

Medizinische Hochschule Hannover
Institut für Klinische Chemie
Prof. Dr. med. Brand
z.Hd. Dr. Grote-Koska
Carl-Neuberg-Str. 1
30625 Hannover

Ringversuch: **KS5/26**
im Monat: **Juli 2026**
Teilnehmer-Nr.: **0000002**
Gültig ab: **04.07.26**



Seite 2 von 19

Medizinische Hochschule Hannover
Institut für Klinische Chemie und Zentrallabor
Prof. Dr. med. Brand
z.Hd. Dr. Grote-Koska
Carl-Neuberg-Str. 1
30625 Hannover



Bonn, 23. Juli 2026

Zertifikat

Wir bestätigen Ihnen hiermit, dass Sie am Ringversuch für klinisch-chemische Analyte im Serum teilgenommen haben.

Dieses Zertifikat ist gemäß aktueller Version der RiliBÄK gültig bis einschließlich Januar 2027.

Sie haben die Anforderungen des Ringversuches für folgende Messgrößen erfüllt:

Bilirubin, ges.	(2)	Cholesterin	(1)	Glucose	(1)
Harnsäure	(3)	Harnstoff	(2)	Kreatinin	(2)
Lactat	(2)	Triglyceride	(2)	Gesamtprotein	(1)
Elektrophorese	(3)	Calcium	(4)	Chlorid	(7)
Kalium	(2)	Lithium	(5)	Magnesium	(4)
Natrium	(2)	Phosphat, anorg.	(2)	Eisen	(2)
Alpha-Amylase	(1)	Cholinesterase	(1)	Alk. P.ase	(1)
CK	(1)	GLDH	(1)	AST (GOT)	(1)
ALT (GPT)	(1)	LDH	(1)	Gamma-GT	(1)
Osmolalität	(1)				

Prof. Dr. Dr. K. P. Kohse
Ringversuchsleitung

Dr. Anja Kessler
Leitung Referenzinstitut

Dr. Marika Enders
EQAS-Board

Die hinter jedem Analyten angegebene Ziffer kennzeichnet die angewendete Analysenmethode.
Die Zuordnung der Ziffer zur jeweiligen Methode ist der Gesamtauswertung zu entnehmen.

Dieses Zertifikat ist in Verbindung mit dem Abschlussbericht vom 13.07.26 gültig.
Dieser steht im RfB-Online System zum Download zur Verfügung.

Ringversuch: **KS5/26**
im Monat: **Juli 2026**
Teilnehmer-Nr.: **0000002**
Gültig ab: **04.07.26**



Seite 3 von 19

Medizinische Hochschule Hannover
Institut für Klinische Chemie und Zentrallabor
Prof. Dr. med. Brand
z.Hd. Dr. Grote-Koska
Carl-Neuberg-Str. 1
30625 Hannover



Bonn, 23. Juli 2026

Teilnahmebescheinigung

Wir bestätigen Ihnen hiermit, dass Sie am Ringversuch für klinisch-chemische Analyte im Serum teilgenommen haben.

Die von Ihnen bestimmten Messgrößen sind nachfolgend aufgeführt:

Bilirubin, ges.	(2)	Cholesterin	(1)	Glucose	(1)
Harnsäure	(3)	Harnstoff	(2)	Kreatinin	(2)
Lactat	(2)	Triglyceride	(2)	Gesamtprotein	(1)
Elektrophorese	(3)	Calcium	(4)	Chlorid	(7)
Kalium	(2)	Lithium	(5)	Magnesium	(4)
Natrium	(2)	Phosphat, anorg.	(2)	Eisen	(2)
Alpha-Amylase	(1)	Cholinesterase	(1)	Alk. P.ase	(1)
CK	(1)	GLDH	(1)	AST (GOT)	(1)
ALT (GPT)	(1)	LDH	(1)	Gamma-GT	(1)
Lipase	(1)	Osmolalität	(1)		

Prof. Dr. Dr. K. P. Kohse
Ringversuchsleitung

Dr. Anja Kessler
Leitung Referenzinstitut

Dr. Marika Enders
EQAS-Board

Die hinter jedem Analyten angegebene Ziffer kennzeichnet die angewendete Analysenmethode.
Die Zuordnung der Ziffer zur jeweiligen Methode ist der Gesamtauswertung zu entnehmen.

Auflistung und Bewertung aller Ihrer Ergebnisse

Erläuterungen

Zertifikat

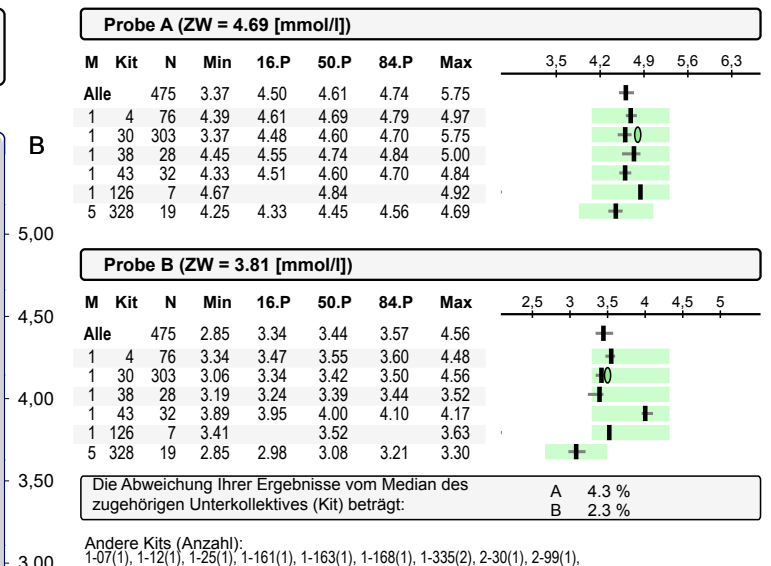
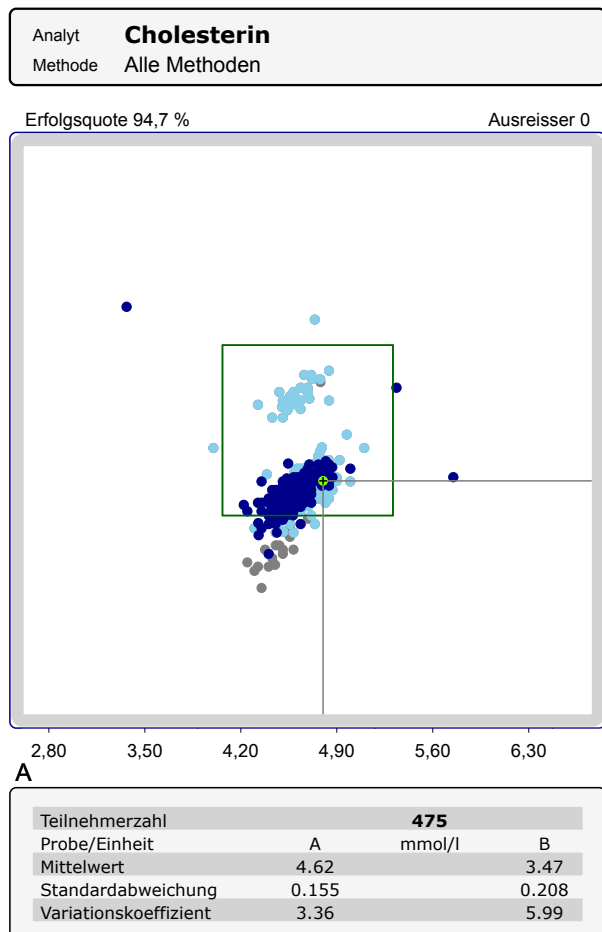
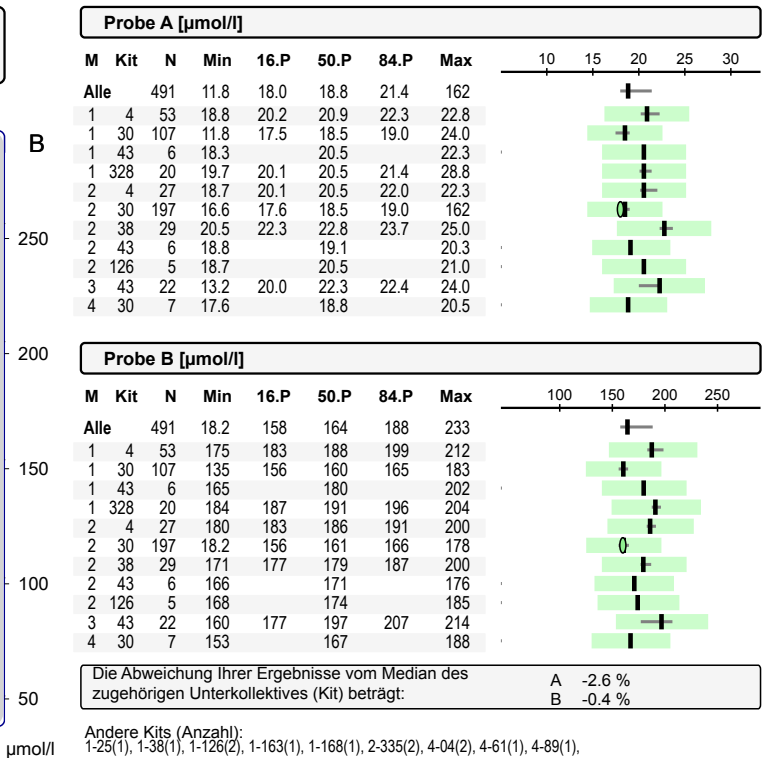
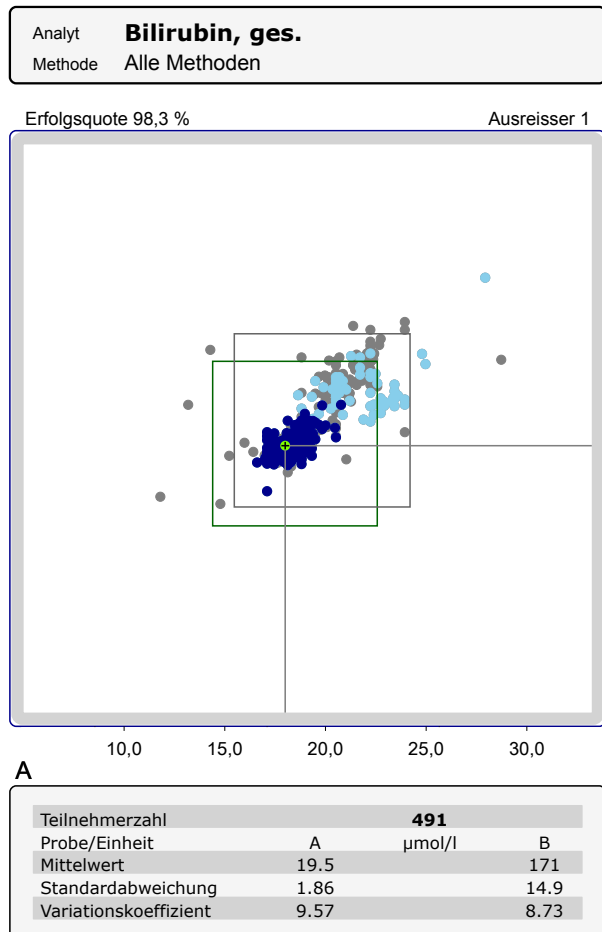
Ein Zertifikat wird nur dann für eine Messgrösse ausgestellt, wenn die Grundlagen für die Bewertung der Richtigkeit durch die Richtlinie der Bundesärztekammer gegeben ist bzw. wenn eine Bewertung in Analogie zu dieser Richtlinie (s. Hinweise zur Auswertung) möglich ist, und wenn beide Ergebnisse innerhalb der vorgegebenen Grenzen liegen. (Kennzeichnung unter B: +)

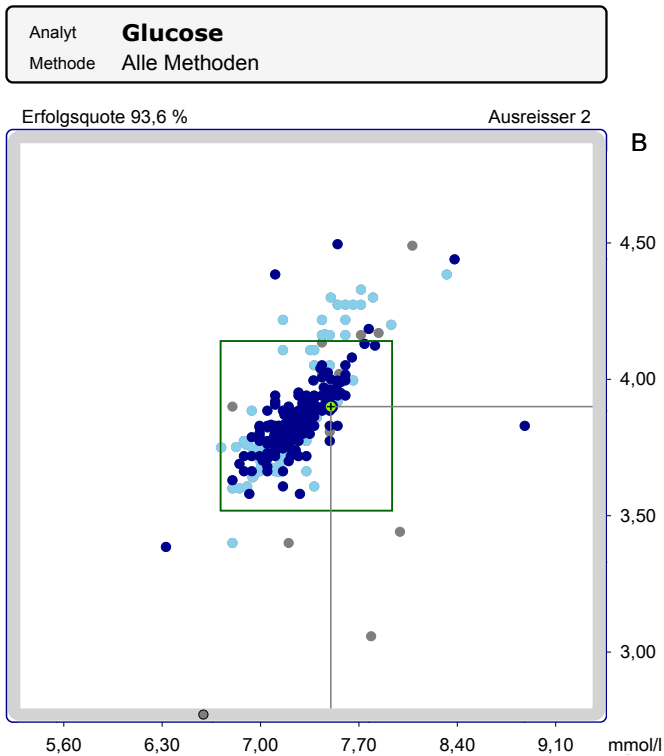
Teilnahmebescheinigung

In der Teilnahmebescheinigung sind alle Messgrössen aufgeführt, welche die Liste auf dieser Seite enthält.

Wenn alle untersuchten Messgrössen im Zertifikat aufgeführt sind, entfällt der Ausdruck einer Teilnahmebescheinigung.

Zeichenerklärung: B=Bewertung, M=Methoden-Nr., E=Ihr Ergebnis, D=Abweichung (E-ZW) Dmax=Betrag der maximal zulässigen Messabweichung, z. T. vorgegeben durch die Anlage 1 der jeweils gültigen Richtlinie der BÄK. ZW=Zielwert, ggf. Referenzmethodenwert o. Sollwert, UG OG = untere bzw. obere Grenze								Bewertung: + = erfüllt (Quotient D/Dmax <= 1.0) - = nicht erfüllt (Quotient D/Dmax > 1.0 ± = Bewertung entfällt aus analytischen oder technischen Gründen									
	B	M	E	D/Dmax	ZW	UG	OG		B	M	E	D/Dmax	ZW	UG	OG		
Bilirubin, ges.	+	2	A	18.0	-0.12	18.5	14.3	22.6	Gamma-GT [U/l]	+	1	A	75.0	-0.03	75.5	59.6	91.4
[µmol/l]			B	160	-0.03	161	125	197			B	38.0	0.26	36.0	28.4	43.6	
Cholesterin	+	1	A	4.80	0.17	4.69	4.06	5.31	Lipase [U/l]	-	1	A	82.0	0	82.0	61.5	103
[mmol/l]			B	3.50	-0.58	3.81	3.28	4.33			B	134	-1.07	183	137	229	
Glucose	+	1	A	7.50	0.27	7.33	6.71	7.94	Osmolalität [mosm/kg]	+	1	A	319	0.21	311	273	349
[mmol/l]			B	3.90	0.21	3.83	3.51	4.15			B	261	0.16	256	225	287	
Harnsäure	+	3	A	206	-0.14	210	182	238									
[µmol/l]			B	304	-0.22	313	272	355									
Harnstoff	+	2	A	21.4	0	21.4	16.9	25.9									
[mmol/l]			B	3.00	-0.10	3.06	2.44	3.68									
Kreatinin	+	2	A	91.0	0.16	87.9	70.2	107									
[µmol/l]			B	55.0	-0.22	57.5	45.9	69.0									
Lactat	+	2	A	3.90	0.15	3.79	3.09	4.48									
[mmol/l]			B	5.93	0.11	5.81	4.75	6.86									
Triglyceride	+	2	A	0.880	0.36	0.831	0.697	0.965									
[mmol/l]			B	1.53	0.33	1.45	1.20	1.69									
Gesamtprotein	+	1	A	74.0	0.05	73.6	66.2	81.0									
[g/l]			B	55.0	-0.30	56.7	51.0	62.4									
Albumin, Elpho	+	3	A	63.3	0	63.3	54.4	72.2									
[g/l]			B	63.1	-0.04	63.5	54.6	72.4									
G-Globulin, Elpho	+	3	A	13.5	0.04	13.3	9.04	17.6									
[g/l]			B	13.8	0.06	13.5	9.18	17.9									
Calcium	+	4	A	2.21	0.31	2.14	1.92	2.36									
[mmol/l]			B	2.85	0.25	2.78	2.50	3.06									
Chlorid	+	7	A	116	0.30	113	103	123									
[mmol/l]			B	95.0	0.40	92.0	84.6	99.4									
Kalium	+	2	A	5.70	0.52	5.47	5.03	5.91									
[mmol/l]			B	4.90	0.42	4.74	4.36	5.12									
Lithium	+	5	A	0.820	0.02	0.818	0.719	0.917									
[mmol/l]			B	1.54	0.10	1.52	1.33	1.71									
Magnesium	+	4	A	1.47	0.33	1.40	1.19	1.61									
[mmol/l]			B	0.760	0.27	0.730	0.620	0.840									
Natrium	+	2	A	136	0.14	135	128	142									
[mmol/l]			B	120	0.16	119	113	125									
Phosphat, anorg.	+	2	A	1.06	0.17	1.03	0.865	1.20									
[mmol/l]			B	0.720	0.08	0.710	0.596	0.824									
Eisen	+	2	A	34.0	0.21	33.0	28.2	37.7									
[µmol/l]			B	32.0	0.22	31.0	26.5	35.5									
Alpha-Amylase	+	1	A	194	0.12	189	149	229									
[U/l]			B	228	0.08	224	176	272									
Cholinesterase	+	1	A	8.31	0.22	7.99	6.55	9.43									
[kU/l]			B	6.40	0.18	6.19	5.07	7.31									
Alk. P.ase	+	1	A	148	0.03	147	120	174									
[U/l]			B	58.0	0.19	56.0	45.9	66.1									
CK	+	1	A	230	0.25	219	175	263									
[U/l]			B	146	0.25	139	111	167									
GLDH	+	1	A	14.0	0.17	13.5	10.6	16.4									
[U/l]			B	5.00	-0.33	5.37	4.24	6.50									
AST (GOT)	+	1	A	270	-0.30	289	227	350									
[U/l]			B	67.0	0	67.0	52.9	81.1									
ALT (GPT)	+	1	A	43.0	0.05	42.5	33.5	51.5									
[U/l]			B	175	0.13	170	134	206									
LDH	+	1	A	337	-0.10	343	281	406									
[U/l]			B	351	0.11	344	282	406									

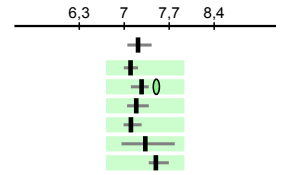




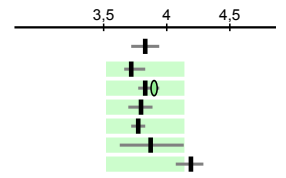
Teilnehmerzahl	505		
Probe/Einheit	A	mmol/l	B
Mittelwert	7.24		3.84
Standardabweichung	0.223		0.145
Variationskoeffizient	3.08		3.79

B

Probe A (ZW = 7.33 [mmol/l])							
M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		505	3.77	7.05	7.22	7.43	8.88
1	4	79	6.72	6.99	7.10	7.22	8.33
1	30	313	3.77	7.10	7.27	7.38	8.88
1	38	30	6.90	7.04	7.19	7.38	7.66
1	43	33	6.83	6.99	7.10	7.27	7.40
1	126	8	6.80	6.96	7.33	7.79	7.93
1	328	20	7.16	7.38	7.49	7.69	7.80



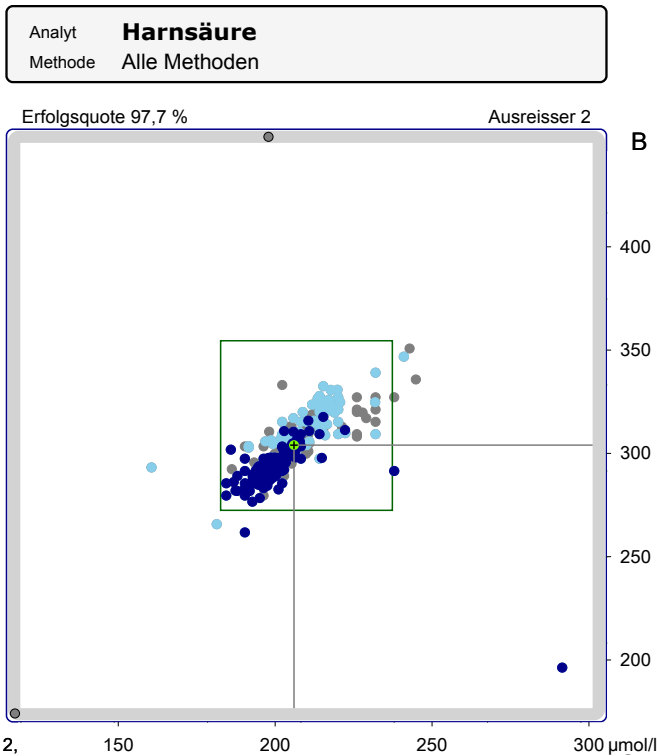
Probe B (ZW = 3.83 [mmol/l])							
M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		505	2.65	3.72	3.83	3.94	6.99
1	4	79	3.61	3.66	3.72	3.83	4.38
1	30	313	3.39	3.77	3.83	3.94	6.99
1	38	30	3.61	3.70	3.80	3.89	4.05
1	43	33	3.60	3.72	3.77	3.83	3.90
1	126	8	3.60	3.63	3.87	4.13	4.20
1	328	20	4.00	4.07	4.19	4.29	4.33



Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt:

A	3.1 %
B	1.8 %

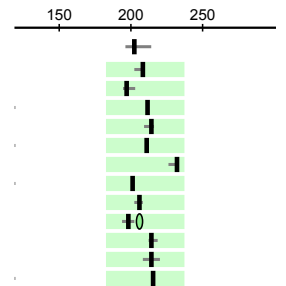
Andere Kits (Anzahl):
1-12(2), 1-335(2), 2-30(2), 3-04(1), 3-07(1), 3-25(1), 3-30(1), 3-161(2), 3-163(1), 3-168(1), 4-30(1), 4-34(1), 4-57(1), 4-67(1), 4-112(1), 5-34(1), 5-99(1).



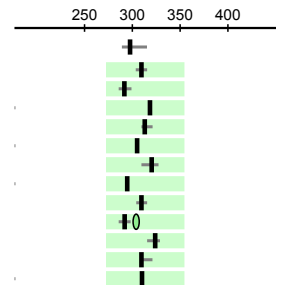
Teilnehmerzahl	489		
Probe/Einheit	A	µmol/l	B
Mittelwert	204		300
Standardabweichung	10.9		13.5
Variationskoeffizient	5.36		4.50

B

Probe A (RMW = 210 µmol/l)							
M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		489	161	196	202	214	292
1	4	35	196	202	208	209	220
1	30	60	185	195	197	203	243
1	38	6	202	212	212	220	220
1	43	16	208	209	214	216	220
1	126	3	210	211	211	215	215
1	328	17	221	226	232	233	245
2	30	6	196	201	201	205	205
3	4	45	192	202	206	208	214
3	30	247	185	194	198	202	292
3	38	22	199	212	214	219	221
3	43	17	202	208	214	220	232
3	126	3	214	215	215	220	220



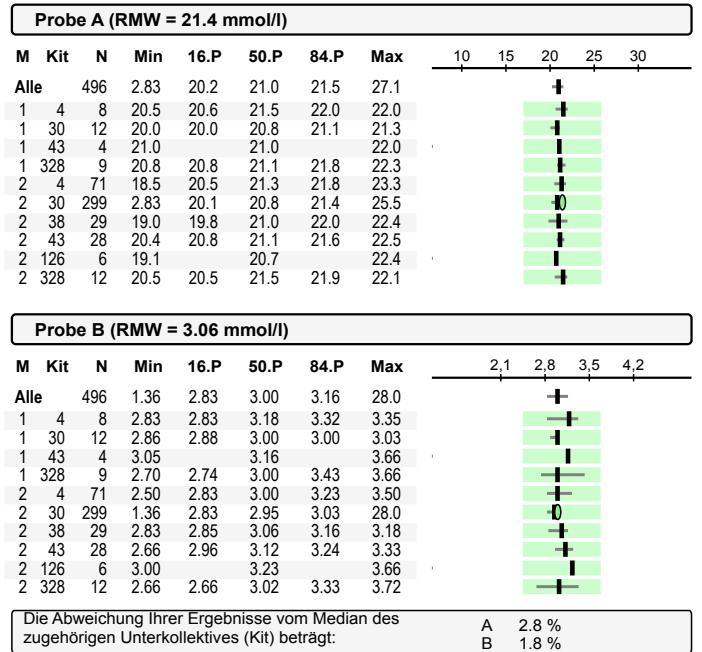
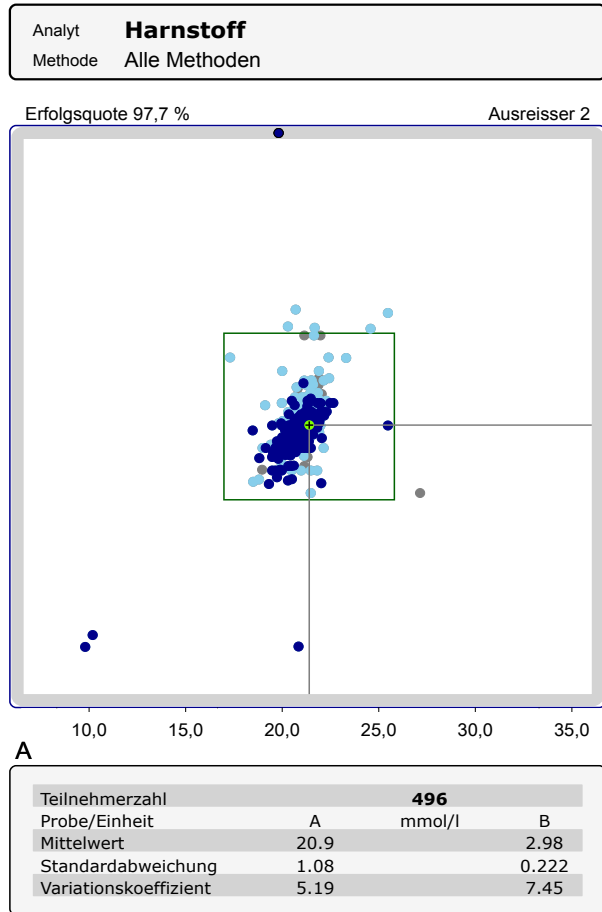
Probe B (RMW = 313 µmol/l)							
M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		489	196	289	298	315	940
1	4	35	304	304	310	315	333
1	30	60	280	286	292	299	351
1	38	6	298	318	318	327	327
1	43	16	308	310	313	321	322
1	126	3	300	305	305	312	312
1	328	17	310	310	320	327	336
2	30	6	291	295	295	305	305
3	4	45	298	304	310	315	320
3	30	247	196	286	292	298	318
3	38	22	307	315	324	329	333
3	43	17	306	309	310	321	339
3	126	3	310	310	310	325	325



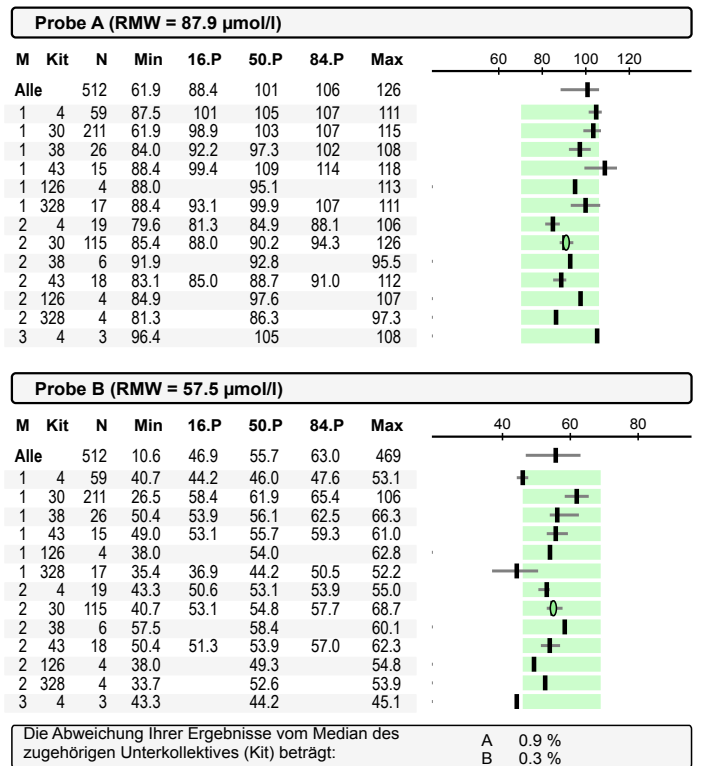
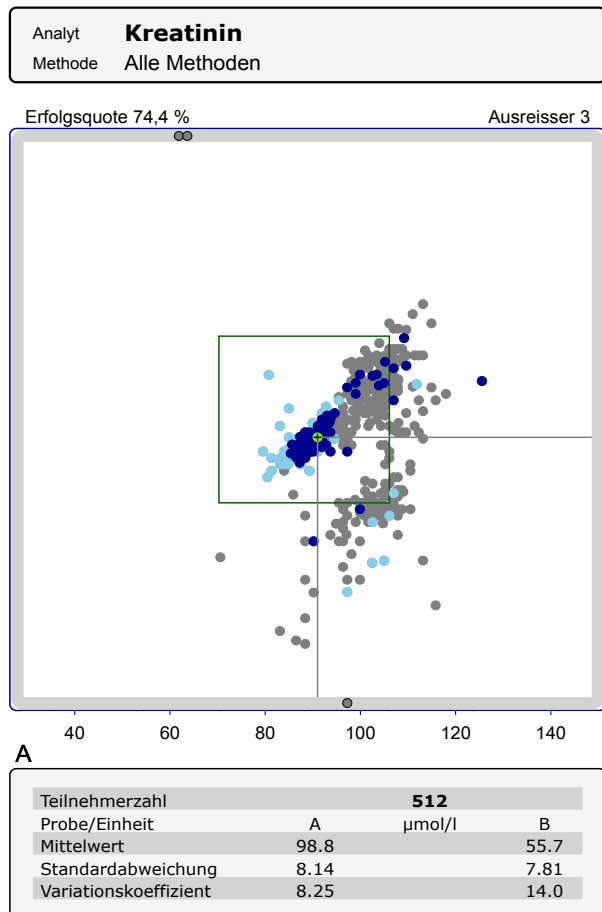
Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt:

A	3.9 %
B	4.1 %

Andere Kits (Anzahl):
2-126(1), 3-07(2), 3-25(1), 3-163(1), 3-168(1), 3-328(2), 3-335(2), 4-30(1), 4-328(1).

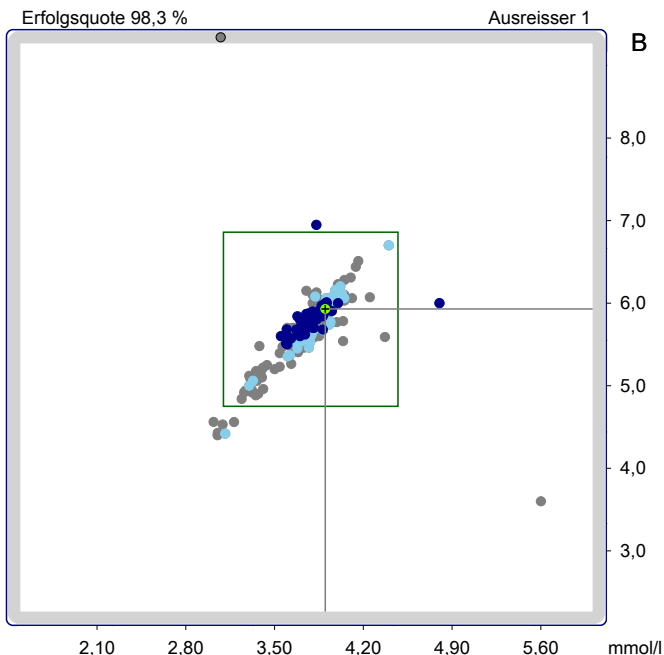


Andere Kits (Anzahl):
1-38(1), 2-07(2), 2-12(1), 2-25(1), 2-163(1), 2-168(1), 2-335(2), 3-30(2), 3-43(1), 3-126(1), 4-04(2), 4-30(2), 4-99(1),



Andere Kits (Anzahl):
1-01(1), 1-12(1), 1-25(1), 1-161(1), 1-335(2), 2-07(1), 2-163(1), 2-168(1), 3-89(1), 3-99(1),

Analyt **Lactat**
Methode Alle Methoden



Teilnehmerzahl	300		
Probe/Einheit	A	mmol/l	B
Mittelwert	3.76		5.69
Standardabweichung	0.238		0.359
Variationskoeffizient	6.32		6.31

B

Probe A [mmol/l]								
M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max	
Alle	300		3.02	3.60	3.78	3.91	5.60	
1	4	14	3.02	3.13	3.36	3.48	3.54	
1	12	15	3.05	3.14	3.38	3.41	3.63	
1	30	67	3.56	3.67	3.76	3.86	4.04	
1	38	4	3.65		3.71		3.77	
1	43	12	3.62	3.69	3.80	3.98	4.04	
1	328	12	3.77	3.81	3.92	4.05	4.11	
2	4	14	3.82	3.90	3.96	4.02	4.05	
2	12	3	3.11		3.30		3.33	
2	30	89	3.55	3.69	3.78	3.88	4.80	
2	38	10	3.60	3.62	3.78	3.93	3.93	
2	43	9	3.68	3.73	3.79	3.94	3.94	
4	30	31	3.54	3.64	3.77	3.89	5.60	
4	112	4	3.85		4.05		4.37	

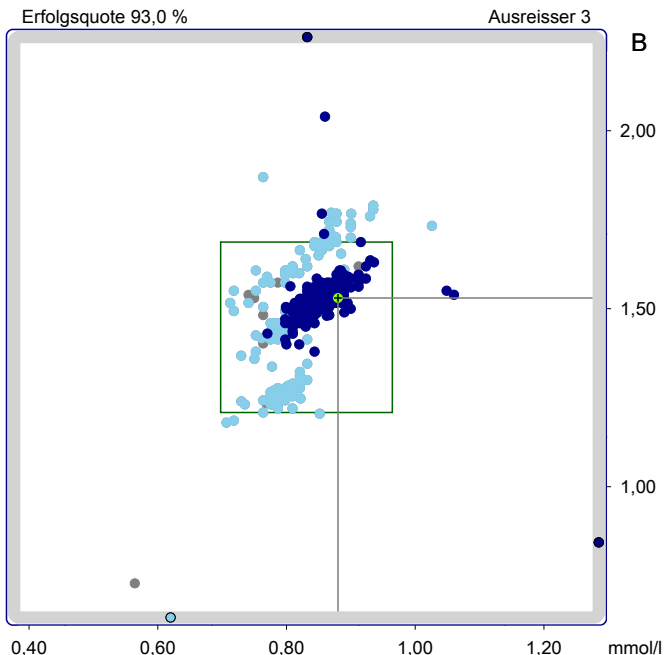
Probe B [mmol/l]								
M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max	
Alle	300		3.60	5.50	5.75	5.97	10.3	
1	4	14	4.43	4.67	5.00	5.24	5.48	
1	12	15	4.40	4.55	5.10	5.21	5.26	
1	30	67	5.49	5.62	5.76	5.95	6.15	
1	38	4	5.54		5.57		5.66	
1	43	12	5.41	5.50	5.60	5.80	5.82	
1	328	12	5.60	5.76	6.03	6.13	6.23	
2	4	14	5.90	5.93	6.06	6.11	6.16	
2	12	3	4.42		5.00		5.06	
2	30	89	5.50	5.64	5.80	5.90	6.95	
2	38	10	5.36	5.37	5.58	5.78	5.92	
2	43	9	5.51	5.52	5.66	5.77	5.78	
4	30	31	3.60	5.51	5.72	5.88	6.07	
4	112	4	5.59		6.02		6.28	

Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt:

A 3.0 %
B 2.2 %

Andere Kits (Anzahl):
2-126(1), 2-328(1), 3-43(1), 3-57(2), 3-61(1), 3-67(1), 3-335(1), 4-04(2), 4-12(1), 4-38(1), 4-57(1), 4-61(1), 4-99(1), 4-328(1),

Analyt **Triglyceride**
Methode Alle Methoden



Teilnehmerzahl	475		
Probe/Einheit	A	mmol/l	B
Mittelwert	0.839		1.49
Standardabweichung	0.045		0.131
Variationskoeffizient	5.47		8.76

B

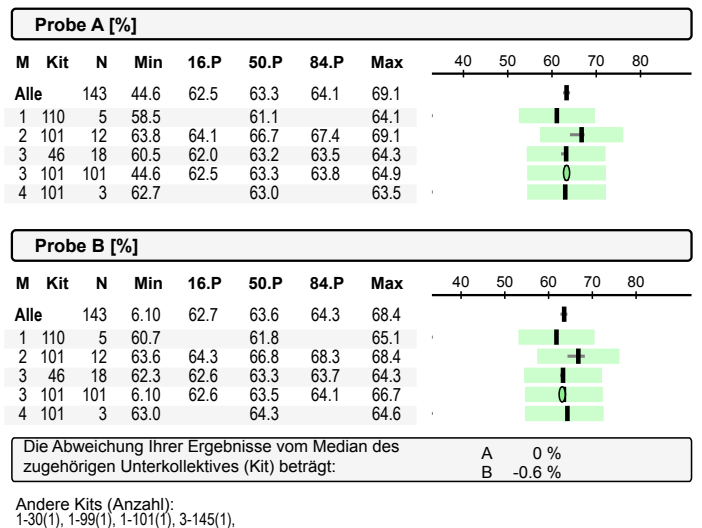
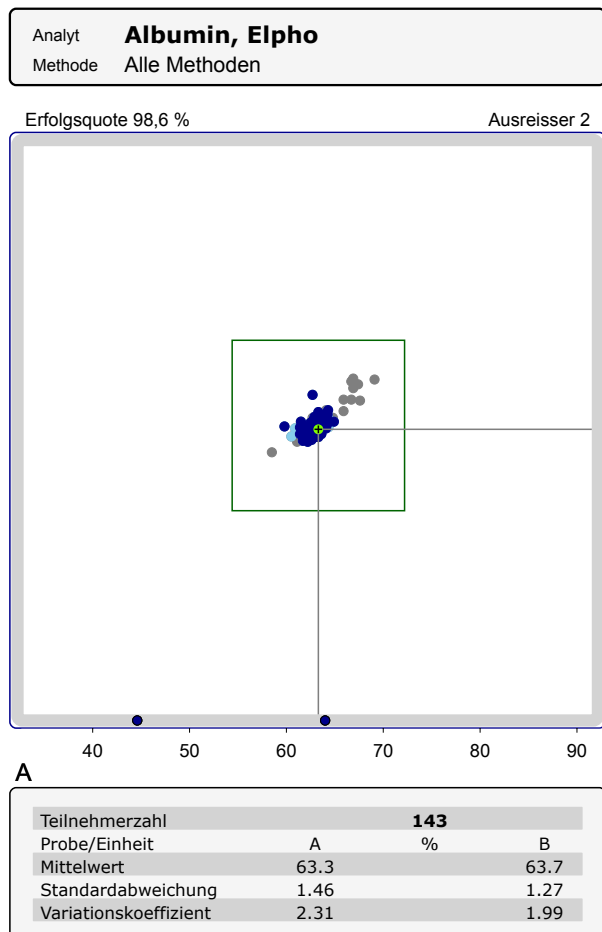
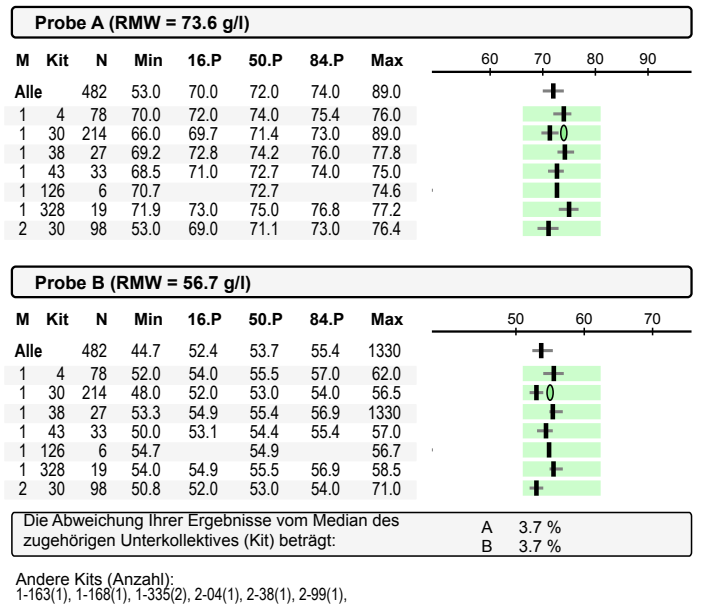
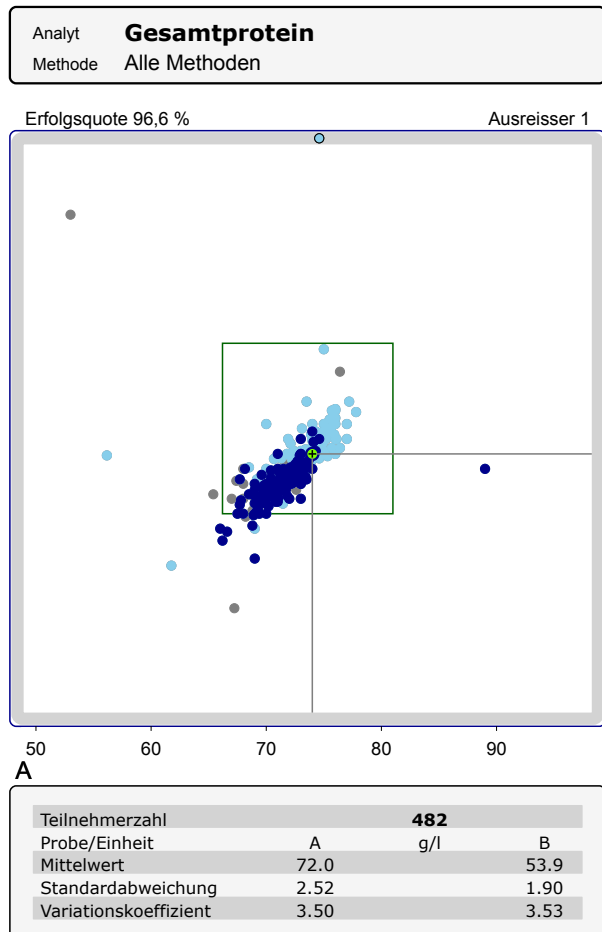
Probe A (RMW = 0.831 mmol/l)								
M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max	
Alle	475		0.564	0.798	0.844	0.878	1.51	
1	30	5	0.837		0.881		0.912	
1	328	4	0.741		0.757		0.787	
2	4	74	0.707	0.775	0.798	0.821	0.832	
2	30	300	0.771	0.831	0.855	0.878	1.51	
2	38	27	0.730	0.768	0.780	0.799	0.844	
2	43	30	0.798	0.830	0.868	0.900	0.935	
2	126	6	0.810		0.855		0.867	
2	328	15	0.713	0.718	0.764	0.803	1.03	

Probe B (RMW = 1.45 mmol/l)								
M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max	
Alle	475		0.190	1.30	1.53	1.57	4.93	
1	30	5	1.48		1.56		1.62	
1	328	4	1.48		1.53		1.57	
2	4	74	1.18	1.24	1.27	1.29	1.41	
2	30	300	0.844	1.49	1.53	1.56	4.93	
2	38	27	1.37	1.42	1.44	1.48	1.54	
2	43	30	1.61	1.65	1.70	1.77	1.79	
2	126	6	1.60		1.69		1.72	
2	328	15	1.49	1.51	1.57	1.66	1.87	

Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt:

A 2.9 %
B 0.1 %

Andere Kits (Anzahl):
1-04(2), 1-38(1), 1-43(2), 2-07(2), 2-25(1), 2-163(1), 2-168(1), 2-335(2), 3-30(1), 3-99(1),

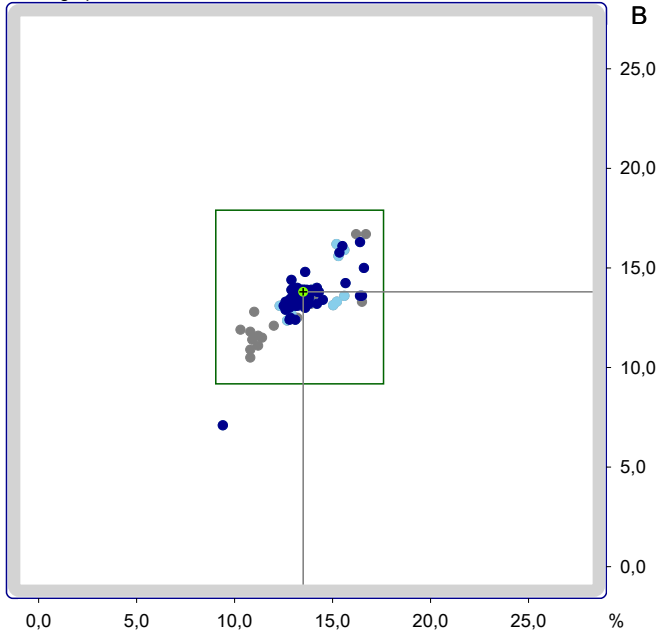


Analyt **G-Globulin, Elpho**

Methode Alle Methoden

Erfolgsquote 99,3 %

Ausreisser 0

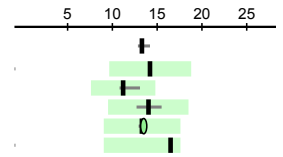


A

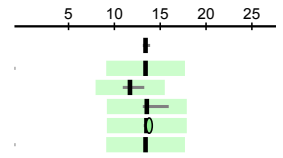
Teilnehmerzahl	143	
Probe/Einheit	A	B
Mittelwert	13,4	13,5
Standardabweichung	1,22	1,13
Variationskoeffizient	9,07	8,40

Probe A [%]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle	143		9.40	12.9	13.3	14.2	16.7
1	110	5	12.9		14.2		16.2
2	101	12	10.8	10.8	11.2	13.1	13.2
3	46	18	12.3	12.7	14.0	15.5	15.6
3	101	101	9.40	12.9	13.3	13.8	16.6
4	101	3	13.5		16.5		16.7


Probe B [%]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle	143		7.10	13.1	13.4	13.9	16.7
1	110	5	13.0		13.4		16.7
2	101	12	10.5	10.9	11.7	13.3	13.3
3	46	18	12.4	13.1	13.5	15.9	16.2
3	101	101	7.10	13.2	13.5	13.9	16.3
4	101	3	13.3		13.4		16.7



Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt:

A 1.5 %
B 2.2 %

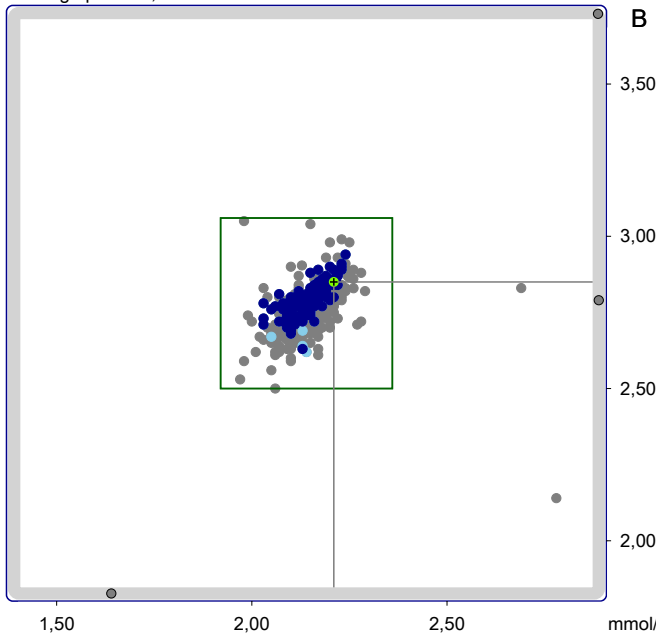
Andere Kits (Anzahl):
1-30(1), 1-99(1), 1-101(1), 3-145(1),

Analyt **Calcium**

Methode Alle Methoden

Erfolgsquote 98,9 %

Ausreisser 3

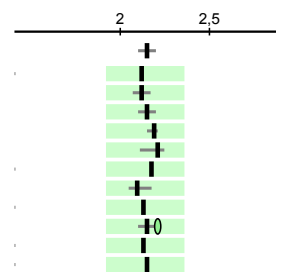


A

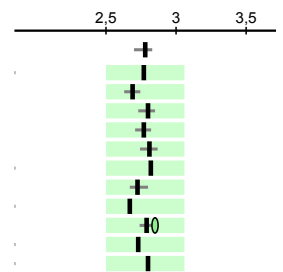
Teilnehmerzahl	490	
Probe/Einheit	A	B
Mittelwert	2,15	2,77
Standardabweichung	0,064	0,077
Variationskoeffizient	2,99	2,80

Probe A (ZW = 2.14 [mmol/l])

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle	490		1.64	2.10	2.15	2.20	112
2	30	3	1.99		2.12		2.22
3	4	71	1.98	2.07	2.12	2.17	2.27
3	30	128	2.02	2.10	2.15	2.20	112
3	38	29	2.06	2.15	2.19	2.21	2.26
3	43	32	2.03	2.11	2.21	2.25	2.29
3	126	6	2.07		2.18		2.23
3	328	20	2.01	2.05	2.10	2.18	2.20
4	4	5	2.05		2.13		2.15
4	30	173	2.03	2.10	2.15	2.19	2.24
5	4	3	2.13		2.13		2.15
5	30	7	2.10		2.15		2.20


Probe B (ZW = 2.78 [mmol/l])

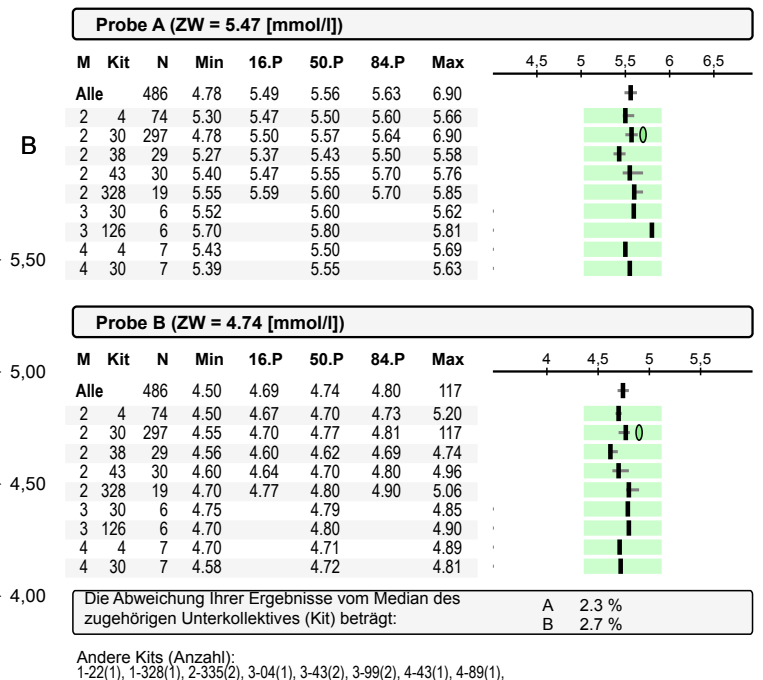
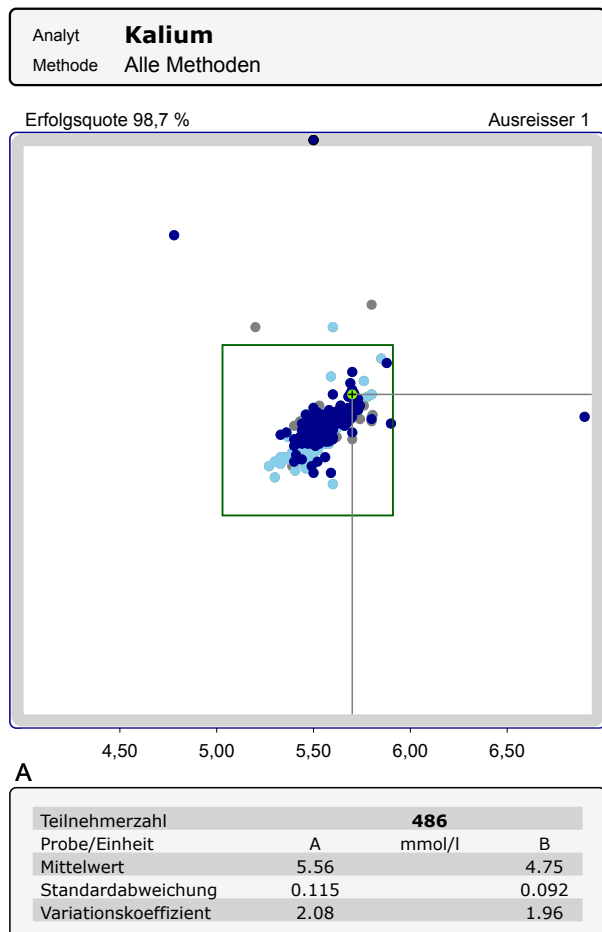
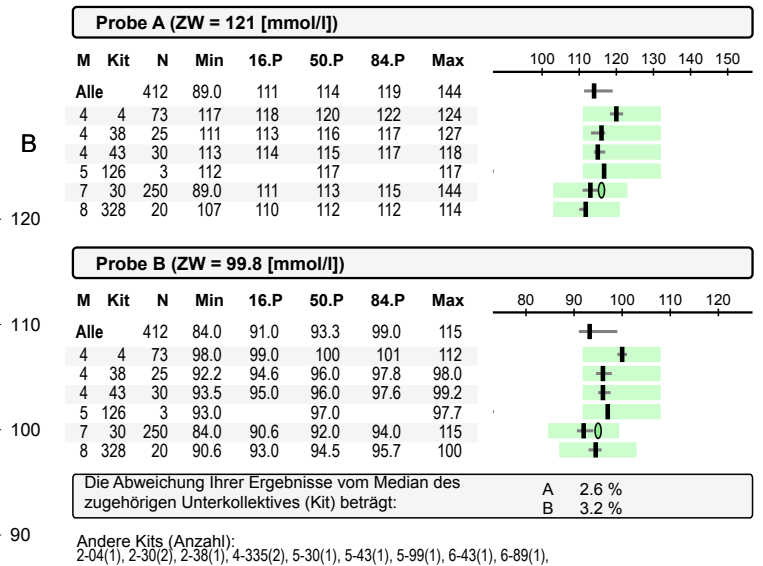
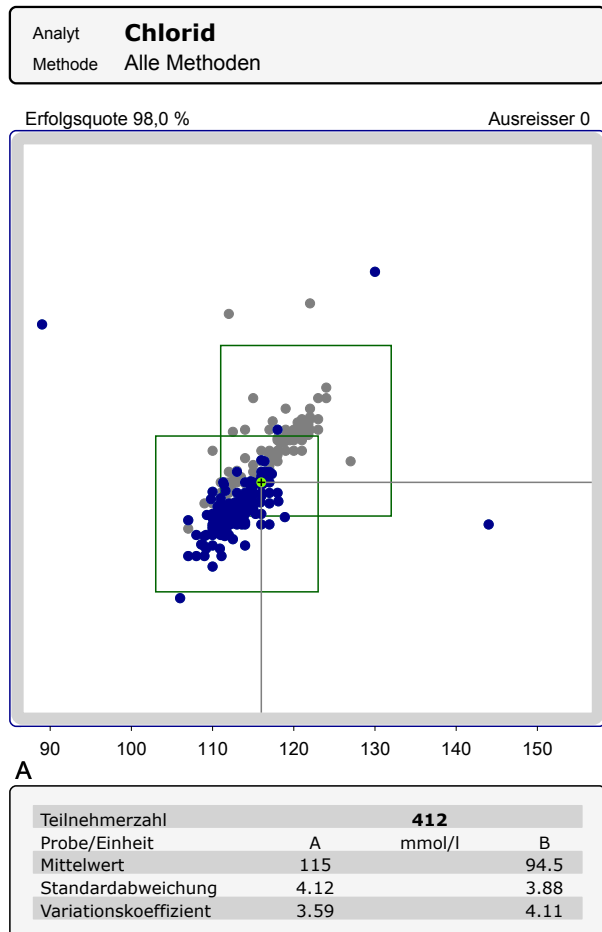
M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle	490		1.83	2.70	2.78	2.83	14.2
2	30	3	2.74		2.77		2.93
3	4	71	2.56	2.63	2.69	2.74	3.04
3	30	128	2.14	2.73	2.80	2.85	2.98
3	38	29	2.65	2.71	2.77	2.82	2.86
3	43	32	2.66	2.74	2.81	2.87	2.93
3	126	6	2.71		2.82		2.99
3	328	20	2.62	2.67	2.73	2.80	2.98
4	4	5	2.62		2.67		2.74
4	30	173	2.63	2.74	2.79	2.84	2.94
5	4	3	2.65		2.73		2.75
5	30	7	2.74		2.80		2.90



Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt:

A 2.7 %
B 2.1 %

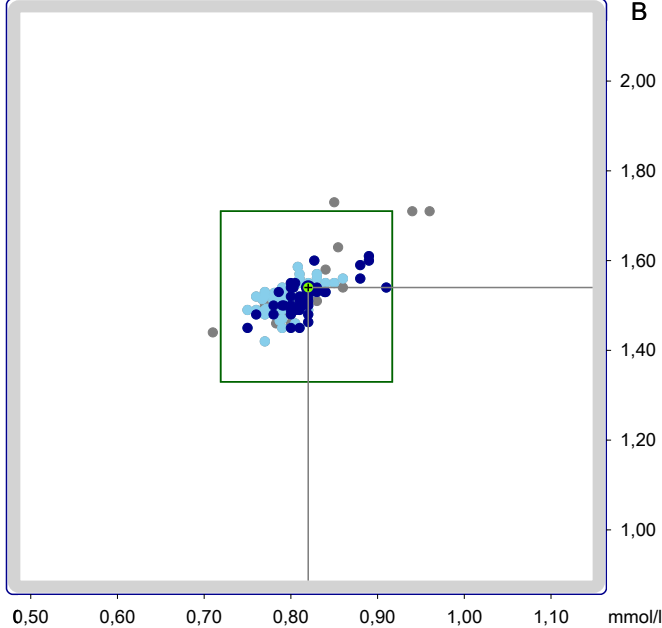
Andere Kits (Anzahl):
1-30(1), 1-43(1), 1-328(1), 2-04(1), 2-22(1), 3-163(1), 3-168(1), 3-335(2), 4-126(1), 6-04(1), 6-30(1), 6-89(1),



Analyt **Lithium**
Methode Alle Methoden

Erfolgsquote 96,7 %

Ausreisser 0



Teilnehmerzahl	122		
Probe/Einheit	A	mmol/l	B
Mittelwert	0.810		1.52
Standardabweichung	0.034		0.047
Variationskoeffizient	4.28		3.13

B

2,00

1,80

1,60

1,40

1,20

1,00

A

0,50 0,60 0,70 0,80 0,90 1,00 1,10 mmol/l

Probe A (ZW = 0.818 [mmol/l])

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max	
Alle	122		0.710	0.781	0.807	0.830	0.960	
2	30	4	0.800		0.820		0.840	
3	30	6	0.783		0.805		0.822	
5	4	21	0.750	0.769	0.781	0.808	0.820	
5	30	55	0.750	0.790	0.810	0.830	0.910	
5	38	5	0.770		0.788		0.820	
5	43	13	0.760	0.790	0.810	0.838	0.850	
6	4	3	0.710		0.770		0.790	
6	30	4	0.800		0.805		0.820	

Probe B (ZW = 1.52 [mmol/l])

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max	
Alle	122		1.42	1.49	1.52	1.55	1.73	
2	30	4	1.51		1.52		1.58	
3	30	6	1.46		1.54		1.56	
5	4	21	1.42	1.49	1.51	1.54	1.59	
5	30	55	1.45	1.49	1.52	1.54	1.61	
5	38	5	1.49		1.51		1.55	
5	43	13	1.46	1.47	1.52	1.57	1.57	
6	4	3	1.44		1.49		1.50	
6	30	4	1.49		1.50		1.50	

Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt:

A	1.2 %
B	1.3 %

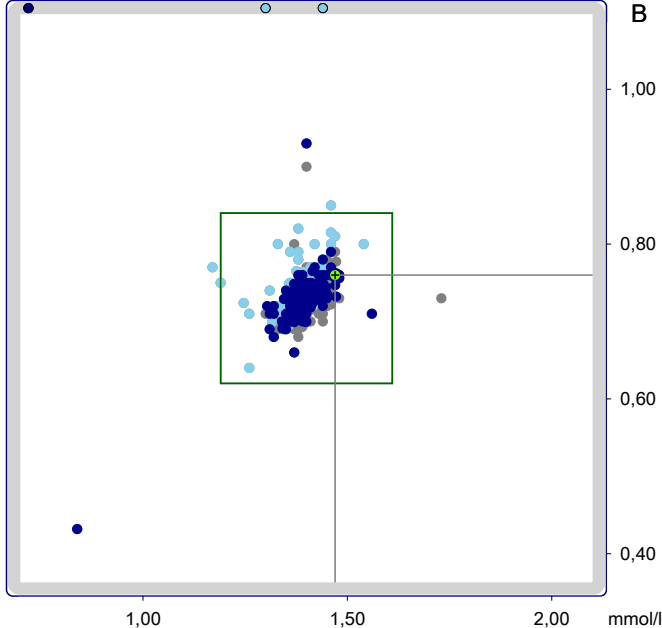
Andere Kits (Anzahl):

1-99(2), 3-126(1), 3-328(1), 4-30(1), 5-05(1), 5-99(1), 5-126(1), 5-328(1), 6-38(1), 6-91(1),

Analyt **Magnesium**
Methode Alle Methoden

Erfolgsquote 97,6 %

Ausreisser 3



Teilnehmerzahl	383		
Probe/Einheit	A	mmol/l	B
Mittelwert	1.40		0.732
Standardabweichung	0.054		0.032
Variationskoeffizient	3.90		4.37

B

1,00

0,80

0,60

0,40

A

1,00 1,50 2,00 mmol/l

Probe A (ZW = 1.40 [mmol/l])

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max	
Alle	383		0.720	1.37	1.40	1.44	1.73	
2	30	4	1.33		1.39		1.44	
4	4	11	1.34	1.36	1.41	1.48	1.54	
4	30	191	0.720	1.37	1.40	1.43	1.56	
4	38	21	1.32	1.34	1.38	1.41	1.44	
4	43	23	1.19	1.35	1.39	1.44	1.47	
4	126	5	1.25		1.36		1.46	
6	43	4	1.37		1.43		1.45	
6	328	11	1.38	1.38	1.40	1.42	1.43	
7	30	27	1.35	1.36	1.40	1.44	1.46	
8	4	56	1.30	1.38	1.42	1.45	1.48	
8	30	12	1.33	1.35	1.43	1.47	1.73	

Probe B (ZW = 0.730 [mmol/l])

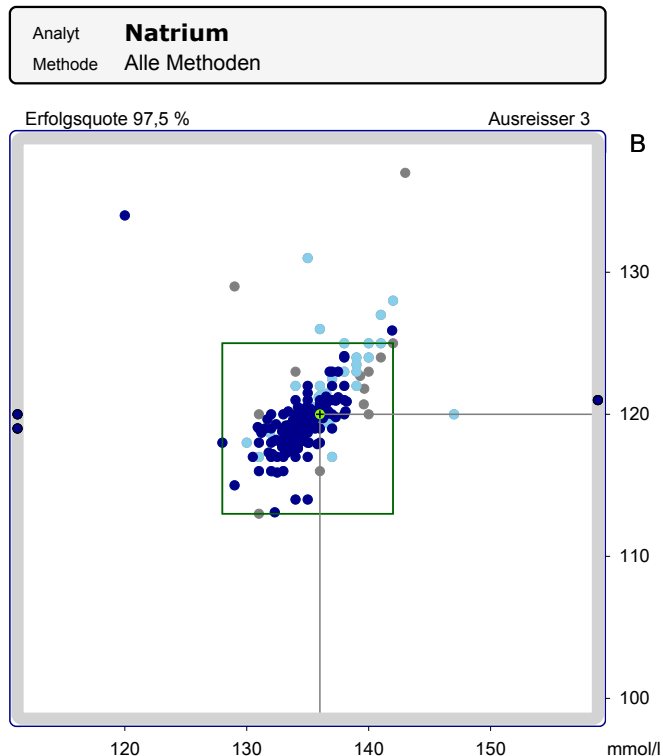
M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max	
Alle	383		0.432	0.710	0.730	0.755	1.28	
2	30	4	0.690		0.740		0.753	
4	4	11	0.690	0.695	0.730	0.754	0.800	
4	30	191	0.432	0.710	0.730	0.747	1.37	
4	38	21	0.699	0.720	0.740	0.760	0.820	
4	43	23	0.640	0.740	0.760	0.800	0.815	
4	126	5	0.710		0.790		0.850	
6	43	4	0.690		0.770		0.780	
6	328	11	0.680	0.698	0.716	0.750	0.754	
7	30	27	0.693	0.709	0.724	0.743	0.770	
8	4	56	0.690	0.710	0.730	0.750	0.800	
8	30	12	0.700	0.700	0.730	0.749	0.777	

Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt:

A	5.0 %
B	4.1 %

Andere Kits (Anzahl):

1-04(1), 1-30(1), 1-99(1), 1-328(1), 3-30(1), 4-07(1), 4-16(1), 4-22(1), 4-163(1), 4-328(1), 4-335(2), 5-04(1), 6-30(2), 8-25(1), 8-43(1), 8-99(1),



Teilnehmerzahl	487		
Probe/Einheit	A	mmol/l	B
Mittelwert	135		120
Standardabweichung	2.25		2.25
Variationskoeffizient	1.67		1.89

Probe A (ZW = 135 [mmol/l])

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max	
Alle	487	1.34	133	135	137	168		
2	4	75	131	134	135	136	138	
2	30	300	1.34	133	134	136	168	
2	38	29	130	132	134	135	147	
2	43	31	134	135	137	139	141	
2	328	21	135	136	137	139	142	
3	30	6	132		134		138	
3	126	6	139		140		141	
4	4	6	131		135		140	
4	30	4	131		133		135	

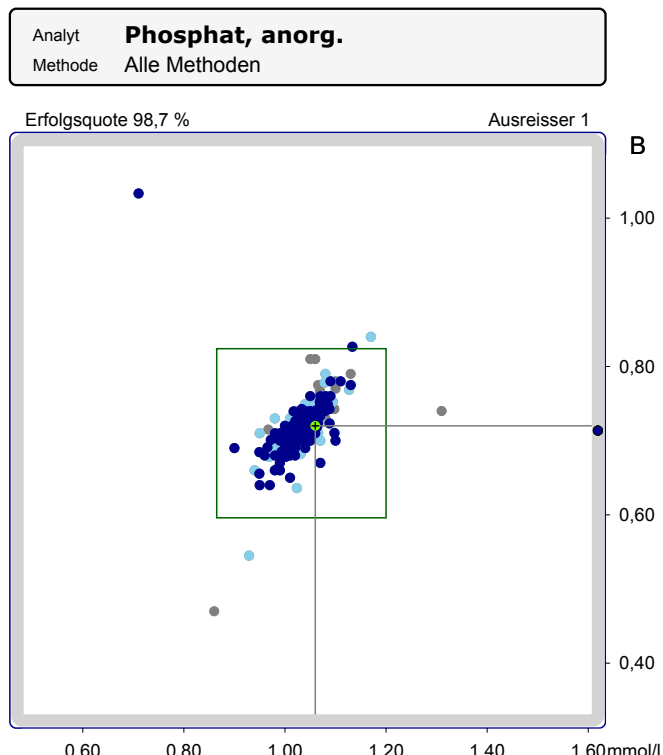
Probe B (ZW = 119 [mmol/l])

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max	
Alle	487	113	118	119	121	137		
2	4	75	117	118	119	120	131	
2	30	300	113	118	119	120	134	
2	38	29	116	118	119	120	121	
2	43	31	120	120	122	124	127	
2	328	21	120	121	122	125	128	
3	30	6	117		120		121	
3	126	6	120		123		125	
4	4	6	116		120		125	
4	30	4	116		118		119	

Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt:

A 1.3 %
B 0.8 %

Andere Kits (Anzahl):
1-22(1), 2-335(2), 3-04(1), 3-43(1), 3-99(2), 4-43(1), 4-89(1),



Teilnehmerzahl	411		
Probe/Einheit	A	mmol/l	B
Mittelwert	1.03		0.716
Standardabweichung	0.039		0.034
Variationskoeffizient	3.86		4.77

Probe A [mmol/l]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max	
Alle	411	0.710	1.00	1.03	1.07	9.98		
1	4	4	1.02		1.04		1.07	
1	30	29	0.967	0.999	1.03	1.05	1.08	
1	43	6	0.860		1.02		1.08	
1	328	10	1.06	1.06	1.10	1.11	1.13	
2	4	66	0.975	1.00	1.03	1.05	1.10	
2	30	234	0.710	1.00	1.03	1.06	9.98	
2	38	24	0.940	1.00	1.05	1.08	1.13	
2	43	23	0.990	1.02	1.04	1.07	1.08	
2	126	3	0.950		1.03		1.07	
2	328	4	1.08		1.09		1.17	
3	30	4	1.03		1.04		1.31	

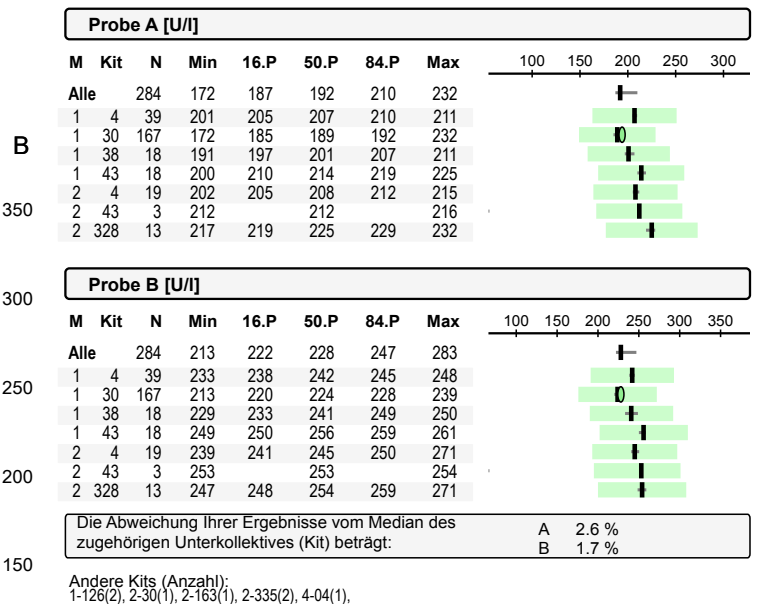
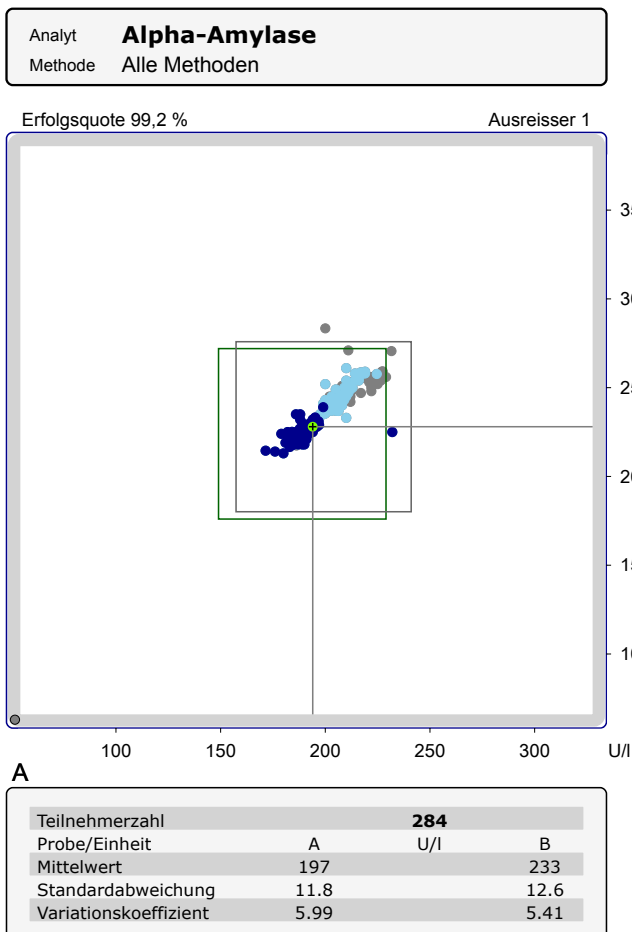
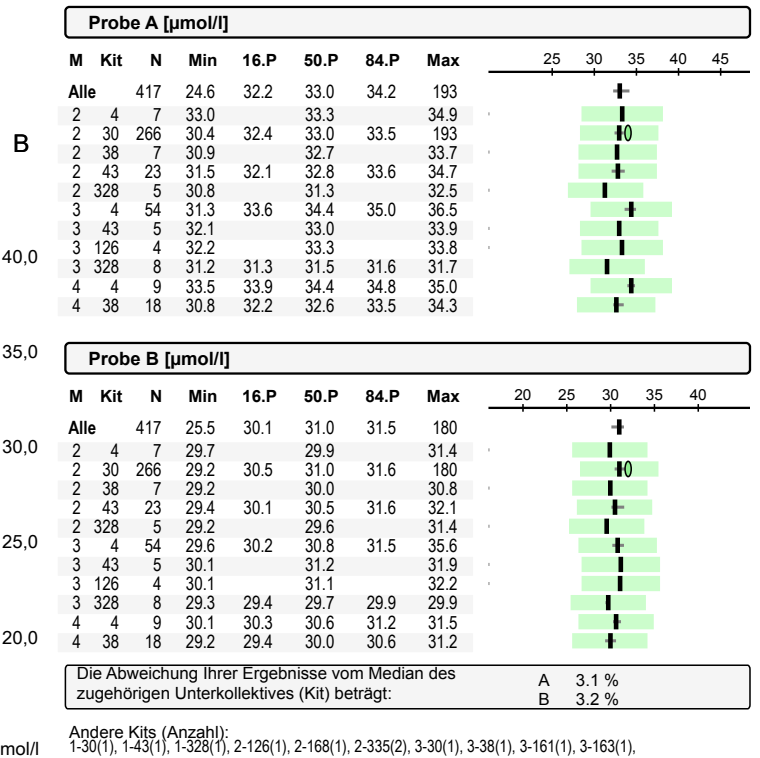
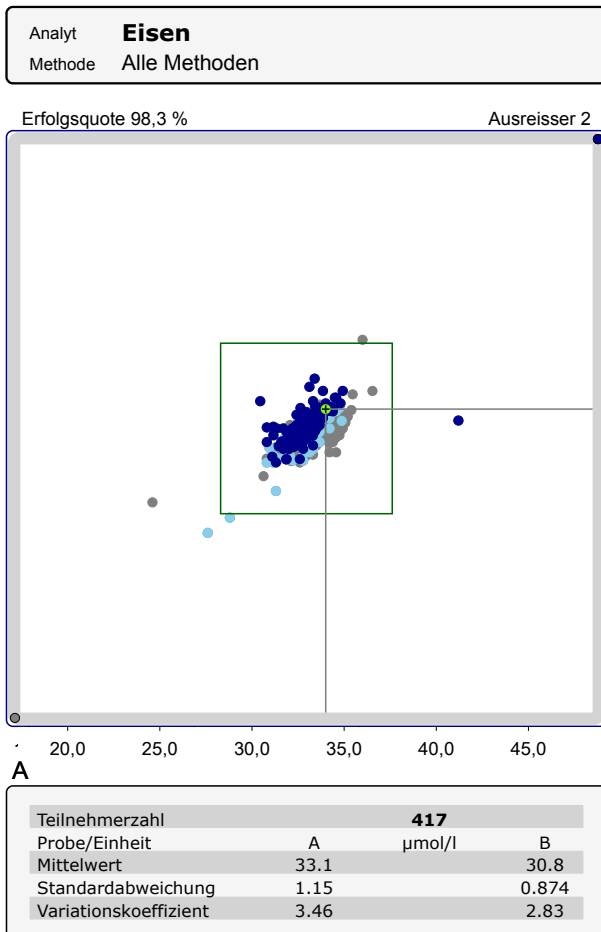
Probe B [mmol/l]

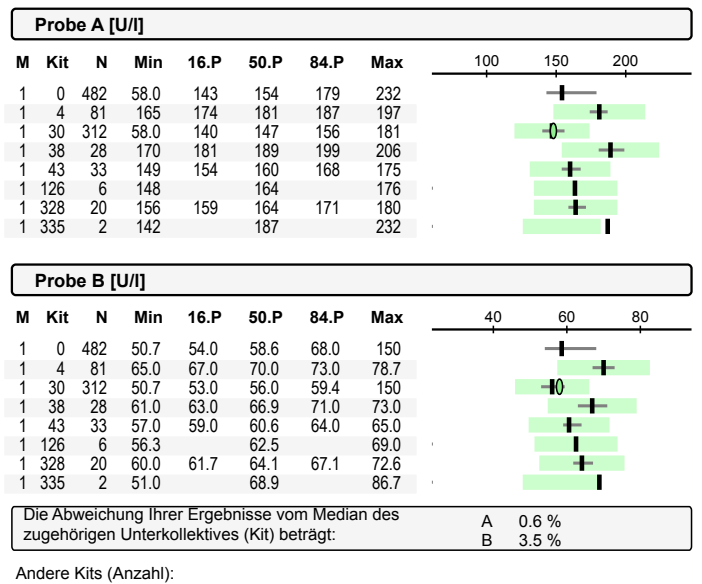
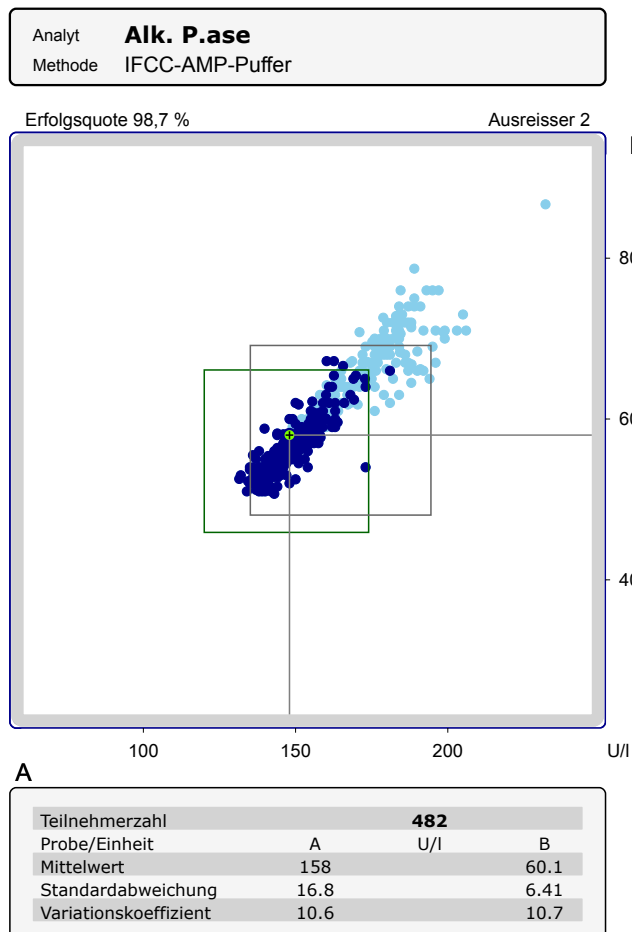
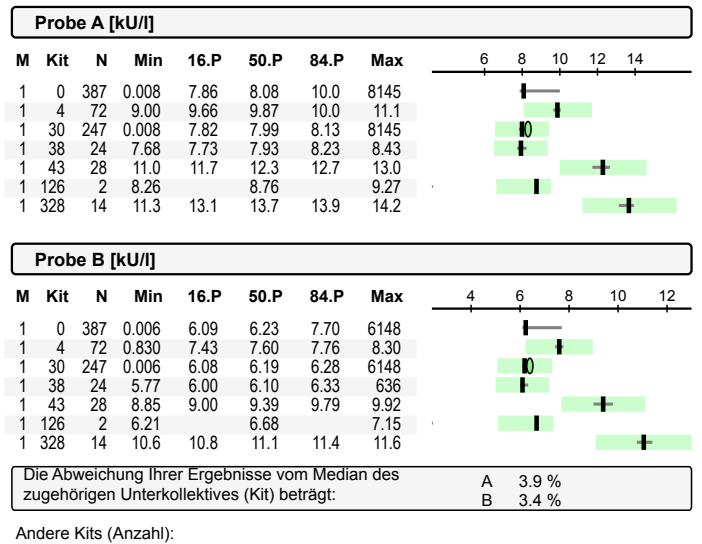
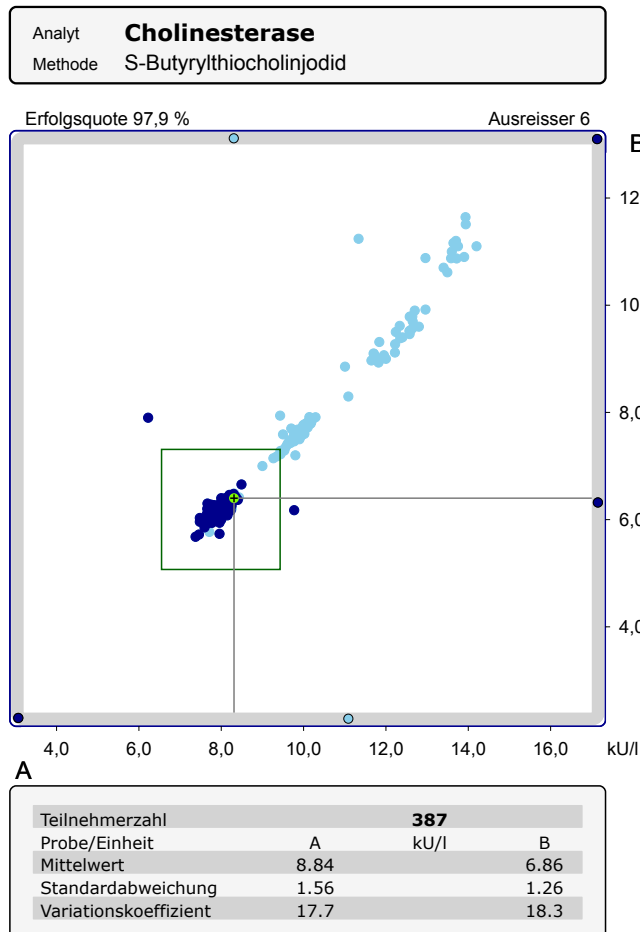
M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max	
Alle	411	0.470	0.691	0.710	0.740	1.03		
1	4	4	0.707		0.741		0.810	
1	30	29	0.678	0.692	0.710	0.727	0.750	
1	43	6	0.470		0.696		0.730	
1	328	10	0.743	0.756	0.772	0.795	0.810	
2	4	66	0.636	0.698	0.710	0.730	0.750	
2	30	234	0.640	0.690	0.710	0.733	1.03	
2	38	24	0.660	0.704	0.740	0.752	0.769	
2	43	23	0.660	0.694	0.710	0.740	0.743	
2	126	3	0.710		0.710		0.710	
2	328	4	0.760		0.784		0.840	
3	30	4	0.710		0.725		0.740	

Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt:

A 2.9 %
B 1.3 %

Andere Kits (Anzahl):
1-126(1), 2-335(2), 3-126(1),

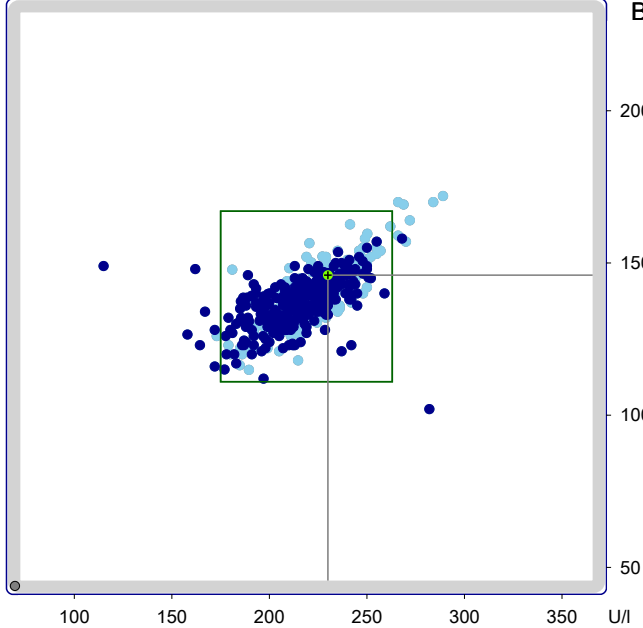




Analyt **CK**
Methode Alle Methoden

Erfolgsquote 96,2 %

Ausreisser 1



Teilnehmerzahl	484		
Probe/Einheit	A	U/I	B
Mittelwert	219		138
Standardabweichung	20.5		9.13
Variationskoeffizient	9.39		6.61

B

Probe A (ZW = 219 [U/I])

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max	
Alle	484	115	199	219	239	289		
1	4	81	192	210	229	247	289	
1	30	310	115	197	217	233	282	
1	38	29	186	200	225	245	272	
1	43	33	173	195	215	230	248	
1	126	7	190		240		284	
1	328	20	179	190	216	236	269	
1	335	2	214		232		250	

Probe B (ZW = 139 [U/I])

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max	
Alle	484	102	130	139	146	172		
1	4	81	118	135	144	152	172	
1	30	310	102	129	138	144	158	
1	38	29	115	132	142	154	164	
1	43	33	116	124	134	139	151	
1	126	7	122		146		170	
1	328	20	122	126	137	141	169	
1	335	2	137		148		160	

Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt:

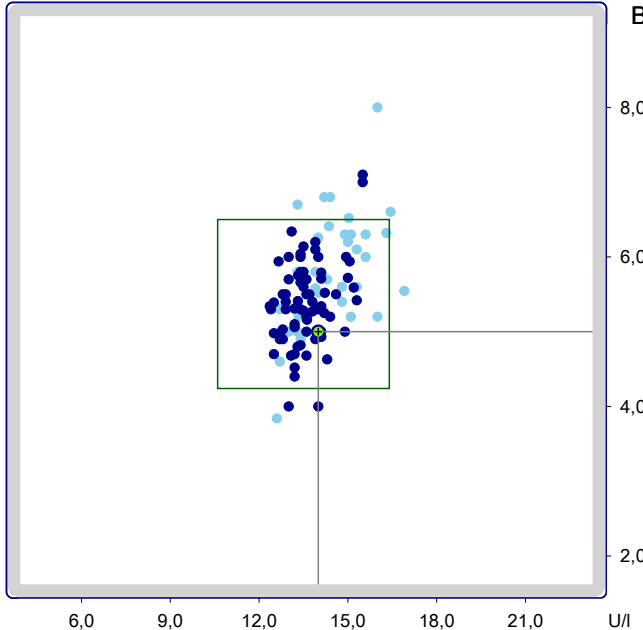
A 5.9 %
B 5.8 %

Andere Kits (Anzahl):
1-161(1), 1-163(1),

Analyt **GLDH**
Methode Standardmethode DGKC

Erfolgsquote 91,4 %

Ausreisser 1



Teilnehmerzahl	117		
Probe/Einheit	A	U/I	B
Mittelwert	13.9		5.51
Standardabweichung	0.966		0.653
Variationskoeffizient	6.97		11.9

B

Probe A [U/I]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max	
1	0	117	12.4	12.9	13.6	15.0	16.9	
1	4	7	12.7		14.2		15.0	
1	12	21	12.6	13.3	14.3	15.9	16.9	
1	30	79	12.4	12.9	13.5	14.2	15.5	
1	38	5	13.0		14.8		16.0	
1	43	3	13.9		14.1		14.4	

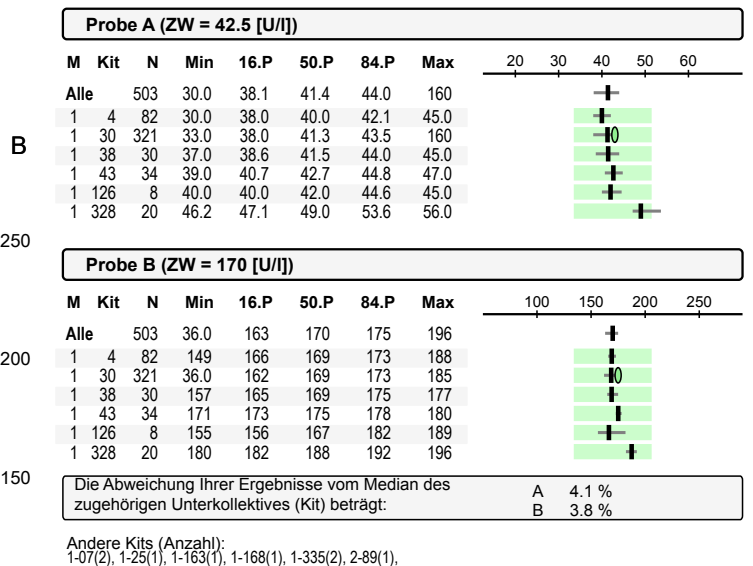
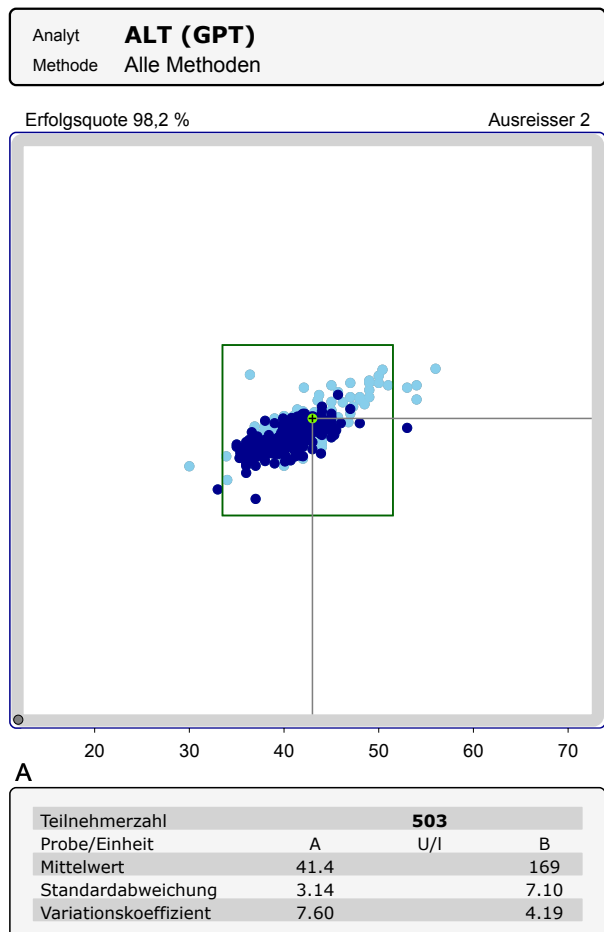
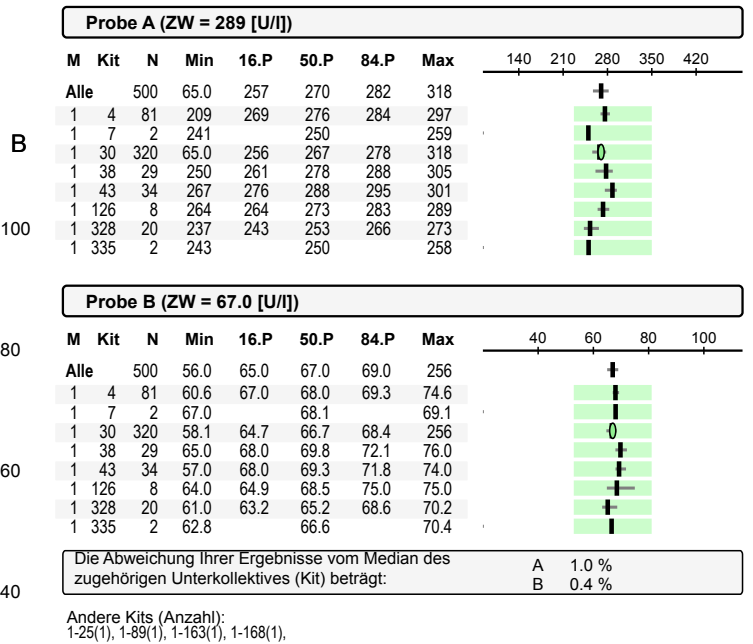
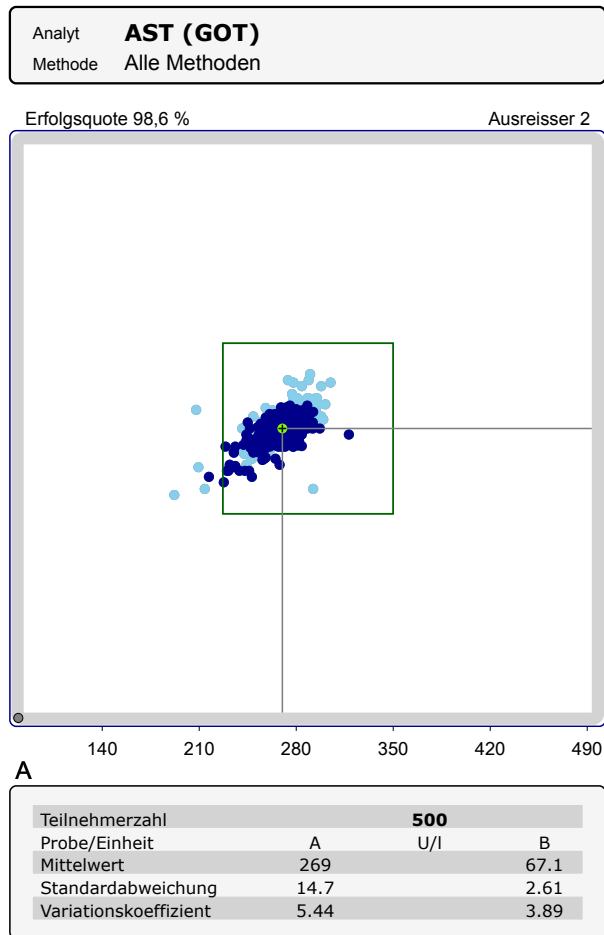
Probe B [U/I]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max	
1	0	117	3.84	4.94	5.42	6.14	8.00	
1	4	7	4.60		6.41		6.80	
1	12	21	3.84	5.10	5.60	6.30	6.60	
1	30	79	4.00	4.90	5.37	6.00	7.10	
1	38	5	5.00		5.40		6.20	
1	43	3	4.94		5.58		6.80	

Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt:

A 3.7 %
B -6.8 %

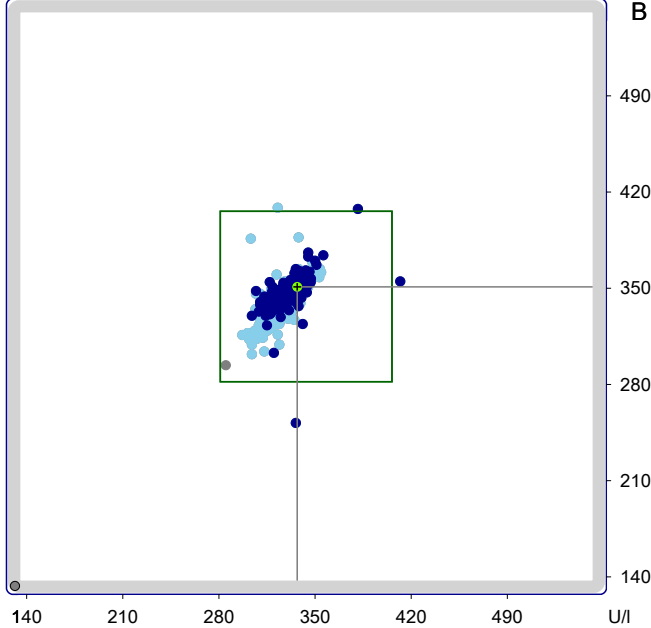
Andere Kits (Anzahl):
1-108(1), 1-126(1),



Analyt **LDH**
Methode Alle Methoden

Erfolgsquote 98,9 %

Ausreisser 1



Teilnehmerzahl	472		
Probe/Einheit	A	U/l	B
Mittelwert	329		343
Standardabweichung	11.5		13.7
Variationskoeffizient	3.51		3.98

B

Probe A (ZW = 343 [U/l])

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max	
Alle	472	285	319	330	339	412		
1	4	81	301	309	319	328	342	
1	30	301	304	323	332	339	412	
1	38	27	305	321	327	337	353	
1	43	32	317	323	338	348	354	
1	126	4	310		331		345	
1	328	20	297	312	321	329	336	
1	335	2	338		346		354	
2	30	3	331		335		338	

Probe B (ZW = 344 [U/l])

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max	
Alle	472	252	331	344	354	409		
1	4	81	302	318	328	336	360	
1	30	301	252	339	347	354	408	
1	38	27	314	330	337	355	361	
1	43	32	329	339	349	363	369	
1	126	4	315		337		351	
1	328	20	316	329	336	350	409	
1	335	2	362		374		387	
2	30	3	348		349		353	

Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt:

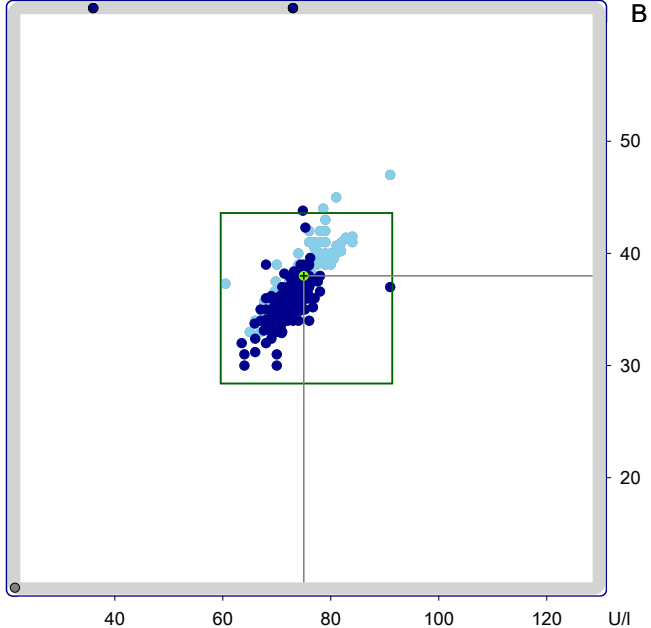
A	1.5 %
B	1.1 %

Andere Kits (Anzahl):
1-163(1), 2-89(1),

Analyt **Gamma-GT**
Methode Alle Methoden

Erfolgsquote 98,6 %

Ausreisser 3



Teilnehmerzahl	500		
Probe/Einheit	A	U/l	B
Mittelwert	73.3		36.5
Standardabweichung	3.27		2.01
Variationskoeffizient	4.46		5.51

B

Probe A (ZW = 75.5 [U/l])

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max	
Alle	500	36.0	71.0	73.0	75.9	91.0		
1	4	82	67.0	70.9	73.7	76.0	80.5	
1	7	2	67.3		70.7		74.0	
1	30	318	36.0	70.8	73.0	75.0	91.0	
1	38	30	65.0	69.3	72.0	73.5	75.0	
1	43	34	71.9	74.0	79.6	81.9	84.0	
1	126	8	67.7	68.7	72.9	83.5	91.0	
1	328	20	70.0	72.9	77.0	79.0	81.0	
1	335	2	72.4		72.6		72.8	

Probe B (ZW = 36.0 [U/l])

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max	
Alle	500	30.0	35.0	36.0	38.0	365		
1	4	82	33.0	35.3	37.0	38.0	44.0	
1	7	2	34.8		37.4		40.0	
1	30	318	30.0	34.8	36.0	37.0	365	
1	38	30	33.0	35.0	36.0	37.0	38.0	
1	43	34	34.7	37.6	39.0	40.8	41.5	
1	126	8	35.7	35.8	37.4	43.5	47.0	
1	328	20	33.0	39.0	40.8	42.0	45.0	
1	335	2	35.8		36.4		37.1	

Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt:

A	2.7 %
B	5.5 %

Andere Kits (Anzahl):
1-12(1), 1-89(1), 1-163(1), 1-168(1),

