426	472
1	30	241	347	390	402	411	663
1	38	37	367	385	395	407	437
1	43	22	389	399	407	421	430
1	328	17	381	400	411	425	429
2	4	20	370	384	395	402	407
2	30	110	365	397	404	410	429
2	38	6	378		402		420
2	43	19	373	387	398	405	413
2	126	5	367		395		409
2	328	4	395		397		404
3	4	3	407		407		416

Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt: A 4.7 % B -1.7 %

Andere Kits (Anzahl): 1-01(1), 1-12(2), 1-13(1), 1-99(1), 1-126(2), 1-161(1), 1-335(2), 2-32(1), 2-34(1), 3-89(1), 3-99(1),

Analyt **Lactat**  
Methode Alle Methoden



Teilnehmerzahl	<b>318</b>		
Probe/Einheit	A	mmol/l	B
Mittelwert	3.77		1.29
Standardabweichung	0.177		0.066
Variationskoeffizient	4.68		5.17

**Probe A [mmol/l]**

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		318	0.380	3.67	3.80	3.90	342
1	4	16	2.99	3.27	3.38	3.52	3.62
1	12	15	0.380	3.26	3.34	3.47	3.57
1	30	73	3.59	3.75	3.80	3.90	4.00
1	38	9	3.58	3.62	3.70	3.86	3.88
1	43	13	3.70	3.74	3.83	3.88	3.91
1	328	12	3.81	3.83	3.91	4.03	4.07
2	4	16	3.83	3.90	3.95	4.02	4.07
2	30	89	3.60	3.75	3.80	3.89	342
2	38	11	3.56	3.59	3.77	3.87	4.10
2	43	11	3.79	3.79	3.87	3.93	4.00
4	30	32	3.40	3.70	3.80	3.88	4.10
4	112	3	3.53		3.80		4.62

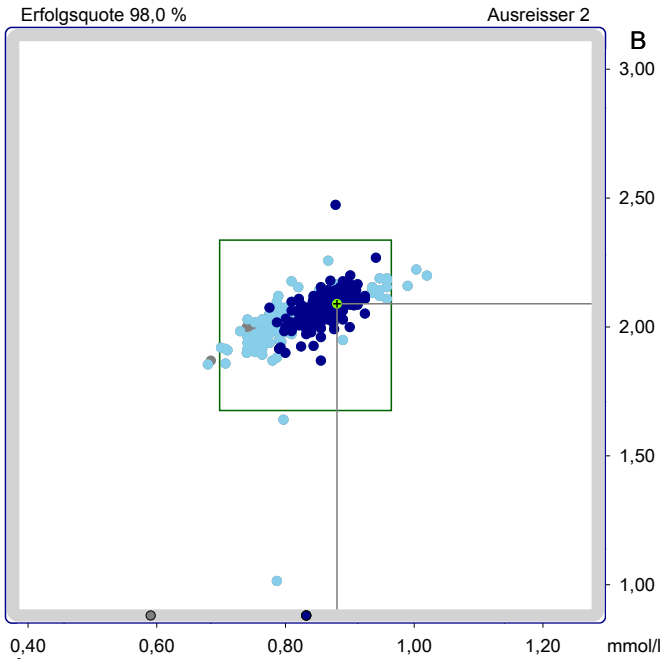
**Probe B [mmol/l]**

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		318	0.385	1.24	1.30	1.34	247
1	4	16	1.15	1.16	1.19	1.24	1.27
1	12	15	0.950	1.16	1.19	1.24	1.30
1	30	73	1.20	1.27	1.30	1.33	1.40
1	38	9	1.23	1.24	1.25	1.31	1.33
1	43	13	1.25	1.29	1.30	1.49	1.50
1	328	12	1.10	1.22	1.30	1.39	1.39
2	4	16	1.26	1.30	1.37	1.40	12.2
2	30	89	1.18	1.25	1.29	1.31	247
2	38	11	1.20	1.22	1.26	1.31	1.40
2	43	11	1.25	1.32	1.35	1.44	1.50
4	30	32	1.20	1.25	1.30	1.31	1.50
4	112	3	1.25		1.35		5.26

Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt: A 1.5 %, B 0 %

Andere Kits (Anzahl): 2-12(2), 2-13(1), 2-45(1), 2-126(1), 2-328(2), 3-57(1), 3-99(1), 3-335(1), 4-04(2), 4-38(1), 4-43(1), 4-57(1), 4-61(1), 4-99(2),

Analyt **Triglyceride**  
Methode Alle Methoden



Teilnehmerzahl	<b>514</b>		
Probe/Einheit	A	mmol/l	B
Mittelwert	0.841		2.05
Standardabweichung	0.048		0.081
Variationskoeffizient	5.74		3.98

**Probe A (RMW = 0.831 mmol/l)**

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		514	0.591	0.787	0.850	0.880	1.02
1	30	4	0.821		0.855		0.863
1	328	4	0.740		0.753		0.760
2	4	77	0.707	0.766	0.798	0.810	0.852
2	30	316	0.775	0.838	0.859	0.887	0.941
2	38	39	0.710	0.764	0.787	0.798	0.867
2	43	37	0.707	0.844	0.900	0.958	1.02
2	126	7	0.830		0.850		0.878
2	328	15	0.700	0.720	0.764	0.787	0.787

**Probe B (RMW = 2.01 mmol/l)**

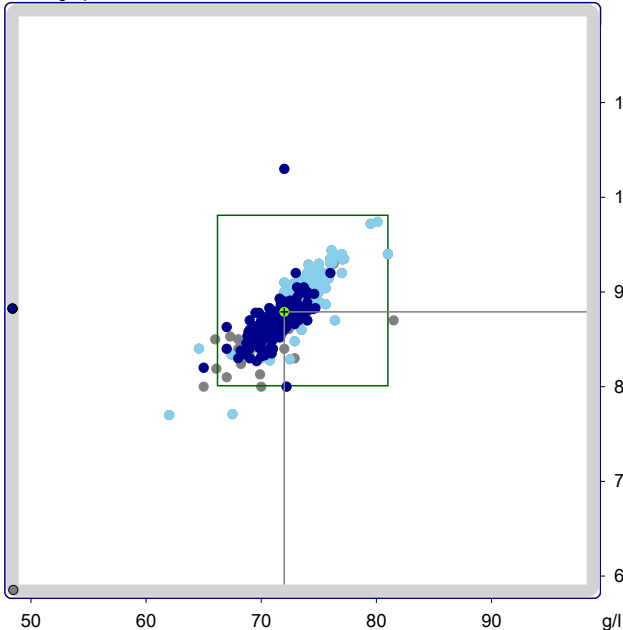
M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		514	0.815	2.00	2.06	2.11	2.47
1	30	4	2.03		2.07		2.08
1	328	4	1.96		1.97		2.00
2	4	77	1.01	1.96	2.01	2.05	2.14
2	30	316	0.844	2.03	2.08	2.12	2.47
2	38	39	1.87	1.94	2.00	2.03	2.16
2	43	37	1.92	2.03	2.12	2.16	2.22
2	126	7	2.07		2.08		2.17
2	328	15	1.86	1.94	1.99	2.05	2.08

Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt: A 2.3 %, B 0.7 %

Andere Kits (Anzahl): 1-04(2), 1-32(1), 1-38(1), 1-43(2), 2-07(1), 2-12(1), 2-13(1), 2-99(1), 2-335(2), 3-30(1), 3-99(1), 4-30(1),

Analyt **Gesamtprotein**  
Methode Alle Methoden

Erfolgsquote 97,5 % Ausreisser 2



Teilnehmerzahl	<b>524</b>		
Probe/Einheit	A	g/l	B
Mittelwert	72.1		87.7
Standardabweichung	2.11		2.66
Variationskoeffizient	2.93		3.03

**Probe A (RMW = 73.6 g/l)**

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		524	7.38	70.2	72.0	74.0	81.5
1	4	82	69.0	72.0	73.0	74.2	76.6
1	30	235	7.38	70.0	71.7	73.0	76.0
1	38	39	62.0	72.0	74.4	76.0	80.1
1	43	41	70.0	71.0	73.0	74.3	75.6
1	126	5	68.8		74.0		75.6
1	328	20	71.3	73.0	75.1	77.1	81.0
2	30	96	65.0	69.9	71.9	72.9	81.5

**Probe B (RMW = 89.1 g/l)**

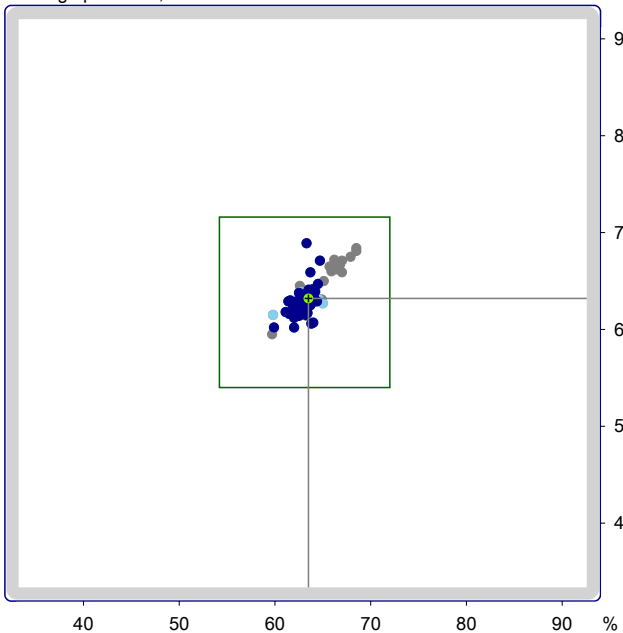
M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		524	77.0	85.5	87.8	90.0	103
1	4	82	82.9	88.4	90.0	91.4	93.9
1	30	235	80.0	85.2	87.0	88.3	103
1	38	39	77.0	86.9	90.0	92.6	97.4
1	43	41	82.8	86.0	89.0	90.0	91.5
1	126	5	84.5		88.0		89.1
1	328	20	84.8	87.7	90.7	93.8	97.2
2	30	96	80.0	85.0	86.9	89.0	93.0

Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt: A 0.4 % B 1.0 %

Andere Kits (Anzahl):  
1-13(1), 1-32(1), 1-99(1), 1-335(2), 2-99(1),

Analyt **Albumin, Elpho**  
Methode Alle Methoden

Erfolgsquote 100,0 % Ausreisser 0



Teilnehmerzahl	<b>163</b>		
Probe/Einheit	A	%	B
Mittelwert	63.3		63.1
Standardabweichung	1.29		1.48
Variationskoeffizient	2.04		2.34

**Probe A [%]**

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		163	59.7	62.3	63.2	64.0	68.5
1	110	4	62.4		62.9		64.9
2	101	13	59.7	63.9	66.2	68.4	68.5
3	46	16	59.8	62.3	63.3	64.6	65.0
3	101	121	59.9	62.3	63.1	63.8	64.7
3	145	2	63.1		63.2		63.3
4	101	4	62.6		63.2		63.4

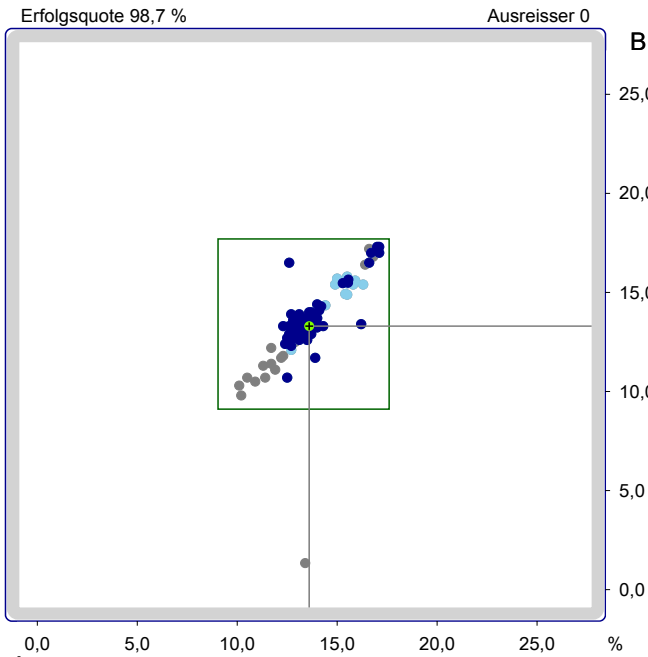
**Probe B [%]**

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		163	59.5	61.9	62.9	63.8	68.9
1	110	4	61.5		62.1		63.1
2	101	13	59.5	63.0	66.5	68.0	68.4
3	46	16	61.5	62.6	62.9	63.2	63.9
3	101	121	60.2	61.9	62.8	63.6	68.9
3	145	2	62.9		63.4		64.0
4	101	4	61.4		63.2		64.5

Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt: A 0.6 % B 0.6 %

Andere Kits (Anzahl):  
1-30(1), 1-99(1), 1-101(1),

Analyt **G-Globulin, Elpho**  
 Methode Alle Methoden



**A**

Teilnehmerzahl	<b>163</b>		
Probe/Einheit	A	%	B
Mittelwert	13.6		13.5
Standardabweichung	1.26		1.64
Variationskoeffizient	9.26		12.1

**Probe A [%]**

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle	163		10.1	12.8	13.4	14.9	17.1
1	110	4	12.2		15.1		16.8
2	101	14	10.1	10.5	11.8	13.4	16.6
3	46	16	12.7	13.6	15.4	15.8	16.3
3	101	120	12.3	12.9	13.3	13.9	17.1
3	145	2	15.5		15.6		15.7
4	101	4	13.0		13.5		16.4

**Probe B [%]**

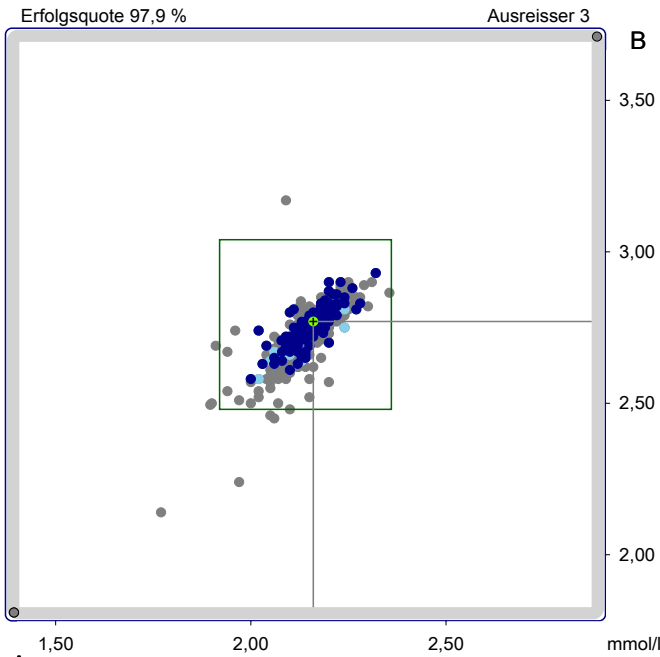
M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle	163		1.34	12.9	13.4	14.9	17.3
1	110	4	1.34		14.3		16.8
2	101	14	9.80	10.4	11.6	13.3	17.2
3	46	16	12.1	13.8	15.4	15.6	15.8
3	101	120	10.7	13.0	13.4	13.9	17.3
3	145	2	14.9		15.2		15.6
4	101	4	13.1		13.6		16.4

Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt:

A	2.2 %
B	-0.3 %

Andere Kits (Anzahl):  
 1-30(1), 1-99(1), 1-101(1),

Analyt **Calcium**  
 Methode Alle Methoden



**A**

Teilnehmerzahl	<b>539</b>		
Probe/Einheit	A	mmol/l	B
Mittelwert	2.15		2.74
Standardabweichung	0.062		0.084
Variationskoeffizient	2.90		3.08

**Probe A (RMW = 2.14 mmol/l)**

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle	539		1.06	2.10	2.15	2.20	4.50
2	30	5	2.06		2.20		2.20
3	4	72	1.91	2.07	2.11	2.16	2.23
3	30	144	1.06	2.12	2.15	2.20	2.25
3	38	41	1.90	2.15	2.20	2.24	4.50
3	43	38	2.02	2.12	2.20	2.26	2.30
3	126	5	1.97		2.16		2.23
3	328	22	2.00	2.05	2.09	2.20	2.36
4	4	8	2.02	2.03	2.12	2.20	2.24
4	30	179	2.00	2.11	2.15	2.20	2.32
5	4	3	2.09		2.09		2.10
5	30	5	2.11		2.14		2.20
6	30	3	2.05		2.16		2.19

**Probe B (RMW = 2.76 mmol/l)**

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle	539		1.34	2.67	2.75	2.81	5.70
2	30	5	2.63		2.76		2.82
3	4	72	2.48	2.62	2.69	2.75	2.80
3	30	144	1.34	2.70	2.76	2.81	3.17
3	38	41	2.50	2.73	2.78	2.84	5.70
3	43	38	2.52	2.72	2.80	2.85	2.89
3	126	5	2.51		2.78		2.85
3	328	22	2.45	2.55	2.66	2.77	2.87
4	4	8	2.58	2.61	2.67	2.76	2.77
4	30	179	2.58	2.70	2.75	2.80	2.93
5	4	3	2.60		2.66		2.70
5	30	5	2.71		2.75		2.90
6	30	3	2.61		2.72		2.80

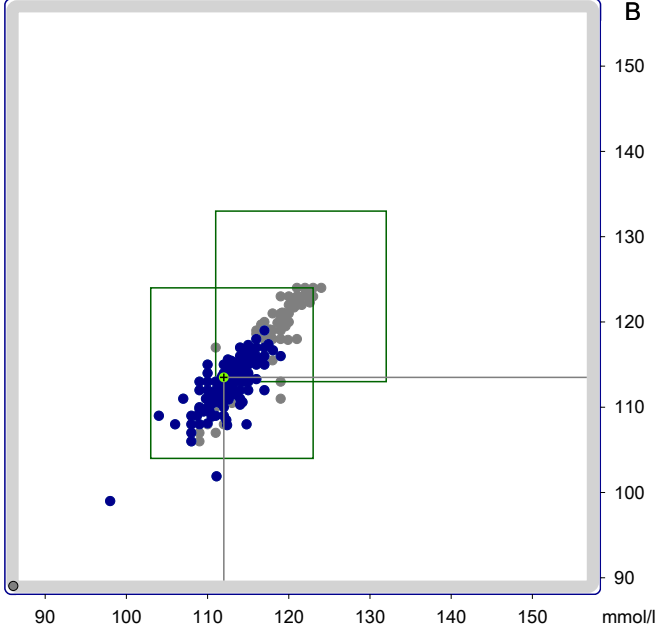
Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt:

A	0.4 %
B	0.7 %

Andere Kits (Anzahl):  
 1-328(1), 2-04(1), 2-12(1), 2-22(1), 2-43(1), 3-13(1), 3-32(1), 3-99(1), 3-335(2), 4-43(1), 4-126(1), 6-04(1), 6-89(1),

Analyt **Chlorid**  
Methode Alle Methoden

Erfolgsquote 98,8 % Ausreisser 1



Teilnehmerzahl	<b>449</b>		
Probe/Einheit	A	mmol/l	B
Mittelwert	114		115
Standardabweichung	3.51		4.06
Variationskoeffizient	3.07		3.53

**Probe A (ZW = 121 [mmol/l])**

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		449	98.0	111	114	119	124
2	30	3	114	117	117	118	
4	4	76	116	119	120	121	124
4	38	34	113	115	116	117	118
4	43	36	111	115	116	118	119
5	126	4	113	116	116	117	
7	30	268	98.0	111	113	115	119
8	328	20	108	109	111	113	119

**Probe B (ZW = 123 [mmol/l])**

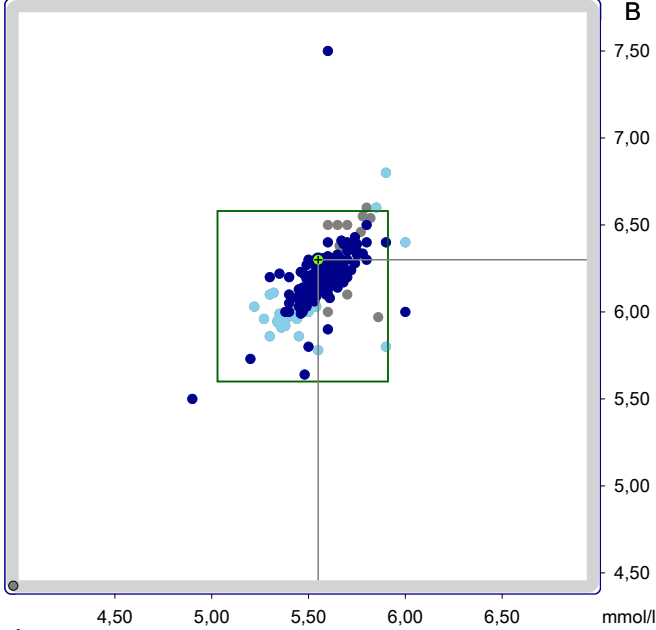
M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		449	99.0	111	114	119	124
2	30	3	114	115	115	118	
4	4	76	113	119	121	123	124
4	38	34	112	116	117	119	119
4	43	36	112	115	117	118	119
5	126	4	115	119	119	120	
7	30	268	99.0	111	113	115	119
8	328	20	106	106	108	111	112

Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt: A -0.4 % B 0.4 %

Andere Kits (Anzahl): 1-99(1), 2-04(1), 2-32(1), 2-38(1), 4-335(2), 5-43(1), 6-89(1),

Analyt **Kalium**  
Methode Alle Methoden

Erfolgsquote 98,7 % Ausreisser 1



Teilnehmerzahl	<b>541</b>		
Probe/Einheit	A	mmol/l	B
Mittelwert	5.56		6.18
Standardabweichung	0.104		0.134
Variationskoeffizient	1.86		2.17

**Probe A (ZW = 5.47 [mmol/l])**

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		541	4.90	5.47	5.57	5.62	6.00
2	4	74	5.30	5.44	5.50	5.59	5.65
2	30	318	4.90	5.50	5.59	5.63	6.00
2	38	40	5.27	5.37	5.41	5.50	5.52
2	43	37	5.22	5.44	5.50	5.63	5.70
2	328	21	5.48	5.50	5.59	5.72	6.00
3	30	7	5.50	5.66	5.82	5.82	
4	4	11	5.40	5.40	5.50	5.57	5.60
4	30	12	5.45	5.47	5.55	5.68	5.70
5	126	6	5.60	5.78	5.86	5.86	

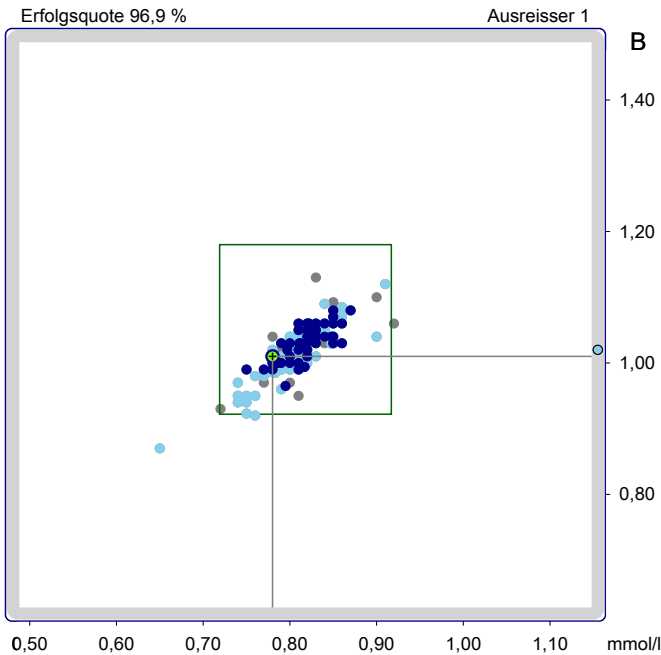
**Probe B (ZW = 6.09 [mmol/l])**

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		541	5.50	6.09	6.20	6.29	7.50
2	4	74	5.78	6.06	6.14	6.20	6.28
2	30	318	5.50	6.13	6.20	6.30	7.50
2	38	40	5.86	5.95	6.00	6.09	6.22
2	43	37	6.00	6.03	6.12	6.28	6.32
2	328	21	6.09	6.10	6.20	6.32	6.60
3	30	7	6.20	6.30	6.54	6.54	
4	4	11	6.00	6.04	6.16	6.20	6.20
4	30	12	6.08	6.13	6.20	6.30	6.50
5	126	6	5.97	6.37	6.60	6.60	

Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt: A -0.7 % B 1.6 %

Andere Kits (Anzahl): 1-22(1), 1-99(1), 1-328(1), 2-13(1), 2-32(1), 2-335(2), 3-04(1), 3-43(2), 3-99(2), 4-34(1), 4-43(1), 4-89(1),

Analyt **Lithium**  
Methode Alle Methoden



Teilnehmerzahl	<b>132</b>		
Probe/Einheit	A	mmol/l	B
Mittelwert	0.809		1.02
Standardabweichung	0.038		0.041
Variationskoeffizient	4.70		4.12

**Probe A (RMW = 0.818 mmol/l)**

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		132	0.650	0.780	0.810	0.850	1.28
1	99	4	0.800		0.805		0.810
3	30	6	0.790		0.825		0.853
5	4	22	0.650	0.740	0.773	0.808	0.848
5	30	57	0.750	0.790	0.820	0.850	0.870
5	38	5	0.750		0.790		0.820
5	43	16	0.780	0.797	0.840	0.874	1.28
6	4	4	0.720		0.780		0.816
6	30	4	0.800		0.800		0.820

**Probe B (RMW = 1.05 mmol/l)**

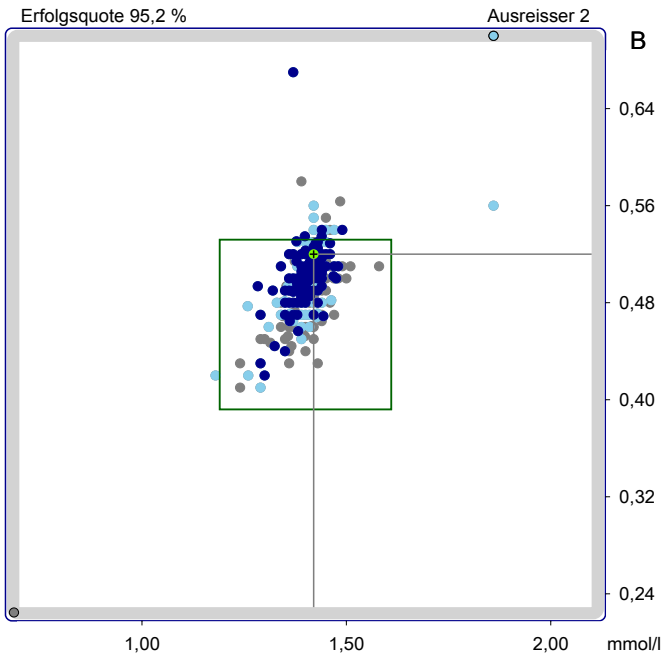
M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		132	0.870	0.986	1.02	1.06	1.13
1	99	4	0.950		0.960		1.02
3	30	6	1.00		1.05		1.13
5	4	22	0.870	0.940	0.983	1.02	1.05
5	30	57	0.965	1.00	1.03	1.06	1.08
5	38	5	0.923		0.990		1.01
5	43	16	1.01	1.02	1.05	1.09	1.12
6	4	4	0.930		0.992		1.02
6	30	4	1.00		1.01		1.04

Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt:

A	-4.8 %
B	-1.9 %

Andere Kits (Anzahl):  
2-30(2), 3-99(1), 3-328(1), 4-99(1), 5-05(1), 5-99(1), 5-126(2), 5-328(2), 6-38(1), 6-91(1), 6-126(1),

Analyt **Magnesium**  
Methode Alle Methoden



Teilnehmerzahl	<b>419</b>		
Probe/Einheit	A	mmol/l	B
Mittelwert	1.40		0.495
Standardabweichung	0.046		0.027
Variationskoeffizient	3.31		5.49

**Probe A (ZW = 1.40 [mmol/l])**

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		419	1.18	1.37	1.40	1.44	1.86
2	30	3	1.39		1.41		1.41
4	4	14	1.37	1.38	1.42	1.44	1.46
4	30	205	1.28	1.38	1.40	1.43	1.49
4	38	30	1.26	1.35	1.39	1.42	1.45
4	43	30	1.26	1.35	1.39	1.43	1.47
4	126	5	1.33		1.40		1.49
6	43	6	1.36		1.43		1.48
6	328	12	1.24	1.36	1.37	1.42	1.51
7	30	29	1.24	1.37	1.41	1.44	1.46
8	4	57	1.29	1.37	1.41	1.45	1.50
8	30	12	1.34	1.37	1.40	1.45	1.46
8	99	3	1.40		1.43		1.58

**Probe B (ZW = 0.462 [mmol/l])**

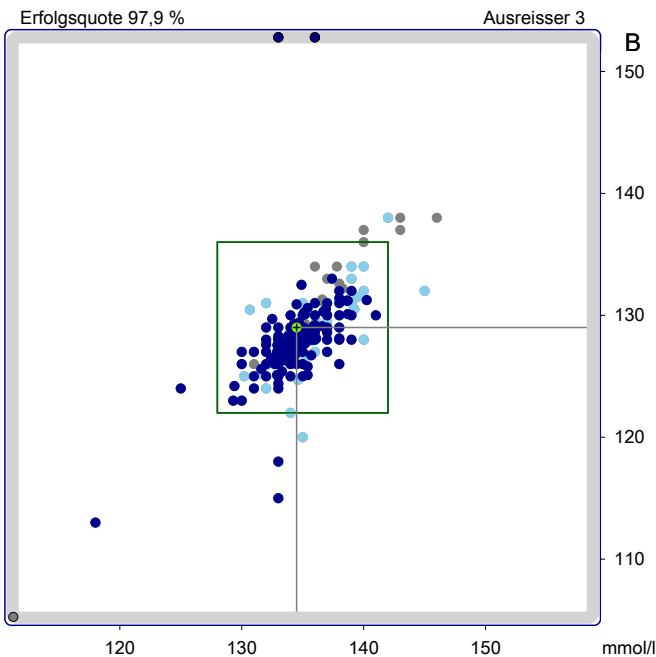
M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		419	0.410	0.470	0.500	0.511	0.770
2	30	3	0.480		0.502		0.510
4	4	14	0.460	0.462	0.471	0.481	0.500
4	30	205	0.420	0.489	0.500	0.517	0.670
4	38	30	0.450	0.477	0.494	0.510	0.550
4	43	30	0.410	0.470	0.500	0.530	0.540
4	126	5	0.480		0.530		0.540
6	43	6	0.470		0.520		0.564
6	328	12	0.410	0.430	0.451	0.479	0.510
7	30	29	0.430	0.493	0.500	0.514	0.550
8	4	57	0.430	0.451	0.472	0.493	0.580
8	30	12	0.460	0.481	0.500	0.510	0.510
8	99	3	0.470		0.510		0.520

Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt:

A	1.4 %
B	4.0 %

Andere Kits (Anzahl):  
1-30(1), 1-99(1), 1-328(1), 4-07(1), 4-16(1), 4-22(1), 4-32(1), 4-328(1), 4-335(2), 5-04(1), 6-30(1), 8-328(1),

Analyt **Natrium**  
Methode Alle Methoden



Teilnehmerzahl	<b>538</b>		
Probe/Einheit	A	mmol/l	B
Mittelwert	135		128
Standardabweichung	2.25		2.33
Variationskoeffizient	1.67		1.82

Probe A (ZW = 135 [mmol/l])

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		538	118	133	135	137	146
2	4	76	131	134	135	136	139
2	30	320	118	133	135	136	141
2	38	40	130	133	134	135	137
2	43	38	132	135	137	139	140
2	328	22	131	135	136	140	145
3	30	7	131	136			138
4	4	9	131	132	135	136	136
4	30	8	133	133	135	136	136
5	126	6	137		140		143

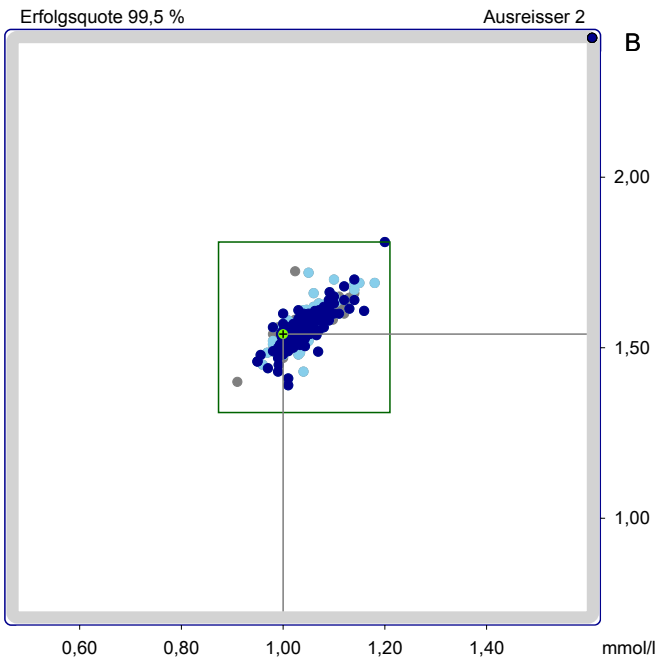
Probe B (ZW = 129 [mmol/l])

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		538	113	126	128	130	1127
2	4	76	120	127	128	129	132
2	30	320	113	126	128	129	1127
2	38	40	122	125	127	129	131
2	43	38	125	128	130	132	134
2	328	22	125	127	129	131	138
3	30	7	126		130		132
4	4	9	125	126	128	129	130
4	30	8	126	126	129	133	134
5	126	6	131		137		138

Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt: A -0.3 % B 0.7 %

Andere Kits (Anzahl):  
1-22(1), 1-99(1), 2-13(1), 2-32(1), 2-335(2), 3-04(1), 3-43(1), 3-99(2), 4-43(1), 4-89(1),

Analyt **Phosphor, anorg.**  
Methode Alle Methoden



Teilnehmerzahl	<b>442</b>		
Probe/Einheit	A	mmol/l	B
Mittelwert	1.04		1.56
Standardabweichung	0.037		0.050
Variationskoeffizient	3.56		3.22

Probe A [mmol/l]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		442	0.910	1.00	1.04	1.07	1.60
1	4	8	0.990	0.990	1.02	1.03	1.04
1	30	27	0.978	1.02	1.04	1.07	1.07
1	43	6	0.910		1.01		1.10
1	328	10	1.09	1.10	1.11	1.13	1.14
2	4	63	0.960	1.00	1.03	1.05	1.85
2	30	249	0.949	1.01	1.04	1.07	1.60
2	38	32	1.00	1.03	1.06	1.09	1.10
2	43	33	0.970	1.01	1.06	1.10	1.18
2	328	3	1.14		1.14		1.15
3	30	4	1.04		1.07		1.11

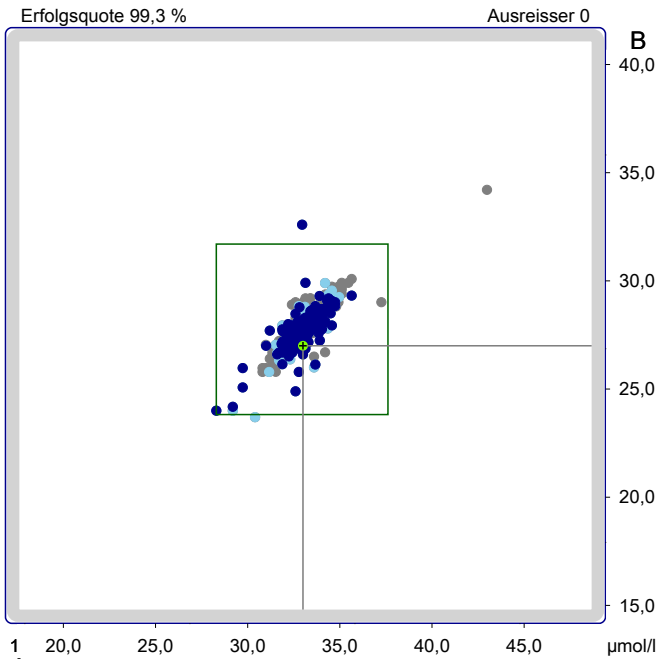
Probe B [mmol/l]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		442	1.39	1.52	1.56	1.60	77.0
1	4	8	1.51	1.51	1.54	1.57	1.57
1	30	27	1.49	1.53	1.56	1.59	1.61
1	43	6	1.40		1.57		1.72
1	328	10	1.58	1.60	1.62	1.65	1.66
2	4	63	1.44	1.49	1.55	1.58	2.44
2	30	249	1.39	1.51	1.56	1.60	77.0
2	38	32	1.43	1.54	1.58	1.63	1.70
2	43	33	1.44	1.55	1.58	1.65	1.69
2	328	3	1.69		1.69		1.70
3	30	4	1.55		1.59		1.62

Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt: A -3.8 % B -1.2 %

Andere Kits (Anzahl):  
1-38(2), 1-126(1), 2-126(1), 2-335(2), 3-04(1),

Analyt **Eisen**  
Methode Alle Methoden



Teilnehmerzahl	<b>459</b>		
Probe/Einheit	A	µmol/l	B
Mittelwert	33.1		27.9
Standardabweichung	1.08		0.968
Variationskoeffizient	3.25		3.47

**Probe A [µmol/l]**

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle	459	28.3	32.3	33.1	34.0	43.0	
2	4	7	33.7	34.4	35.0		
2	30	278	28.3	32.4	33.0	33.7	35.6
2	38	8	31.5	31.9	32.9	34.1	34.6
2	43	32	29.2	32.4	33.1	33.7	34.4
2	328	4	31.2	31.7	32.6		32.6
3	4	58	32.2	33.5	34.2	34.8	35.6
3	30	4	31.7		32.6		33.3
3	43	5	30.8		33.2		33.8
3	126	3	33.4		33.5		33.8
3	328	11	31.0	31.2	31.5	32.6	43.0
4	4	8	33.5	33.5	34.3	34.7	34.7
4	38	27	30.8	31.6	32.6	33.2	33.7

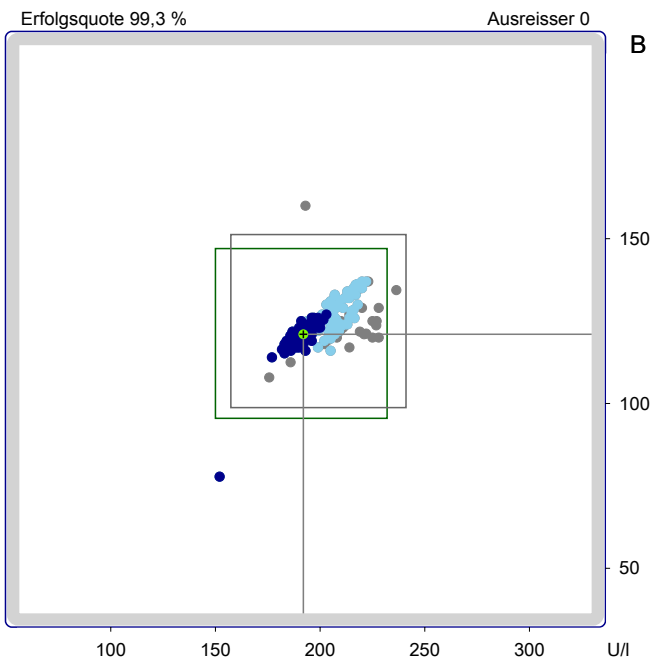
**Probe B [µmol/l]**

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle	459	23.7	27.1	27.9	28.7	34.2	
2	4	7	27.9	29.3	29.6		
2	30	278	24.0	27.2	27.8	28.3	32.6
2	38	8	26.0	26.2	27.6	28.5	28.8
2	43	32	24.0	27.4	27.8	28.4	28.8
2	328	4	25.8	26.5	27.6		27.6
3	4	58	26.5	28.1	28.8	29.4	30.1
3	30	4	26.7	27.4	27.7		27.7
3	43	5	25.8	27.9	28.3		28.3
3	126	3	28.1	28.8	29.2		29.2
3	328	11	26.0	26.1	26.4	27.8	34.2
4	4	8	27.8	28.1	28.7	29.3	29.4
4	38	27	25.8	26.6	27.6	28.2	29.2

Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt: A 0,0 % B -2,7 %

Andere Kits (Anzahl): 1-43(1), 1-328(1), 2-13(1), 2-126(2), 2-335(2), 3-12(1), 3-32(1), 3-38(1), 3-99(1), 3-161(1), 4-30(2)

Analyt **Alpha-Amylase**  
Methode Alle Methoden



Teilnehmerzahl	<b>324</b>		
Probe/Einheit	A	U/l	B
Mittelwert	199		123
Standardabweichung	11.2		5.64
Variationskoeffizient	5.64		4.59

**Probe A [U/l]**

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle	324	152	189	194	210	236	
1	4	37	195	205	208	213	216
1	30	183	152	188	191	194	203
1	38	31	187	194	202	206	208
1	43	20	205	210	217	220	222
1	126	3	206	211	218		218
2	4	22	202	205	209	212	220
2	30	3	187	188	193		193
2	43	6	205	218	223		223
2	328	11	214	219	225	229	236

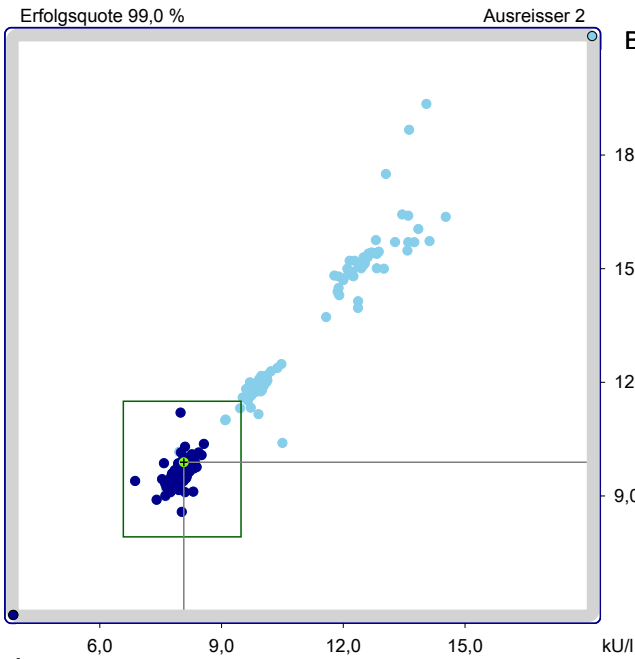
**Probe B [U/l]**

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle	324	77.8	119	122	127	160	
1	4	37	116	120	123	126	128
1	30	183	77.8	119	121	123	127
1	38	31	117	123	126	130	130
1	43	20	128	132	135	137	137
1	126	3	127	129	130		130
2	4	22	118	121	122	125	129
2	30	3	117	120	120	123	123
2	43	6	131	135	137		137
2	328	11	117	120	122	129	134

Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt: A 0,5 % B 0 %

Andere Kits (Anzahl): 1-72(1), 2-32(1), 2-99(1), 2-335(2), 4-04(2), 4-30(1)

Analyt **Cholinesterase**  
 Methode S-Butyrylthiocholinjodid



Teilnehmerzahl	<b>423</b>		
Probe/Einheit	A	kU/l	B
Mittelwert	8.87		10.7
Standardabweichung	1.56		1.91
Variationskoeffizient	17.6		17.9

**Probe A [kU/l]**

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
1	0	423	0.008	7.90	8.10	10.0	8083
1	4	73	9.09	9.76	9.92	10.0	10.5
1	30	266	0.008	7.88	8.02	8.16	8.57
1	38	33	7.62	7.70	7.92	8.26	9.10
1	43	34	11.6	11.9	12.4	12.7	13.0
1	328	13	12.8	13.1	13.6	14.1	14.5

**Probe B [kU/l]**

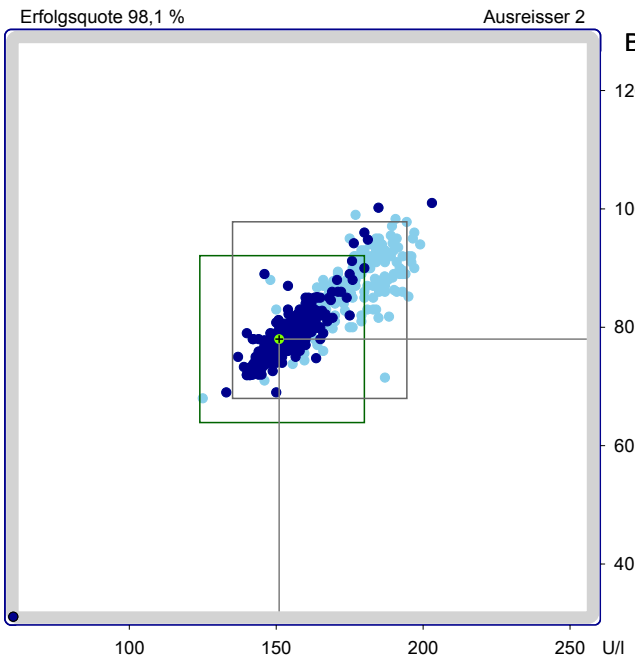
M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
1	0	423	0.009	9.49	9.76	12.0	10430
1	4	73	10.4	11.7	11.9	12.1	12.5
1	30	266	0.009	9.46	9.67	9.84	11.2
1	38	33	8.99	9.31	9.57	9.87	11.0
1	43	34	13.7	14.4	15.1	15.4	15.8
1	328	13	15.0	15.5	16.0	18.4	19.4

Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt:

A	0.5 %
B	2.2 %

Andere Kits (Anzahl):  
 1-13(1), 1-32(1), 1-72(1), 1-126(1),

Analyt **Alk. P.ase**  
 Methode IFCC-AMP-Puffer



Teilnehmerzahl	<b>533</b>		
Probe/Einheit	A	U/l	B
Mittelwert	162		81.6
Standardabweichung	15.0		6.35
Variationskoeffizient	9.26		7.78

**Probe A [U/l]**

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
1	0	533	3.20	147	159	181	203
1	4	85	166	175	181	187	197
1	30	334	3.20	145	152	161	203
1	38	40	166	182	190	195	199
1	43	41	146	156	160	166	177
1	126	6	160		168		173
1	328	21	162	164	170	176	180
1	335	2	125		158		192

**Probe B [U/l]**

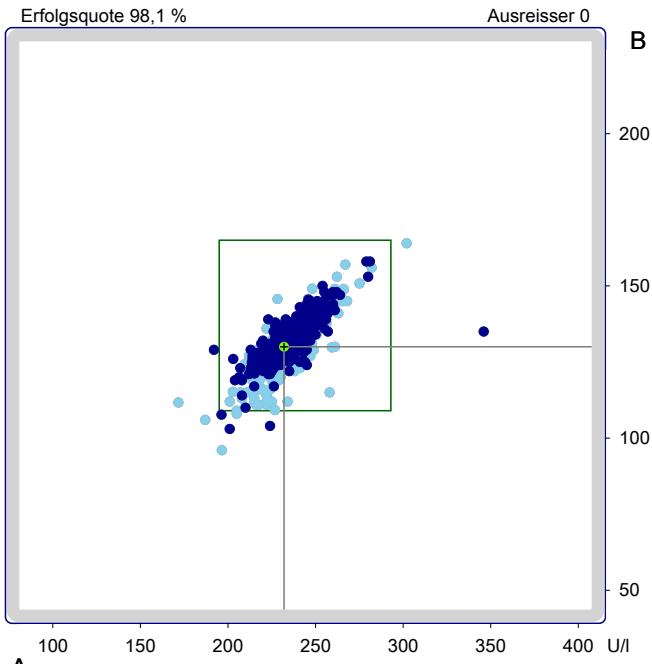
M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
1	0	533	4.80	75.6	80.0	89.0	101
1	4	85	81.0	87.0	91.0	94.0	99.0
1	30	334	4.80	74.8	78.0	82.0	101
1	38	40	76.0	82.6	87.4	91.0	96.0
1	43	41	71.0	77.7	81.0	85.3	92.0
1	126	6	74.4		82.0		87.0
1	328	21	77.0	84.0	86.0	89.7	95.0
1	335	2	68.0		80.8		93.5

Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt:

A	-0.6 %
B	0 %

Andere Kits (Anzahl):  
 1-12(1), 1-13(1), 1-32(1), 1-99(1),

Analyt **CK**  
Methode Alle Methoden



Teilnehmerzahl	<b>535</b>	
Probe/Einheit	A U/l	B
Mittelwert	237	132
Standardabweichung	15.8	9.07
Variationskoeffizient	6.69	6.86

**Probe A (RMW = 244 U/l)**

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle	535	172	222	238	251	346	
1	4	85	212	229	244	259	275
1	30	336	192	224	238	249	346
1	38	40	207	226	239	255	267
1	43	41	172	205	220	229	241
1	126	6	221		256		282
1	328	21	209	221	237	246	262
1	335	2	258		259		259

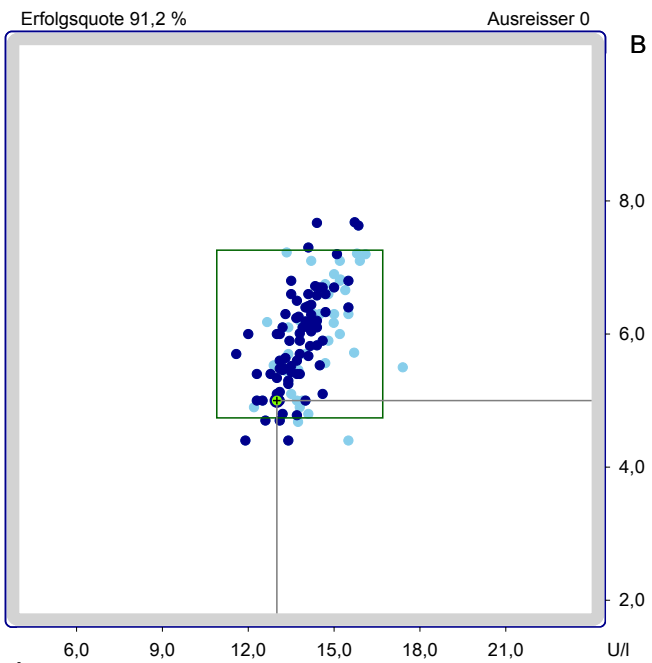
**Probe B (RMW = 137 U/l)**

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle	535	96.0	124	132	141	164	
1	4	85	121	129	135	151	151
1	30	336	103	126	133	140	158
1	38	40	109	122	132	141	157
1	43	41	96.0	111	119	126	138
1	126	6	127		145		156
1	328	21	116	122	127	139	153
1	335	2	115	122			130

Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt: A -2.5 % B -2.2 %

Andere Kits (Anzahl):  
1-13(1), 1-32(1), 1-99(1), 1-161(1),

Analyt **GLDH**  
Methode Standardmethode DGKC



Teilnehmerzahl	<b>125</b>	
Probe/Einheit	A U/l	B
Mittelwert	14.0	5.97
Standardabweichung	0.967	0.754
Variationskoeffizient	6.90	12.6

**Probe A [U/l]**

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
1	0	125	11.6	13.1	14.0	15.0	17.4
1	4	5	13.4		14.3		15.2
1	12	28	12.2	13.5	14.5	15.6	16.1
1	30	83	11.6	13.1	13.8	14.5	15.9
1	38	4	13.4		14.2		15.5
1	43	5	12.7		15.2		17.4

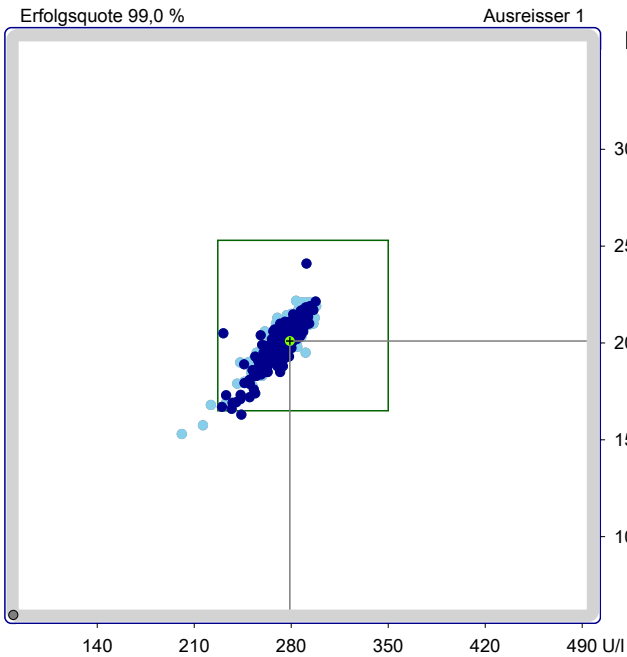
**Probe B [U/l]**

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
1	0	125	4.40	5.10	6.04	6.72	7.68
1	4	5	5.46		6.30		6.82
1	12	28	4.40	4.96	6.05	7.10	7.23
1	30	83	4.40	5.11	6.00	6.60	7.68
1	38	4	4.90		6.20		6.30
1	43	5	5.50		6.18		6.80

Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt: A -5.8 % B -16.67 %

Andere Kits (Anzahl):

Analyt **AST (GOT)**  
Methode Alle Methoden



Teilnehmerzahl	<b>544</b>	
Probe/Einheit	A	U/l
Mittelwert	275	203
Standardabweichung	12.8	10.9
Variationskoeffizient	4.64	5.38

**Probe A (RMW = 289 U/l)**

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle	544	201	263	277	286	298	
1	4	85	233	275	281	286	291
1	30	341	230	262	275	284	298
1	38	41	222	272	283	293	298
1	43	41	266	281	287	293	295
1	126	7	246		256		273
1	328	21	243	252	260	274	283

**Probe B (RMW = 209 U/l)**

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle	544	153	193	205	212	241	
1	4	85	170	206	211	215	222
1	30	341	163	191	201	209	241
1	38	41	168	200	209	216	221
1	43	41	196	207	213	218	221
1	126	7	180		195		208
1	328	21	178	185	193	201	206

Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt:

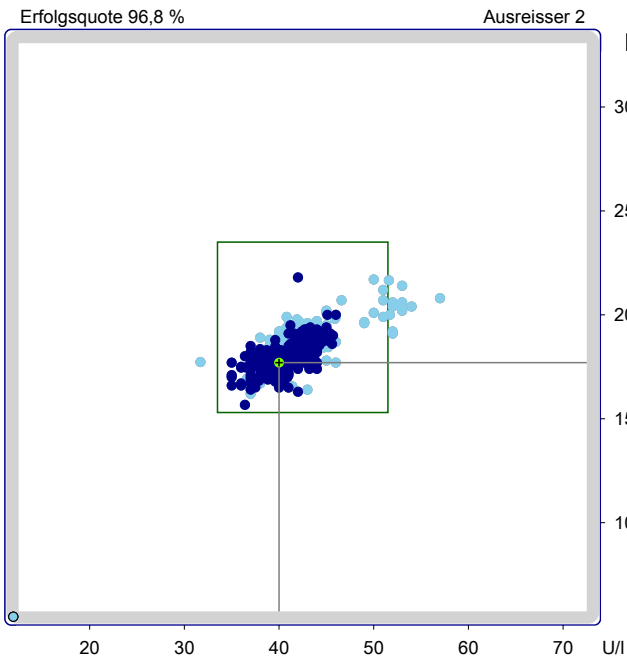
A	1.4 %
B	0 %

Andere Kits (Anzahl):  
1-07(1), 1-12(1), 1-13(1), 1-32(1), 1-89(1), 1-99(1), 1-335(2).

A

B

Analyt **ALT (GPT)**  
Methode Alle Methoden



Teilnehmerzahl	<b>548</b>	
Probe/Einheit	A	U/l
Mittelwert	41.8	184
Standardabweichung	3.05	8.45
Variationskoeffizient	7.29	4.60

**Probe A (RMW = 42.5 U/l)**

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle	548	0.049	39.0	42.0	44.0	57.0	
1	4	86	31.7	39.8	41.0	43.0	46.0
1	30	343	35.0	38.4	41.6	43.6	46.0
1	38	42	38.0	41.4	43.0	44.0	45.0
1	43	41	38.7	40.9	43.0	45.0	46.0
1	126	7	40.0		43.0		44.0
1	328	21	0.049	49.5	52.0	53.0	57.0

**Probe B (RMW = 194 U/l)**

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle	548	0.206	176	184	192	218	
1	4	86	162	183	189	193	199
1	30	343	157	175	181	188	218
1	38	42	166	179	185	193	197
1	43	41	175	181	188	195	202
1	126	7	177		184		192
1	328	21	0.206	194	204	210	217

Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt:

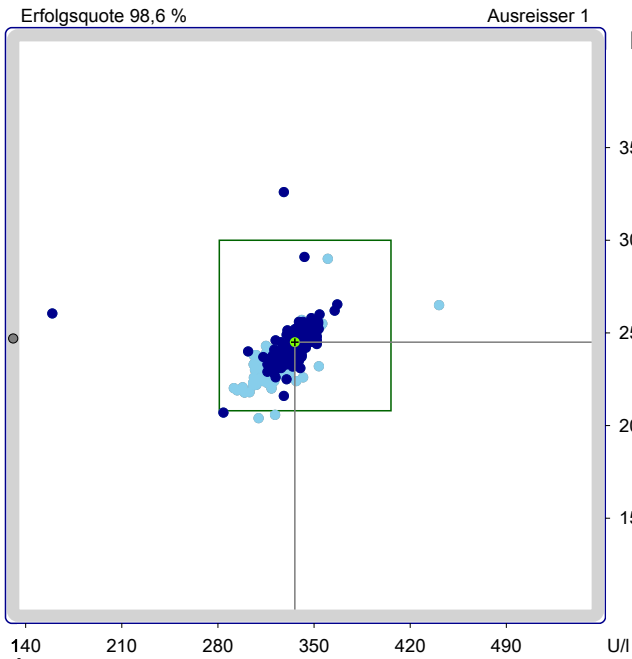
A	-3.8 %
B	-2.2 %

Andere Kits (Anzahl):  
1-07(1), 1-12(1), 1-13(1), 1-32(1), 1-99(1), 1-335(2), 2-89(1).

A

B

Analyt **LDH**  
Methode Alle Methoden



Teilnehmerzahl	<b>519</b>		
Probe/Einheit	A	U/l	B
Mittelwert	332		241
Standardabweichung	14.4		9.64
Variationskoeffizient	4.35		4.00

**Probe A (RMW = 343 U/l)**

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		519	34.3	320	333	342	441
1	4	85	294	308	318	331	354
1	30	323	159	328	335	343	367
1	38	37	310	317	325	334	342
1	43	39	322	330	340	345	356
1	126	4	292		321		325
1	328	22	306	315	326	335	349
1	335	2	306		373		441
2	30	4	34.3		327		329

**Probe B (RMW = 254 U/l)**

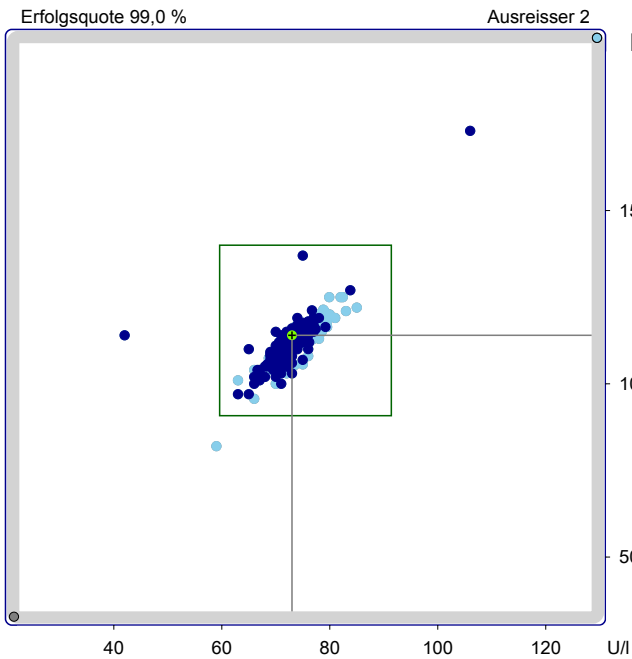
M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		519	204	232	241	248	326
1	4	85	218	224	232	240	257
1	30	323	207	237	243	249	326
1	38	37	204	229	236	242	247
1	43	39	228	239	246	249	255
1	126	4	220		238		244
1	328	22	206	224	237	244	247
1	335	2	223		244		265
2	30	4	233		239		247

Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt:

A	0.2 %
B	0.8 %

Andere Kits (Anzahl):  
1-13(1), 1-32(1), 1-99(1),

Analyt **Gamma-GT**  
Methode Alle Methoden



Teilnehmerzahl	<b>550</b>		
Probe/Einheit	A	U/l	B
Mittelwert	73.5		112
Standardabweichung	3.51		5.23
Variationskoeffizient	4.77		4.66

**Probe A (RMW = 75.5 U/l)**

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		550	42.0	71.0	73.5	76.0	130
1	4	86	66.0	71.0	73.7	77.0	82.4
1	30	343	42.0	71.0	73.3	75.0	106
1	38	42	63.0	70.0	72.0	74.0	75.0
1	43	40	71.0	74.9	77.0	78.6	82.0
1	126	8	66.0	67.6	70.4	73.6	74.0
1	328	22	70.0	72.0	77.0	80.0	85.0

**Probe B (RMW = 115 U/l)**

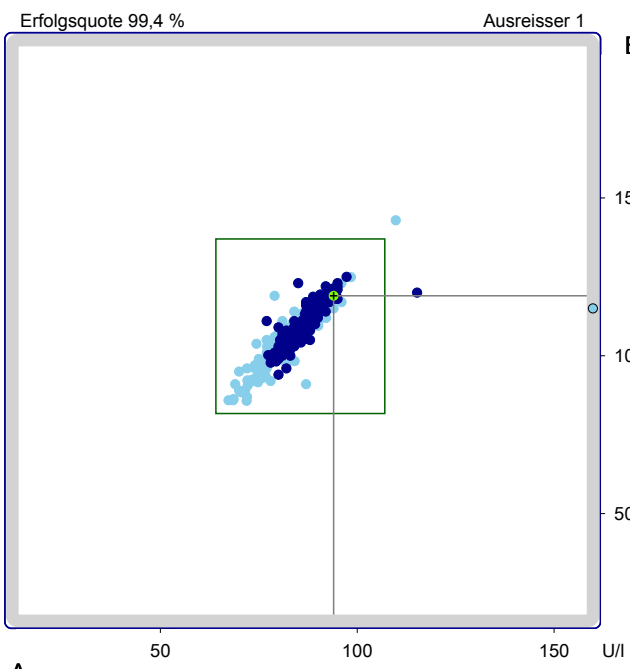
M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		550	82.0	109	112	116	200
1	4	86	103	108	112	116	125
1	30	343	97.0	109	112	115	173
1	38	42	101	106	110	112	114
1	43	40	105	113	117	119	125
1	126	8	95.7	100	108	112	112
1	328	22	100	109	114	119	122

Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt:

A	-0.4 %
B	1.7 %

Andere Kits (Anzahl):  
1-07(1), 1-12(2), 1-13(1), 1-32(1), 1-89(1), 1-99(1), 1-335(2),

Analyt **Lipase**  
 Methode Farbtest, Colorimetrisch (DGMRE)



**A**

Teilnehmerzahl	<b>511</b>		
Probe/Einheit	A	U/l	B
Mittelwert	84.8		108
Standardabweichung	5.66		7.41
Variationskoeffizient	6.68		6.87

**Probe A [U/l]**

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
1	0	511	67.3	79.4	85.0	90.0	896
1	4	44	68.5	76.0	82.9	88.2	93.6
1	12	41	67.3	71.3	76.3	82.2	110
1	30	322	77.0	82.0	85.4	89.9	115
1	38	35	72.0	75.5	79.2	82.0	86.1
1	43	39	81.4	87.4	91.0	94.0	896
1	45	3	72.2		90.0		90.0
1	126	3	76.0		76.0		77.4
1	328	21	83.0	85.5	88.0	91.0	91.8
1	335	2	71.9		81.0		90.1

**Probe B [U/l]**

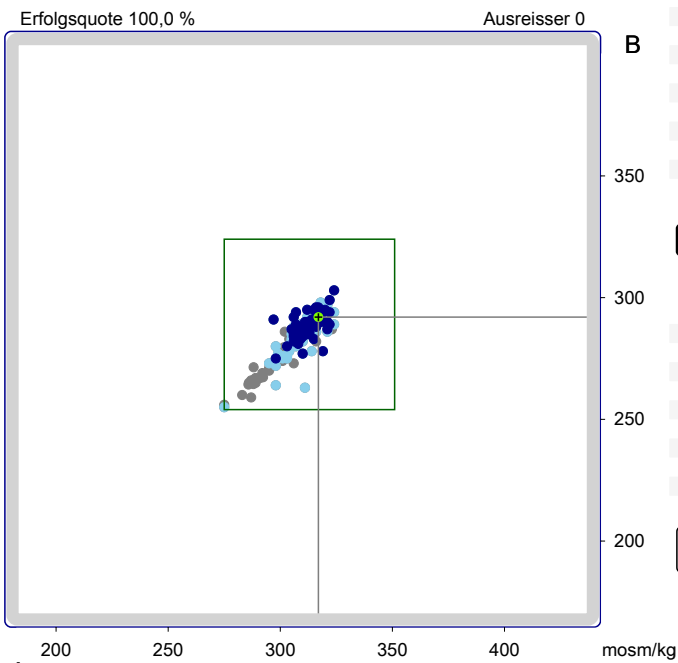
M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
1	0	511	85.7	101	108	115	143
1	4	44	85.9	94.0	106	113	119
1	12	41	85.9	90.5	94.2	99.6	143
1	30	322	94.0	104	109	115	125
1	38	35	96.0	101	105	109	114
1	43	39	104	110	115	119	125
1	45	3	90.6		117		118
1	126	3	96.0		97.0		98.4
1	328	21	106	108	112	115	117
1	335	2	85.7		97.6		110

Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt:

A	10 %
B	9.1 %

Andere Kits (Anzahl):  
 1-13(1),

Analyt **Osmolalität**  
 Methode Alle Methoden



**A**

Teilnehmerzahl	<b>135</b>		
Probe/Einheit	A	mosm/kg	B
Mittelwert	308		283
Standardabweichung	10.3		9.67
Variationskoeffizient	3.34		3.42

**Probe A [mosm/kg]**

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle	135	275	298	309	318	324	
1	33	5	298		303		307
1	64	3	295		295		303
1	99	60	297	307	313	320	324
1	164	5	298		301		304
1	165	12	275	298	308	314	321
1	240	17	305	306	310	321	324
2	4	3	289		295		313
2	30	13	275	284	288	302	306
2	38	3	291		295		313
2	99	5	292		302		323

**Probe B [mosm/kg]**

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle	135	255	273	286	291	303	
1	33	5	272		276		280
1	64	3	273		273		276
1	99	60	275	284	289	294	303
1	164	5	264		276		278
1	165	12	255	272	283	286	287
1	240	17	263	283	288	292	294
2	4	3	265		271		290
2	30	13	256	259	266	273	283
2	38	3	267		270		290
2	99	5	268		280		287

Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt:

A	1.4 %
B	1.0 %

Andere Kits (Anzahl):  
 1-07(1), 1-30(1), 1-163(1), 1-358(2), 2-43(1), 2-328(1), 3-99(2),