

Medizinische Hochschule Hannover
Institut für Klinische Chemie
Prof. Dr. med. Brand
z.Hd. Dr. Grote-Koska
Carl-Neuberg-Str. 1
30625 Hannover

Ringversuch: **KU3/26**
im Monat: **Juli 2026**
Teilnehmer-Nr.: **0000002**
Gültig ab: **04.07.26**



Seite 2 von 16

Medizinische Hochschule Hannover
Institut für Klinische Chemie und Zentrallabor
Prof. Dr. med. Brand
z.Hd. Dr. Grote-Koska
Carl-Neuberg-Str. 1
30625 Hannover



Bonn, 23. Juli 2026

Zertifikat

Wir bestätigen Ihnen hiermit, dass Sie am Ringversuch für klinisch-chemische Analyte im Urin teilgenommen haben.

Dieses Zertifikat ist gemäß aktueller Version der RiliBÄK gültig bis einschließlich Januar 2027.

Sie haben die Anforderungen des Ringversuches für folgende Messgrößen erfüllt:

Glucose	(1)	Harnsäure	(3)	Harnstoff	(3)
Kreatinin	(2)	Oxalat	(2)	Gesamtprotein	(4)
a1-Mikroglobulin	(2)	Albumin	(2)	IgG	(2)
Calcium	(6)	Chlorid	(4)	Kalium	(2)
Magnesium	(2)	Natrium	(2)	Phosphor, anorg.	(4)
Osmolalität	(1)	pH-ST	(2)	Eiweiß-ST	(2)
Glucose-ST	(2)	Hämoglobin-ST	(2)	Leukozyten-ST	(2)
Keton-ST	(2)	Nitrit-ST	(2)	Bilirubin-ST	(2)
spez. Gew.-ST	(2)	Urobilinog.-ST	(2)		

Prof. Dr. Dr. K. P. Kohse
Ringversuchsleitung

Dr. Anja Kessler
Leitung Referenzinstitut

Dr. Marika Enders
EQAS-Board

Die hinter jedem Analyten angegebene Ziffer kennzeichnet die angewendete Analysenmethode.
Die Zuordnung der Ziffer zur jeweiligen Methode ist der Gesamtauswertung zu entnehmen.

Dieses Zertifikat ist in Verbindung mit dem Abschlussbericht vom 13.07.26 gültig.
Dieser steht im RfB-Online System zum Download zur Verfügung.

Ringversuch: **KU3/26**
im Monat: **Juli 2026**
Teilnehmer-Nr.: **0000002**
Gültig ab: **04.07.26**



Seite 3 von 16

Medizinische Hochschule Hannover
Institut für Klinische Chemie und Zentrallabor
Prof. Dr. med. Brand
z.Hd. Dr. Grote-Koska
Carl-Neuberg-Str. 1
30625 Hannover



Bonn, 23. Juli 2026

Teilnahmebescheinigung

Wir bestätigen Ihnen hiermit, dass Sie am Ringversuch für klinisch-chemische Analyte im Urin teilgenommen haben.

Die von Ihnen bestimmten Messgrößen sind nachfolgend aufgeführt:

Glucose	(1)	Harnsäure	(3)	Harnstoff	(3)
Kreatinin	(2)	Oxalat	(2)	Gesamtprotein	(4)
a1-Mikroglobulin	(2)	Albumin	(2)	IgG	(2)
Calcium	(6)	Chlorid	(4)	Kalium	(2)
Magnesium	(2)	Natrium	(2)	Phosphor, anorg.	(4)
Osmolalität	(1)	Proteinurie	(1)	pH-ST	(2)
Eiweiß-ST	(2)	Glucose-ST	(2)	Hämoglobin-ST	(2)
Leukozyten-ST	(2)	Keton-ST	(2)	Nitrit-ST	(2)
Bilirubin-ST	(2)	spez. Gew.-ST	(2)	Urobilinog.-ST	(2)
Diagn.-Graph A	(1)	Diagn.-Graph B	(1)		

Prof. Dr. Dr. K. P. Kohse
Ringversuchsleitung

Dr. Anja Kessler
Leitung Referenzinstitut

Dr. Marika Enders
EQAS-Board

Die hinter jedem Analyten angegebene Ziffer kennzeichnet die angewendete Analysenmethode.
Die Zuordnung der Ziffer zur jeweiligen Methode ist der Gesamtauswertung zu entnehmen.

Auflistung und Bewertung aller Ihrer Ergebnisse

Erläuterungen

Zertifikat

Ein Zertifikat wird nur dann für eine Messgrösse ausgestellt, wenn die Grundlagen für die Bewertung der Richtigkeit durch die Richtlinie der Bundesärztekammer gegeben ist bzw. wenn eine Bewertung in Analogie zu dieser Richtlinie (s. Hinweise zur Auswertung) möglich ist, und wenn beide Ergebnisse innerhalb der vorgegebenen Grenzen liegen. (Kennzeichnung unter B: +)

Teilnahmebescheinigung

In der Teilnahmebescheinigung sind alle Messgrössen aufgeführt, welche die Liste auf dieser Seite enthält.

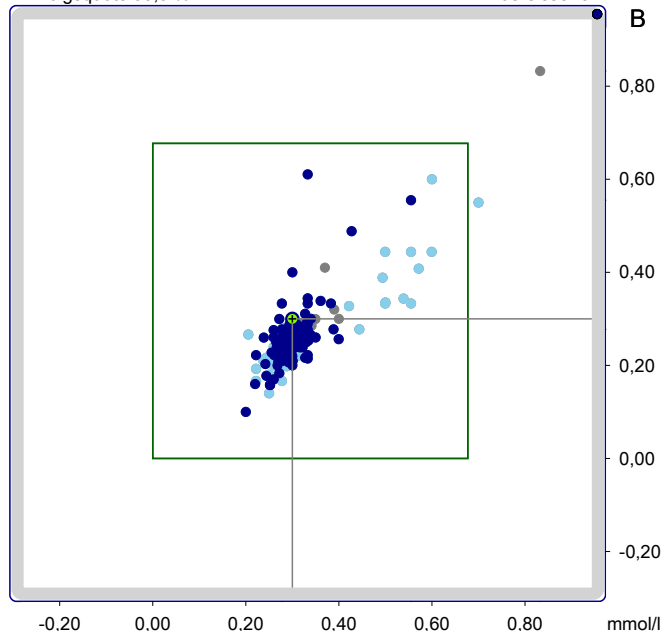
Wenn alle untersuchten Messgrössen im Zertifikat aufgeführt sind, entfällt der Ausdruck einer Teilnahmebescheinigung.

Zeichenerklärung: B=Bewertung, M=Methoden-Nr., E=Ihr Ergebnis, D=Abweichung (E-ZW) Dmax=Betrag der maximal zulässigen Messabweichung, z. T. vorgegeben durch die Anlage 1 der jeweils gültigen Richtlinie der BÄK. ZW=Zielwert, ggf. Referenzmethodenwert o. Sollwert, UG OG = untere bzw. obere Grenze										Bewertung: + = erfüllt (Quotient D/Dmax ≤ 1.0) - = nicht erfüllt (Quotient D/Dmax > 1.0 ± = Bewertung entfällt aus analytischen oder technischen Gründen					
	B	M	E	D/Dmax	ZW	UG	OG		B	M	E	D/Dmax	ZW	UG	OG
Glucose	+	1	A 0.300	-0.04	0.311	0	0.678	Diagn.-Graph A	±	1	A 933				
[mmol/l]			B 0.300	0.05	0.278	0	0.678	[mg/g Krea]			B 5.47				
Harnsäure	+	3	A 0.840	-0.55	0.964	0.737	1.19	Diagn.-Graph B	±	1	A 3.68				
[mmol/l]			B 1.28	-0.36	1.40	1.07	1.73	[mg/g Krea]			B 5.53				
Harnstoff	+	3	A 91.5	-0.29	97.6	76.9	119								
[mmol/l]			B 171	-0.36	185	146	225								
Kreatinin	+	2	A 9.70	0.34	9.02	7.11	11.0								
[mmol/l]			B 9.60	0.34	8.93	7.04	10.9								
Oxalat	+	2	A 113	-0.11	119	65.4	173								
[μmol/l]			B 96.0	-0.43	119	65.4	173								
Gesamtprotein	+	4	A 1.59	0	1.59	1.20	1.98								
[g/l]			B 0.050	0.26	0.032	0	0.100								
a1-Mikroglobulin	+	2	A 0.006	0.22	0.005	0	0.009								
[g/l]			B 0.006	0.22	0.005	0	0.009								
Albumin	+	2	A 1.02	-0.11	1.05	0.774	1.32								
[g/l]			B 0.004	0.05	0.003	0	0.020								
IgG	+	2	A 0.348	-0.01	0.349	0.244	0.454								
[g/l]			B 0.007	0.50	0.004	0	0.010								
Calcium	+	6	A 1.19	-0.05	1.20	0.996	1.41								
[mmol/l]			B 1.28												
Chlorid	+	4	A 52.0	-0.16	53.2	45.7	60.7								
[mmol/l]			B 77.0	0	77.0	66.2	87.8								
Kalium	+	2	A 28.0	0.17	27.3	23.2	31.4								
[mmol/l]			B 43.0	0.27	41.3	35.1	47.5								
Magnesium	+	2	A 1.86	-0.18	1.95	1.44	2.46								
[mmol/l]			B 2.30	-0.56	2.70	1.99	3.41								
Natrium	+	2	A 68.0	-0.33	70.8	62.3	79.3								
[mmol/l]			B 90.0	-0.25	92.8	81.6	104								
Phosphor, anorg.	+	4	A 7.50	-0.14	7.72	6.16	9.27								
[mmol/l]			B 9.10	-0.38	9.85	7.87	11.9								
Osmolalität	+	1	A 283	0.02	282	248	316								
[mosm/kg]			B 428	0.07	424	373	475								
Proteinurie	-	1	A Ch. 12		Ch. 16,										
[ohne]			B Ch. 11		Ch. 11,										
pH-ST	+	2	A 7,5		7,5	6,5	8								
[ohne]			B 7,5		7,5	7	8								
Eiweiß-ST	+	2	A Ch. 4		Ch. 4	Ch. 4	Ch. 4								
[ohne]			B Ch. 1		Ch. 1	Ch. 1	Ch. 1								
Glucose-ST	+	2	A Ch. 1		Ch. 1	Ch. 1	Ch. 1								
[ohne]			B Ch. 1		Ch. 1	Ch. 1	Ch. 1								
Hämoglobin-ST	+	2	A Ch. 4		Ch. 4	Ch. 4	Ch. 4								
[ohne]			B Ch. 1		Ch. 1	Ch. 1	Ch. 1								
Leukozyten-ST	+	2	A Ch. 1		Ch. 1	Ch. 1	Ch. 1								
[ohne]			B Ch. 3		Ch. 4	Ch. 3	Ch. 4								
Keton-ST	+	2	A Ch. 1		Ch. 1	Ch. 1	Ch. 1								
[ohne]			B Ch. 1		Ch. 1	Ch. 1	Ch. 1								
Nitrit-ST	+	2	A neg		neg	neg	neg								
[ohne]			B neg		neg	neg	neg								
Bilirubin-ST	+	2	A Ch. 1		Ch. 1	Ch. 1	Ch. 1								
[ohne]			B Ch. 1		Ch. 1	Ch. 1	Ch. 1								
spez. Gew.-ST	+	2	A 1.009	-0.10	1.010	1.000	1.020								
[g/ml]			B 1.011	0.10	1.010	1.000	1.020								
Urobilinog.-ST	+	2	A Ch. 1		Ch. 1	Ch. 1	Ch. 1								
[ohne]			B Ch. 1		Ch. 1	Ch. 1	Ch. 1								

Analyt **Glucose**
Methode Alle Methoden

Erfolgsquote 99,3 %

Ausreisser 3



A

Teilnehmerzahl	482		
Probe/Einheit	A	mmol/l	B
Mittelwert	0.306		0.258
Standardabweichung	0.059		0.059
Variationskoeffizient	19.4		23.0

Probe A (ZW = 0.311 [mmol/l])

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max	
Alle		482	0.200	0.277	0.297	0.333	315	
1	4	60	0.205	0.260	0.278	0.278	0.555	
1	30	314	0.200	0.278	0.300	0.333	315	
1	38	40	0.222	0.247	0.278	0.333	5.52	
1	126	3	0.260		0.300		0.494	
1	328	13	0.222	0.457	0.500	0.593	0.700	
7	43	50	0.260	0.278	0.311	0.340	0.833	

Probe B (ZW = 0.278 [mmol/l])

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max	
Alle		482	0.100	0.221	0.255	0.278	229	
1	4	60	0.198	0.210	0.222	0.269	0.555	
1	30	314	0.100	0.222	0.260	0.278	229	
1	38	40	0.140	0.197	0.222	0.278	5.44	
1	126	3	0.200		0.240		0.389	
1	328	13	0.167	0.291	0.335	0.444	0.550	
7	43	50	0.200	0.222	0.272	0.298	0.833	

Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt:

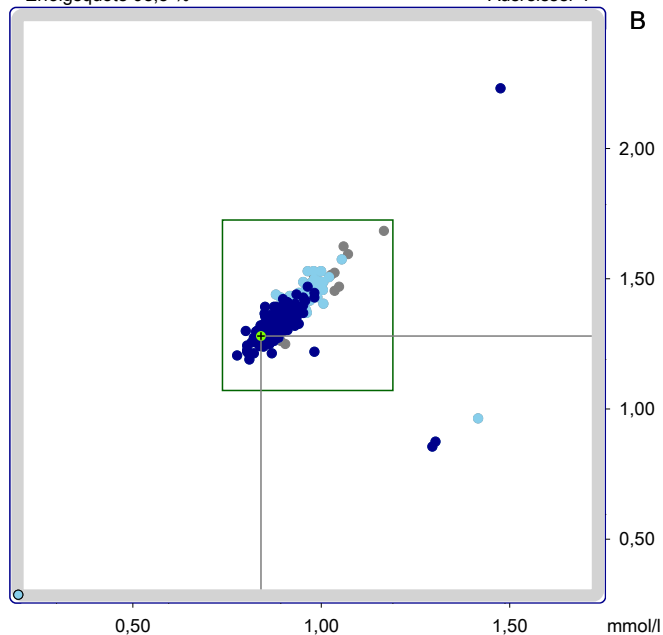
A	0 %
B	15 %

Andere Kits (Anzahl):
1-12(1), 6-166(1),

Analyt **Harnsäure**
Methode Alle Methoden

Erfolgsquote 98,8 %

Ausreisser 1



A

Teilnehmerzahl	417		
Probe/Einheit	A	mmol/l	B
Mittelwert	0.907		1.36
Standardabweichung	0.067		0.090
Variationskoeffizient	7.47		6.69

Probe A (RMW = 0.964 mmol/l)

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max	
Alle		417	0.000	0.852	0.899	0.952	1.48	
1	4	12	0.893	0.899	0.920	0.940	0.952	
1	30	19	0.810	0.840	0.863	0.907	0.917	
1	43	9	0.899	0.906	0.952	0.994	0.994	
1	328	12	0.905	0.920	1.03	1.07	1.17	
3	4	38	0.000	0.890	0.906	0.947	1.42	
3	30	262	0.777	0.850	0.881	0.915	1.48	
3	38	25	0.866	0.904	0.943	0.964	1.00	
3	43	34	0.923	0.946	0.964	0.991	1.02	

Probe B (RMW = 1.40 mmol/l)

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max	
Alle		417	0.001	1.29	1.35	1.43	2.23	
1	4	12	1.26	1.35	1.39	1.43	1.45	
1	30	19	1.22	1.27	1.29	1.37	1.42	
1	43	9	1.39	1.40	1.44	1.47	1.48	
1	328	12	1.25	1.37	1.49	1.62	1.68	
3	4	38	0.001	1.33	1.38	1.42	1.58	
3	30	262	0.856	1.28	1.33	1.38	2.23	
3	38	25	1.30	1.36	1.43	1.49	1.53	
3	43	34	1.35	1.40	1.46	1.49	1.53	

Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt:

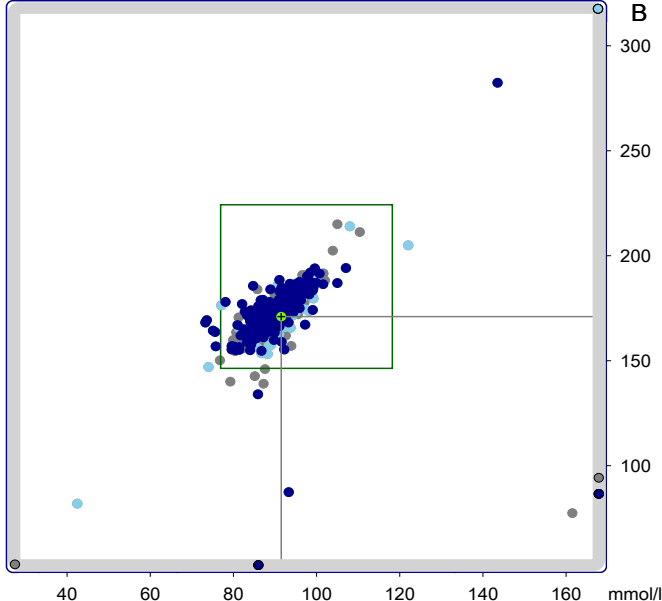
A	-4.6 %
B	-3.7 %

Andere Kits (Anzahl):
1-38(2), 3-07(1), 3-12(1), 3-126(1), 5-43(1),

Analyt **Harnstoff**
Methode Alle Methoden

Erfolgsquote 95,1 %

Ausreisser 6



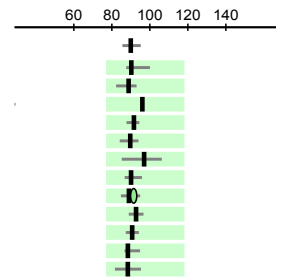
A

Teilnehmerzahl	471		
Probe/Einheit	A	mmol/l	B
Mittelwert	90.3		172
Standardabweichung	7.16		13.2
Variationskoeffizient	7.93		7.66

B

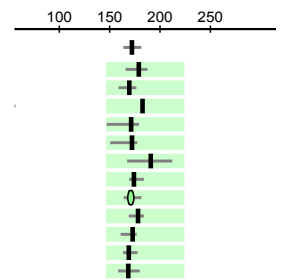
Probe A (RMW = 97.6 mmol/l)

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		471	2.98	85.6	90.0	95.2	8691
1	4	9	86.6	87.6	90.2	100	102
1	30	42	2.98	82.3	88.8	93.0	162
1	38	5			96.1		98.2
1	43	12	79.3	87.7	91.6	94.5	96.7
2	30	8	83.6	84.2	89.7	94.0	94.9
2	328	10	85.1	85.2	97.0	106	110
3	4	48	81.4	86.7	90.1	95.9	8691
3	30	240	73.3	84.8	89.0	94.9	167
3	38	30	42.5	88.9	92.7	96.7	122
3	43	35	77.1	87.3	90.7	94.2	98.7
4	30	19	76.8	86.7	88.4	94.9	97.1
6	30	9	79.9	81.6	88.4	95.3	95.5



Probe B (RMW = 185 mmol/l)

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		471	1.72	164	172	181	17283
1	4	9	163	166	179	188	188
1	30	42	4.41	159	169	176	184
1	38	5			183		185
1	43	12	140	147	171	179	179
2	30	8	143	151	172	177	178
2	328	10	167	167	191	212	215
3	4	48	154	169	174	184	17283
3	30	240	1.72	164	171	181	282
3	38	30	81.9	169	178	184	205
3	43	35	153	161	173	177	186
4	30	19	139	163	169	178	184
6	30	9	157	158	169	180	181



Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt:

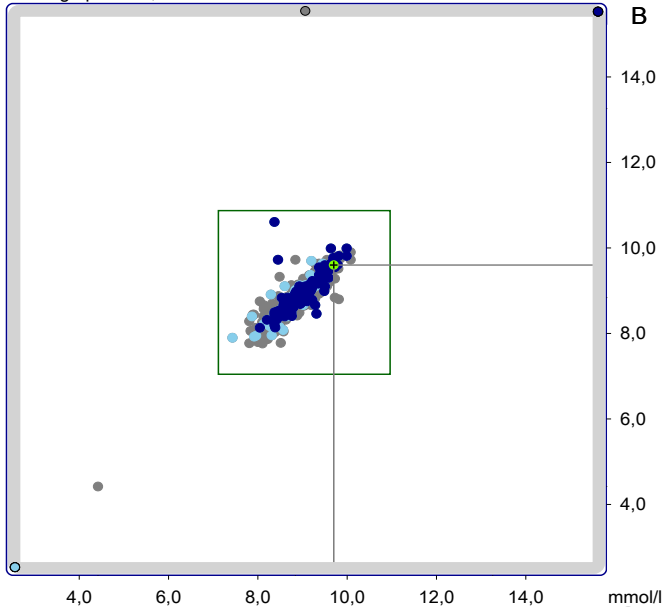
A 2.8 %
B 0 %

Andere Kits (Anzahl):
2-04(1), 3-07(1), 3-12(1), 3-126(1),

Analyt **Kreatinin**
Methode Alle Methoden

Erfolgsquote 98,7 %

Ausreisser 8



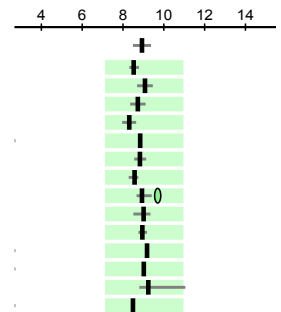
A

Teilnehmerzahl	727		
Probe/Einheit	A	mmol/l	B
Mittelwert	8.91		8.85
Standardabweichung	0.453		0.439
Variationskoeffizient	5.08		4.96

B

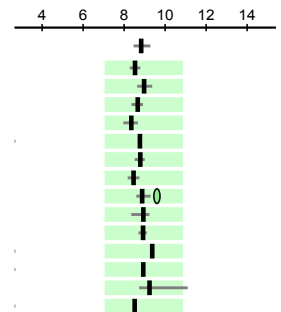
Probe A (RMW = 9.02 mmol/l)

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		727	0.008	8.49	8.93	9.37	8457
1	4	61	7.81	8.31	8.52	8.78	9.37
1	30	286	0.044	8.69	9.08	9.46	10.1
1	38	45	0.504	8.35	8.73	9.11	9.46
1	43	36	0.049	7.96	8.31	8.64	9.30
1	126	7		8.54		8.84	9.85
1	328	12	8.27	8.55	8.83	9.14	9.73
2	4	27	0.008	8.28	8.57	8.75	8.93
2	30	171	8.05	8.66	8.93	9.41	8457
2	38	15	7.96	8.51	9.01	9.35	9.45
2	43	30	8.43	8.76	8.95	9.18	9.23
2	126	3		9.08		9.18	9.20
2	328	4		8.84		9.02	9.06
4	30	10	8.78	8.80	9.24	11.1	15.8
4	38	5		8.22		8.49	8.83



Probe B (RMW = 8.93 mmol/l)

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		727	0.008	8.46	8.83	9.28	8416
1	4	61	8.05	8.27	8.53	8.79	9.64
1	30	286	0.072	8.64	8.98	9.37	88.7
1	38	45	0.460	8.35	8.66	8.92	9.09
1	43	36	0.079	7.96	8.35	8.67	8.90
1	126	7		8.44		8.77	9.75
1	328	12	8.34	8.52	8.79	9.01	9.80
2	4	27	0.008	8.17	8.46	8.75	9.02
2	30	171	8.13	8.59	8.88	9.29	8416
2	38	15	7.95	8.35	8.94	9.24	9.64
2	43	30	8.08	8.70	8.92	9.11	9.19
2	126	3		9.09		9.37	9.70
2	328	4		8.66		8.93	9.13
4	30	10	8.69	8.73	9.24	11.1	15.7
4	38	5		8.40		8.51	8.70



Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt:

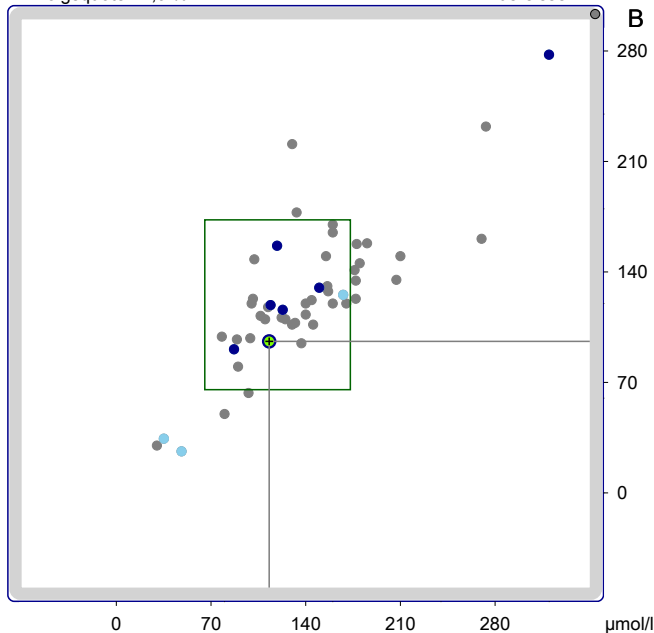
A 8.6 %
B 8.1 %

Andere Kits (Anzahl):
1-99(2), 1-108(2), 1-128(1), 2-07(1), 2-12(2), 2-13(1), 2-99(1), 3-166(2), 4-37(1), 4-43(1), 4-129(1),

Analyt **Oxalat**
Methode Alle Methoden

Erfolgsquote 74,0 %

Ausreisser 1



A

Teilnehmerzahl	54		
Probe/Einheit	A	µmol/l	B
Mittelwert	140		124
Standardabweichung	53.9		44.6
Variationskoeffizient	38.5		35.9

Probe A [µmol/l]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle	54	30.0	96.2	138	178	461	
1	99	19	30.0	91.5	144	205	461
1	117	7	102		130		207
2	99	7	87.0		119		320
4	99	8	78.0	87.2	158	230	270

Probe B [µmol/l]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle	54	26.3	95.8	120	159	803	
1	99	19	30.0	83.4	120	168	803
1	117	7	107		112		150
2	99	7	91.0		119		278
4	99	8	98.0	98.4	133	163	165

Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt:

A -4.9 %
B -19.33 %

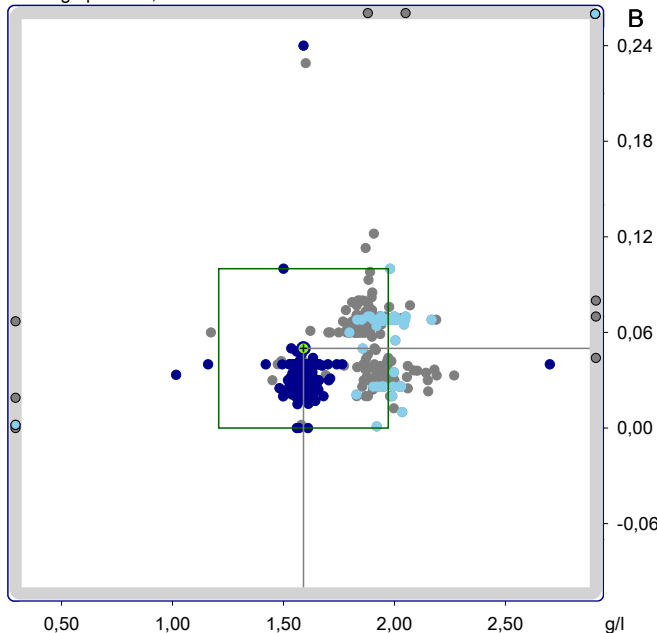
Andere Kits (Anzahl):

1-30(1), 1-38(1), 1-43(1), 1-148(1), 1-168(1), 2-39(1), 2-134(2), 3-99(1), 4-72(2), 4-168(2),

Analyt **Gesamtprotein**
Methode Alle Methoden

Erfolgsquote 96,2 %

Ausreisser 13



A

Teilnehmerzahl	618		
Probe/Einheit	A	g/l	B
Mittelwert	1.70		0.040
Standardabweichung	0.179		0.020
Variationskoeffizient	10.5		51.5

Probe A [g/l]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle	618	0.003	1.57	1.61	1.94	1964	
1	4	11	1.88	1.94	1.99	2.04	2.19
1	30	46	0.019	1.56	1.59	1.63	1.55
2	30	3	1.57		1.58		1.60
4	4	58	0.003	1.90	1.97	2.02	1964
4	30	329	0.040	1.56	1.59	1.62	2.70
5	4	11	1.85	1.87	1.98	1.99	2.00
5	30	22	0.160	1.55	1.59	1.62	1.64
5	38	47	1.83	1.88	1.94	2.06	2.95
5	43	62	0.047	1.80	1.84	1.88	1.98
5	126	4	1.92		2.11		2.15
5	328	14	1.70	1.80	1.89	1.94	2.07

Probe B [g/l]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle	618	0	0.024	0.040	0.066	68.0	
1	4	11	0.012	0.063	0.068	0.068	0.069
1	30	46	0.018	0.020	0.030	0.040	1.54
2	30	3	0.023		0.026		0.033
4	4	58	0.001	0.026	0.068	0.068	68.0
4	30	329	0	0.022	0.032	0.040	1.62
5	4	11	0.020	0.020	0.068	0.068	0.070
5	30	22	0.002	0.018	0.030	0.040	0.229
5	38	47	0.020	0.030	0.036	0.042	0.330
5	43	62	0.060	0.060	0.062	0.077	0.122
5	126	4	0.023		0.025		0.030
5	328	14	0.043	0.050	0.066	0.075	0.085

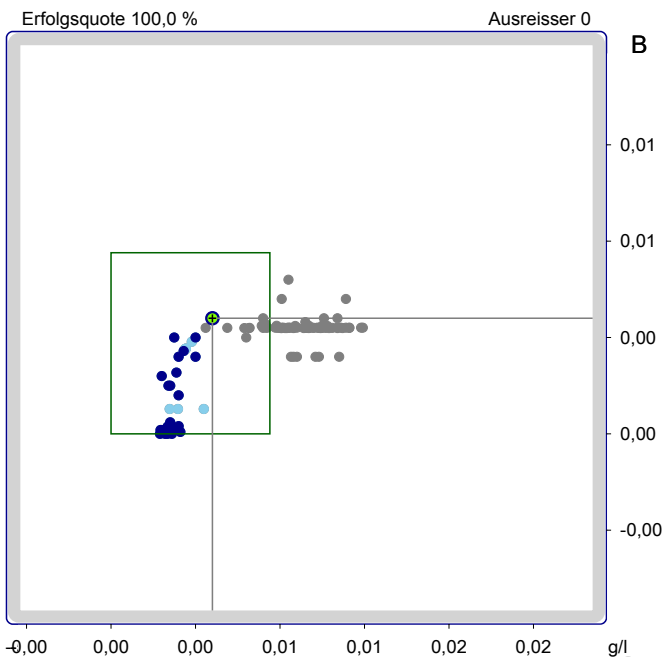
Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt:

A 0 %
B 56 %

Andere Kits (Anzahl):

1-126(1), 3-30(2), 4-43(1), 5-12(1), 5-13(1), 5-53(1), 5-108(1), 5-128(1), 8-166(2),

Analyt **a1-Mikroglobulin**
Methode Alle Methoden



Teilnehmerzahl	168		
Probe/Einheit	A	g/l	B
Mittelwert	0.007		0.004
Standardabweichung	0.003		0.001
Variationskoeffizient	49.7		43.9

B

Probe A [g/l]								
M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max	
Alle	168		0.002	0.003	0.005	0.012	0.014	
1	13	6	0.010		0.011		0.013	
1	28	68	0.003	0.009	0.011	0.013	0.014	
1	43	3	0.010		0.013		0.014	
2	30	69	0.002	0.003	0.005	0.005	0.006	-10
2	140	17	0.004	0.004	0.004	0.004	0.005	
2	156	4	0.003		0.004		0.005	

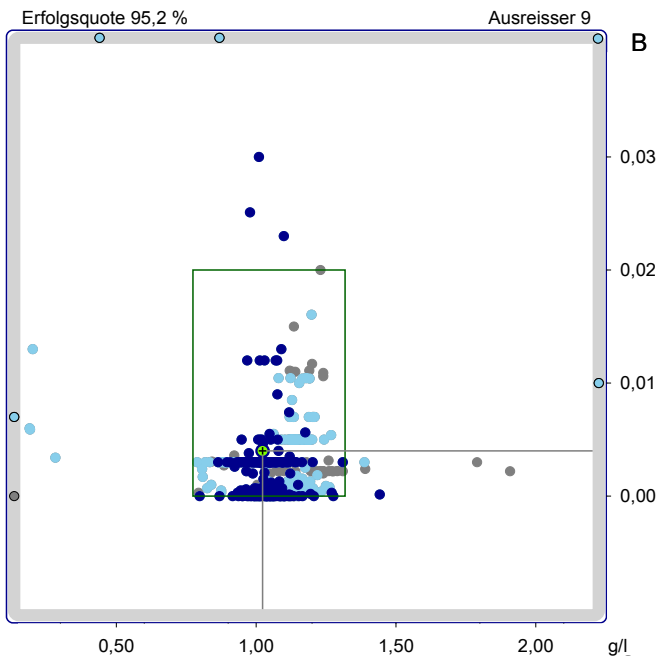
Probe B [g/l]								
M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max	
Alle	168		0	0.001	0.005	0.005	0.008	
1	13	6	0.004		0.004		0.004	
1	28	68	0.000	0.005	0.005	0.005	0.008	
1	43	3	0.005		0.005		0.005	
2	30	69	0	0.000	0.005	0.005	0.006	-10
2	140	17	0.004	0.004	0.004	0.004	0.005	
2	156	4	0.001		0.001		0.005	

Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt:

A	20 %
B	20 %

Andere Kits (Anzahl):
1-140(1),

Analyt **Albumin**
Methode Alle Methoden



Teilnehmerzahl	526		
Probe/Einheit	A	g/l	B
Mittelwert	1.06		0.002
Standardabweichung	0.133		0.003
Variationskoeffizient	12.6		111

B

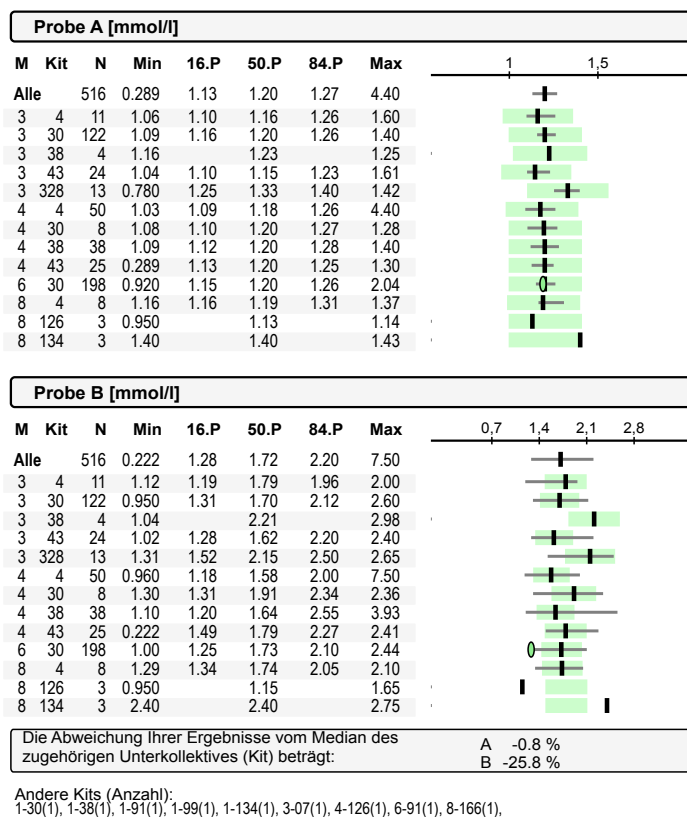
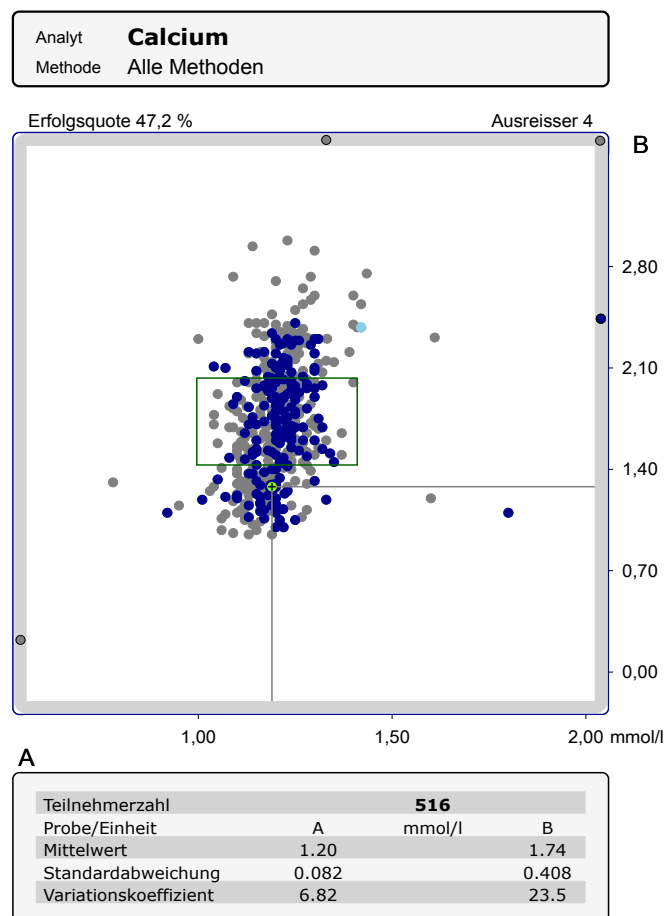
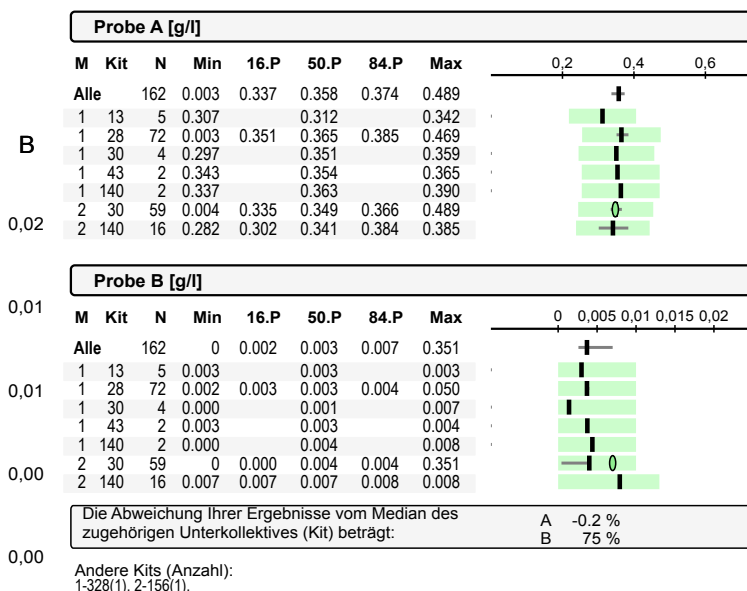
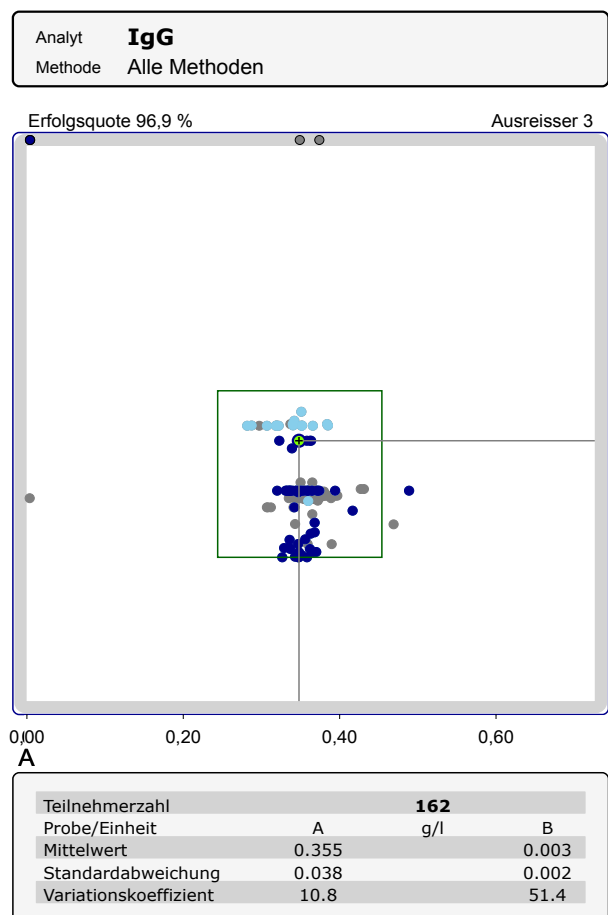
Probe A [g/l]								
M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max	
Alle	526		0.003	0.953	1.06	1.16	11.7	
1	13	3	1.13		1.17		1.24	
1	28	27	1.08	1.11	1.22	1.29	1.91	
1	30	6	0.885		1.08		1.13	
1	43	5	0.892		0.922		1.24	
2	4	53	0.005	1.12	1.15	1.19	11.0	
2	30	315	0.003	0.990	1.05	1.09	1.44	0
2	38	37	0.106	0.842	1.14	1.20	1.26	
2	43	44	0.201	0.872	0.899	0.935	1.39	
2	140	7	1.08		1.18		1.19	
2	328	5	0.191		0.869		1.27	
3	30	11	0.794	0.999	1.06	1.19	1.79	
6	44	3	0.842		1.07		1.14	

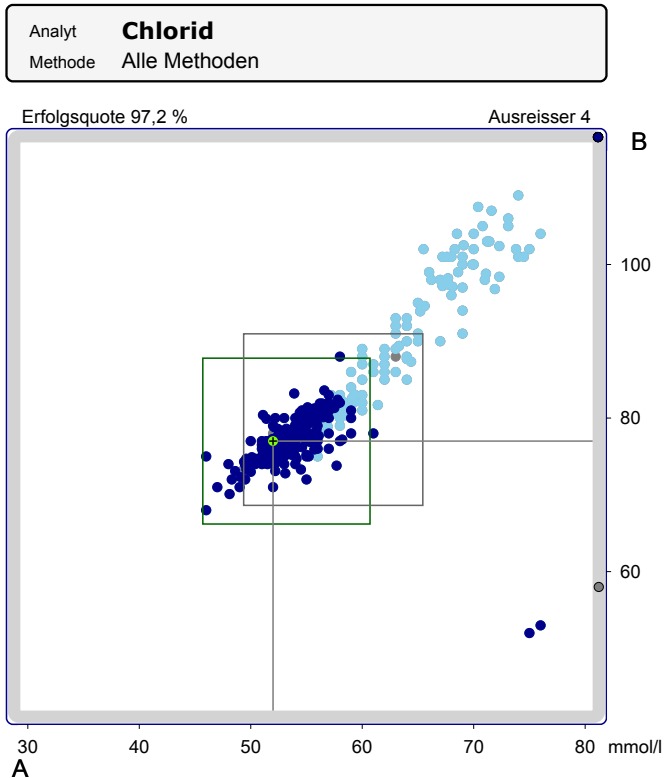
Probe B [g/l]								
M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max	
Alle	526		0	0	0.003	0.005	1.39	
1	13	3	0.002		0.002		0.005	
1	28	27	0.002	0.002	0.002	0.011	0.020	
1	30	6	0		0.000		0.003	
1	43	5	0.003		0.003		0.010	
2	4	53	0.000	0.005	0.005	0.005	1.30	
2	30	315	0	0	0.003	0.003	1.02	-10
2	38	37	0	0.000	0.001	0.007	0.016	
2	43	44	0.000	0.003	0.003	0.003	0.013	
2	140	7	0.010		0.010		0.010	
2	328	5	0.003		0.005		0.195	
3	30	11	0	0	0.000	0.003	0.005	
6	44	3	0.002		0.003		0.015	

Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt:

A	-2.2 %
B	33 %

Andere Kits (Anzahl):
1-04(1), 1-140(1), 2-12(1), 2-126(1), 2-156(2), 2-166(1), 4-30(1), 6-30(2),





Teilnehmerzahl	432		
Probe/Einheit	A	mmol/l	B
Mittelwert	56.8		81.3
Standardabweichung	6.08		8.33
Variationskoeffizient	10.7		10.3

B

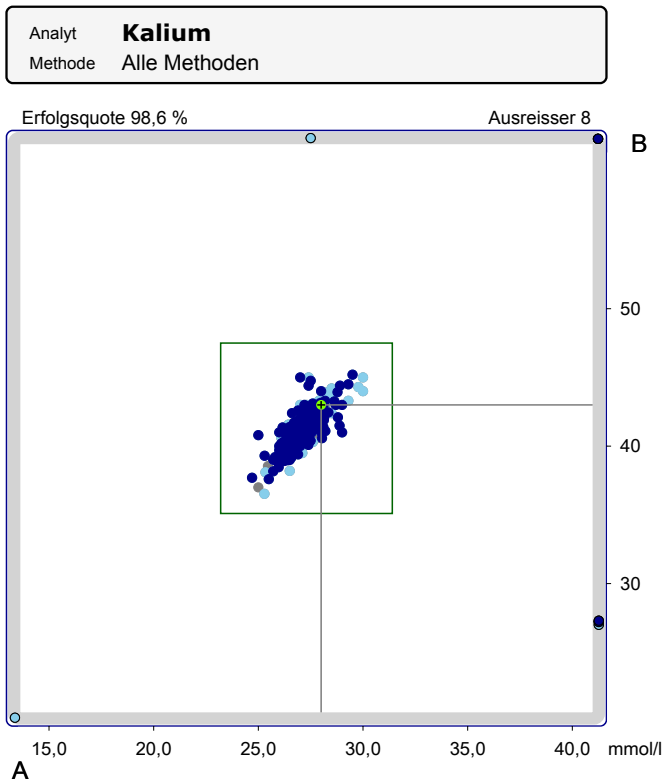
Probe A [mmol/l]							
M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		432	46.0	51.9	55.0	63.0	204
2	30	7	49.4		52.8		53.7
4	4	59	55.0	57.0	58.0	59.3	64.0
4	30	273	46.0	51.0	53.2	55.9	91.8
4	38	35	58.0	60.0	62.0	64.0	71.0
4	43	43	65.2	67.2	69.0	72.3	74.5
4	328	11	63.0	63.9	67.0	75.1	76.0
4	335	2	196		200		204

Probe B [mmol/l]							
M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		432	52.0	75.0	78.9	88.7	269
2	30	7	73.4		77.4		78.1
4	4	59	75.0	80.0	81.0	82.5	87.7
4	30	273	52.0	74.1	77.0	80.0	133
4	38	35	82.0	85.8	88.0	92.0	98.0
4	43	43	93.9	97.1	101	104	109
4	328	11	86.0	87.2	91.0	102	104
4	335	2	265		267		269

Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt:

A	-2.2 %
B	0 %

Andere Kits (Anzahl):
1-38(1), 2-04(1),



Teilnehmerzahl	598		
Probe/Einheit	A	mmol/l	B
Mittelwert	27.2		41.4
Standardabweichung	0.670		1.13
Variationskoeffizient	2.46		2.74

B

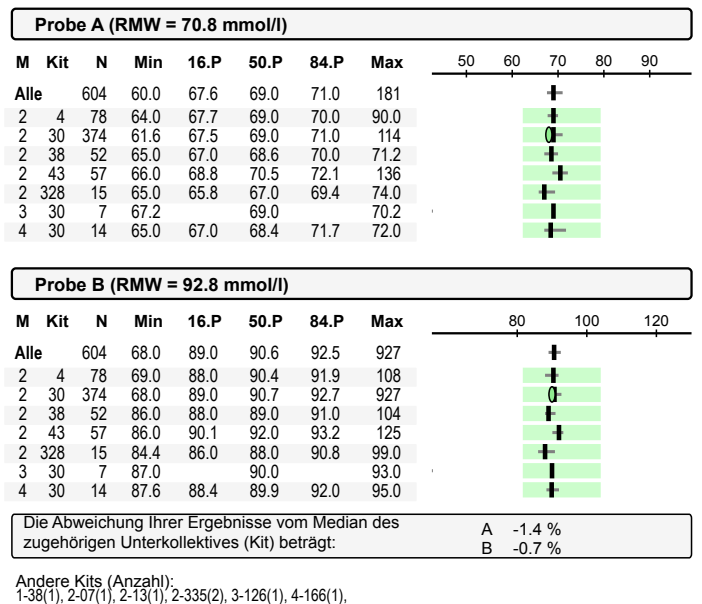
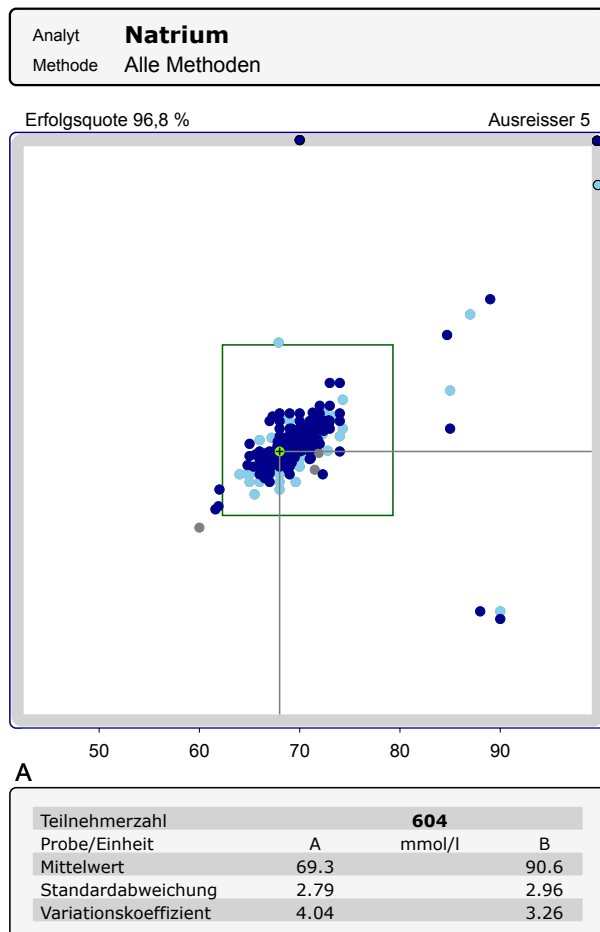
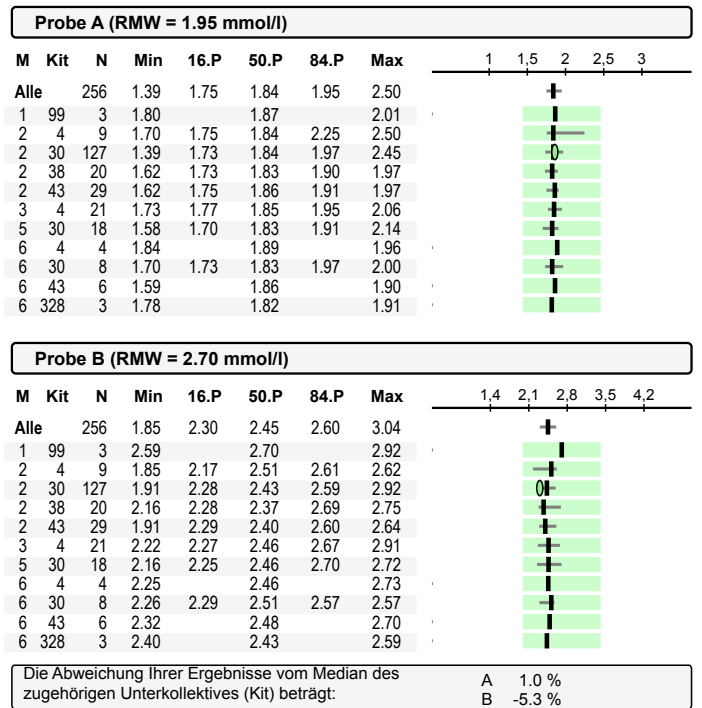
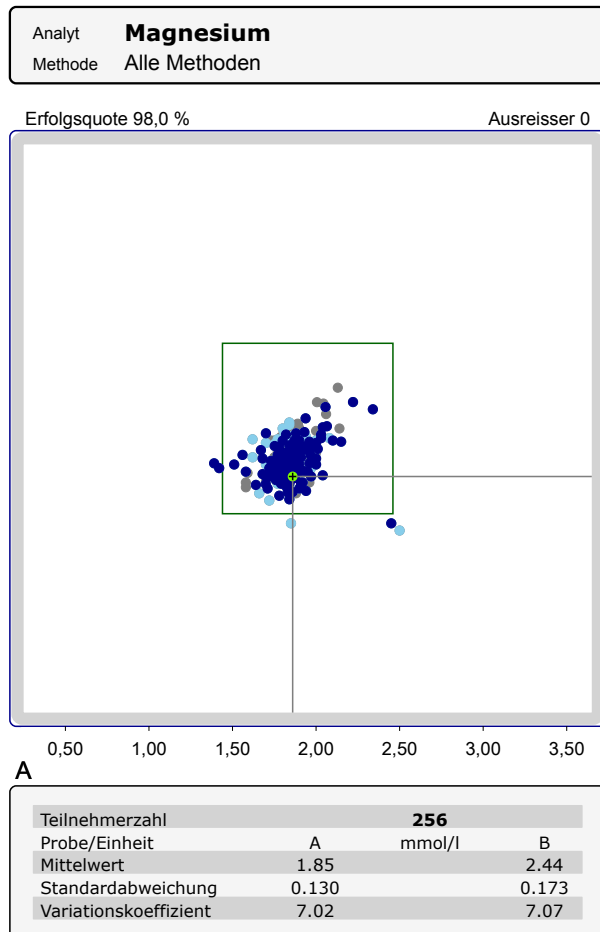
Probe A (RMW = 27.3 mmol/l)							
M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		598	3.35	26.7	27.2	28.0	59.3
2	4	70	26.0	26.8	27.1	27.6	41.0
2	30	366	24.7	26.6	27.1	27.9	45.1
2	38	50	25.3	27.0	27.0	28.0	30.0
2	43	55	3.35	27.0	27.5	28.2	29.3
2	328	15	25.3	26.1	26.8	27.6	27.8
3	30	7	26.7		27.5		28.0
4	4	5	26.6		27.6		28.0
4	30	17	26.0	26.2	27.0	27.7	28.0

Probe B (RMW = 41.3 mmol/l)							
M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle		598	4.61	40.4	41.4	42.3	92.0
2	4	70	27.0	40.7	41.3	41.9	44.3
2	30	366	27.2	40.3	41.4	42.2	67.4
2	38	50	36.5	41.0	41.5	42.4	45.0
2	43	55	4.61	41.9	42.7	43.3	92.0
2	328	15	38.1	39.4	40.6	41.2	41.4
3	30	7	40.3		41.5		42.5
4	4	5	40.0		41.5		42.8
4	30	17	39.0	39.4	40.4	42.0	42.2

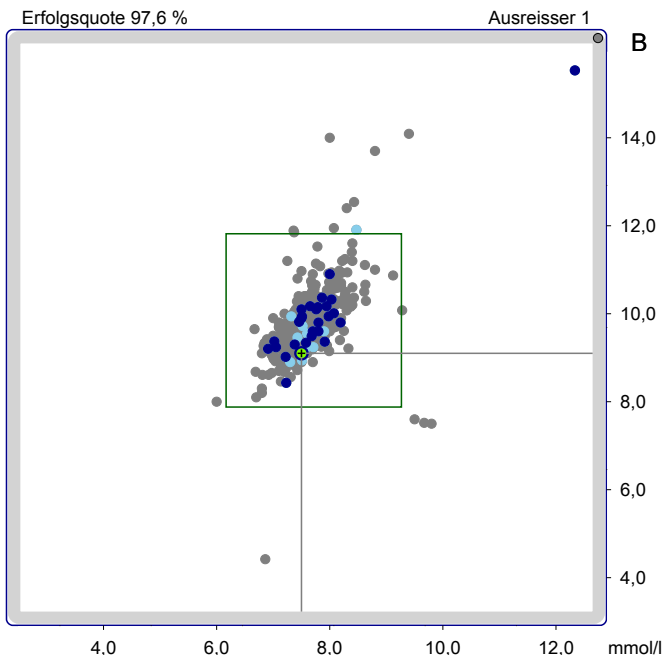
Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt:

A	3.2 %
B	3.8 %

Andere Kits (Anzahl):
1-38(1), 2-07(1), 2-13(1), 2-335(1), 3-04(1), 3-38(1), 3-126(2), 3-335(1), 4-38(1), 4-43(2), 4-166(1),



Analyt **Phosphor, anorg.**
Methode Alle Methoden



A

Teilnehmerzahl	464	
Probe/Einheit	A	B
Mittelwert	7.66	9.79
Standardabweichung	0.486	0.813
Variationskoeffizient	6.35	8.30

B

Probe A [mmol/l]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle	464	6.00	7.30	7.60	8.00	24.1	
1	4	51	6.00	7.21	7.50	7.78	9.67
1	30	228	6.69	7.26	7.52	7.93	9.80
1	38	26	6.67	7.26	7.60	7.90	8.08
1	43	48	7.00	7.74	8.05	8.35	24.1
1	126	3	7.75		7.88		8.80
1	328	9	7.36	7.37	8.30	9.04	9.40
2	4	8	6.97	7.07	7.31	7.77	8.00
2	30	41	6.80	7.25	7.60	8.04	8.40
2	38	8	7.30	7.36	7.77	8.06	8.11
4	4	6	7.32		7.53		7.71
4	30	30	6.91	7.23	7.73	8.00	12.3
4	38	3	7.30		7.52		7.90

Probe B [mmol/l]

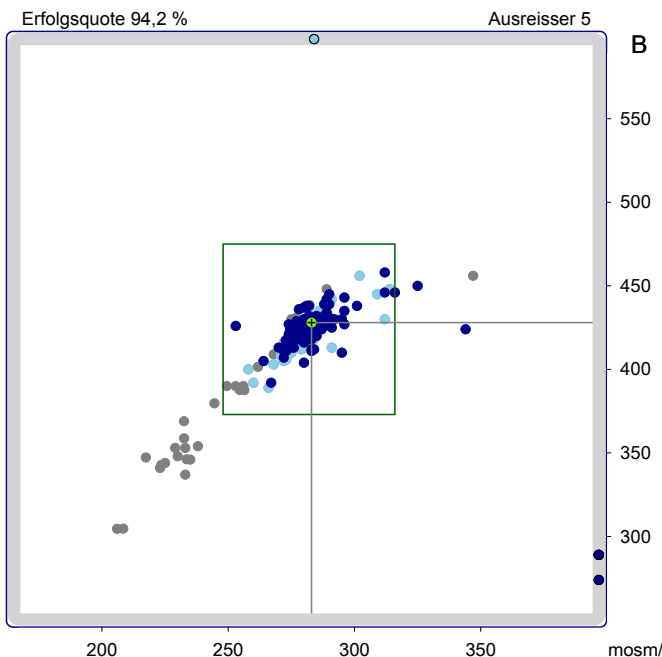
M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle	464	4.42	9.20	9.70	10.3	30.3	
1	4	51	7.52	9.01	9.49	10.2	11.5
1	30	228	7.50	9.20	9.66	10.1	14.0
1	38	26	4.42	9.19	9.68	10.2	10.9
1	43	48	9.30	9.74	10.3	10.9	30.3
1	126	3	9.54		10.7		11.0
1	328	9	10.6	10.9	11.9	13.9	14.1
2	4	8	8.56	8.60	9.10	10.1	10.2
2	30	41	9.10	9.30	9.78	10.3	11.2
2	38	8	9.60	9.64	10.0	10.7	10.8
4	4	6	8.94		9.35		9.94
4	30	30	8.43	9.24	9.86	10.2	15.5
4	38	3	8.90		9.60		9.72

Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt:

A -2.9 %
B -7.6 %

Andere Kits (Anzahl):
1-07(1), 1-12(1), 4-99(1),

Analyt **Osmolalität**
Methode Alle Methoden



A

Teilnehmerzahl	260	
Probe/Einheit	A	B
Mittelwert	278	419
Standardabweichung	17.2	22.3
Variationskoeffizient	6.17	5.34

B

Probe A [mosm/kg]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle	260	206	273	281	288	834	
1	30	4	258	263	284	284	
1	33	8	277	279	283	297	302
1	64	10	272	276	282	285	285
1	99	150	253	277	282	289	834
1	164	14	271	272	278	287	292
1	165	11	271	272	278	286	289
1	240	17	273	279	283	288	312
1	358	4	272		282		314
2	30	16	217	224	242	276	282
2	38	6	208		233		284
2	99	4	245		277		289

Probe B [mosm/kg]

M	Kit	N	Min	16.P	50.P	84.P	Max
Alle	260	145	410	424	431	984	
1	30	4	389		396		427
1	33	8	413	417	425	752	984
1	64	10	412	420	426	433	433
1	99	150	145	417	424	431	458
1	164	14	410	416	422	433	442
1	165	11	408	410	422	435	437
1	240	17	410	422	426	432	433
1	358	4	405		415		448
2	30	16	337	343	378	421	439
2	38	6	305		356		420
2	99	4	380		431		448

Die Abweichung Ihrer Ergebnisse vom Median des zugehörigen Unterkollektives (Kit) beträgt:

A 0.3 %
B 0.9 %

Andere Kits (Anzahl):
1-01(1), 1-04(1), 1-07(2), 1-49(1), 1-145(1), 1-163(2), 2-04(1), 2-145(2), 2-328(1), 3-02(1), 3-99(2), 3-164(1),

Analyt **Proteinurie**
Methode Alle Methoden

- Auswertung der Beurteilungsschlüssel -

Probe A



- normale Proteinausscheidung
- 16 glom. Proteinurie (a1-Mikroglobulin <14mg/g Krea.!)
 - 7 glomeruläre Proteinurie und tubuläre Proteinurie
 - tub. Proteinurie (z.B. bei tubulo-interst. Nephropathie)
 - praerenale Proteinurie (z. B. Bence-Jones Proteinurie)
- 97 postrenale Proteinurie (z. B. bei postrenaler Blutung)
- 1 andere Konstellationen

Probe B



- 114 normale Proteinausscheidung
 - glom. Proteinurie (a1-Mikroglobulin <14mg/g Krea.!)
 - 1 glomeruläre Proteinurie und tubuläre Proteinurie
 - tub. Proteinurie (z.B. bei tubulo-interst. Nephropathie)
 - praerenale Proteinurie (z. B. Bence-Jones Proteinurie)
 - 2 postrenale Proteinurie (z. B. bei postrenaler Blutung)
 - 3 andere Konstellationen

Teilnehmerzahl

118

[Erfolgsquote 77 %]

Analyt **pH-ST**
Methode Alle Methoden

Probe A



- 1 pH Wert 5
- 1 pH Wert 5,5
- 4 pH Wert 6
- 3 15 pH Wert 6,5
- 25 264 pH Wert 7
- 18 251 pH Wert 7,5
- 11 110 pH Wert 8
- pH Wert 8,5
- pH Wert 9

Probe B



- pH Wert 5
- pH Wert 5,5
- pH Wert 6
- 5 pH Wert 6,5
- 11 101 pH Wert 7
- 16 268 pH Wert 7,5
- 27 257 pH Wert 8
- 2 11 pH Wert 8,5
- 3 pH Wert 9

visuell optisch-automatisiert

Teilnehmerzahl

704

Analyt **Eiweiß-ST**
Methode Alle Methoden

Probe A



2 30	2 145	2 40	2 146	1 30	andere	alle	Methode Kit
1	2	1	1	-	2	7	negativ
1	-	-	-	1	2	4	schw./grenzw. pos.
6	5	5	1	1	6	24	positiv
213	158	111	24	31	121	658	stark positiv

Probe B



2 30	2 145	2 40	2 146	1 30	andere	alle	Methode Kit
216	160	115	25	31	130	677	negativ
-	2	-	-	1	0	3	schw./grenzw. pos.
3	1	-	-	1	0	5	positiv
1	2	1	1	-	0	5	stark positiv

Teilnehmerzahl

693

Analyt Glucose-ST		Methode Alle Methoden							
Probe	2 30	2 145	2 40	2 146	1 30	andere	alle	Methode Kit	
A	219	165	116	26	33	131	690	< 50 mg/dl	
	-	-	-	-	-	0	0	50-99 mg/dl	
	-	-	-	-	-	0	0	100-299 mg/dl	
	-	-	-	-	-	0	0	300- 999 mg/dl	
	-	-	-	-	-	0	0	≥1000 mg/dl	

Analyt Hämoglobin-ST		Methode Alle Methoden							
Probe	2 30	2 145	2 40	2 146	1 30	andere	alle	Methode Kit	
A	1	4	1	2	1	0	9	negativ	
	1	2	2	-	-	3	8	5 - 12 Erys/ul	
	2	5	4	2	1	5	19	13 - 50 Erys/ul	
	215	154	108	23	35	123	658	> 50 Erys/ul	

Probe	2 30	2 145	2 40	2 146	1 30	andere	alle	Methode Kit	
B	219	165	116	26	33	131	690	< 50 mg/dl	
	-	-	-	-	-	0	0	50-99 mg/dl	
	-	-	-	-	-	0	0	100-299 mg/dl	
	-	-	-	-	-	0	0	300- 999 mg/dl	
	-	-	-	-	-	0	0	≥1000 mg/dl	

Probe	2 30	2 145	2 40	2 146	1 30	andere	alle	Methode Kit	
B	217	161	111	23	33	124	669	negativ	
	1	1	3	2	3	7	17	5 - 12 Erys/ul	
	1	-	-	-	-	0	1	13 - 50 Erys/ul	
	-	3	1	1	1	0	6	> 50 Erys/ul	

Teilnehmerzahl

690

Teilnehmerzahl

694

Analyt Leukozyten-ST		Methode Alle Methoden							
Probe	2 30	2 145	2 40	2 146	1 30	andere	alle	Methode Kit	
A	217	160	114	25	36	127	679	negativ	
	1	1	1	-	-	3	6	5 - 50 /ul	
	-	4	1	-	-	0	5	51 - 250 /ul	
	1	-	-	1	-	1	3	> 250 /ul	

Analyt Keton-ST		Methode Alle Methoden							
Probe	2 30	2 145	2 40	2 146	1 30	andere	alle	Methode Kit	
A	220	165	115	25	31	127	683	negativ/Spur	
	1	-	-	-	-	0	1	5 - 49 mg/dl	
	-	-	-	-	-	0	0	≥50 mg/dl	

Probe	2 30	2 145	2 40	2 146	1 30	andere	alle	Methode Kit	
B	-	4	2	1	-	1	8	negativ	
	1	14	12	-	4	3	34	5 - 50 /ul	
	25	133	99	3	20	50	330	51 - 250 /ul	
	193	14	3	22	12	77	321	> 250 /ul	

Probe	2 30	2 145	2 40	2 146	1 30	andere	alle	Methode Kit	
B	221	165	115	25	31	126	683	negativ/Spur	
	-	-	-	-	-	1	1	5 - 49 mg/dl	
	-	-	-	-	-	0	0	≥50 mg/dl	

Teilnehmerzahl

693

Teilnehmerzahl

684

Analyt	Nitrit-ST							
Methode	Alle Methoden							
Probe A	2 30	2 145	2 40	2 146	1 30	andere	alle	Methode Kit
	218	165	115	26	33	126	683	negativ
	2	-	-	-	-	0	2	positiv

Analyt	Bilirubin-ST							
Methode	Alle Methoden							
Probe A	2 30	2 145	2 40	2 146	1 30	andere	alle	Methode Kit
	218	165	110	26	31	128	678	negativ/schwach
	-	-	-	-	-	0	0	mittel
	1	-	-	-	-	0	1	stark

Probe B	2 30	2 145	2 40	2 146	1 30	andere	alle	Methode Kit
	220	165	115	26	33	126	685	negativ
	-	-	-	-	-	0	0	positiv

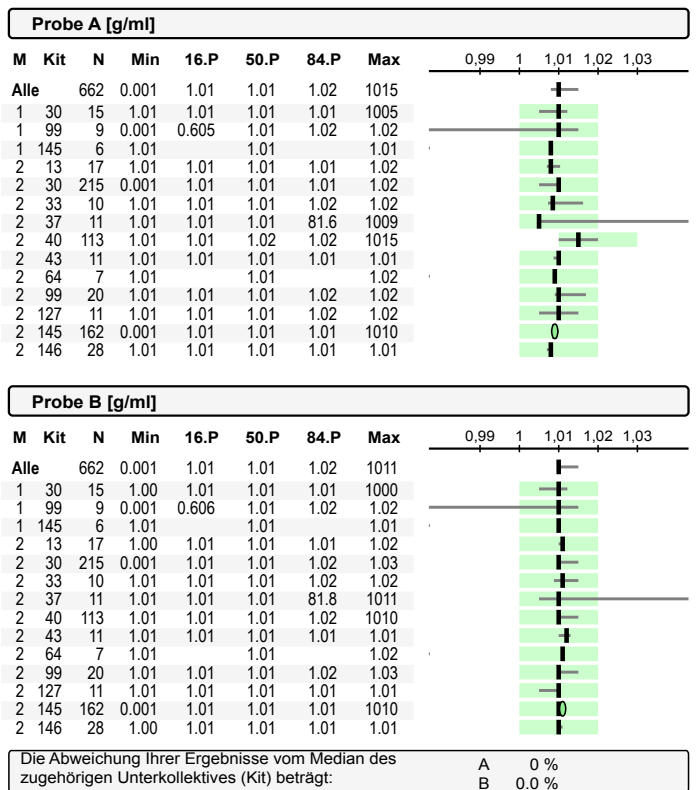
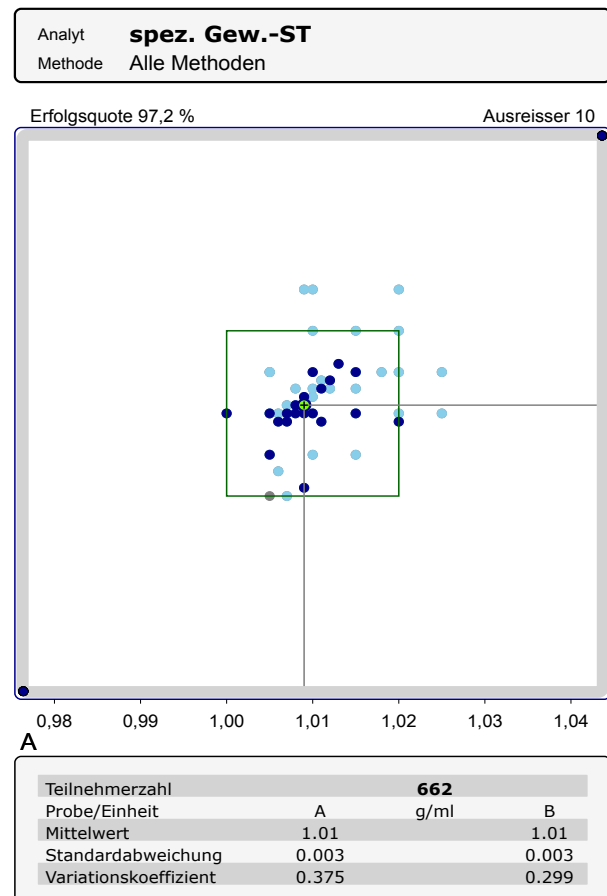
Probe B	2 30	2 145	2 40	2 146	1 30	andere	alle	Methode Kit
	219	164	110	26	31	127	677	negativ/schwach
	-	-	-	-	-	0	0	mittel
	-	-	-	-	-	0	0	stark

Teilnehmerzahl

685

Teilnehmerzahl

679



Andere Kits (Anzahl):
 1-12(1), 1-34(1), 1-40(5), 1-127(4), 2-12(2), 2-17(1), 2-25(5), 2-34(1), 2-48(1), 2-140(1), 2-164(5),

Analyt	Urobilinog.-ST
Methode	Alle Methoden

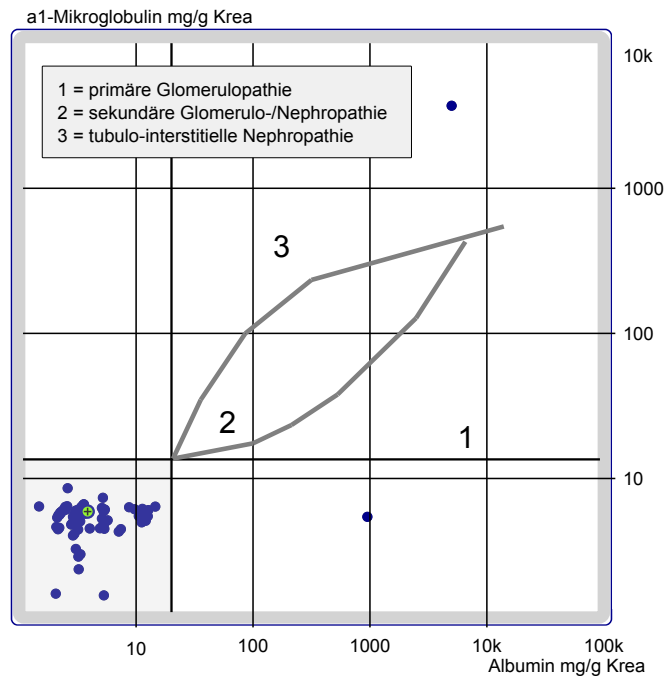
Probe A	2 30	2 145	2 40	2 146	1 30	andere	alle	Methode Kit
	216	163	108	26	30	127	670	normal
	1	-	1	-	-	1	3	2-4 mg/dl
	-	-	-	-	-	0	0	> 4 mg/dl

Probe B	2 30	2 145	2 40	2 146	1 30	andere	alle	Methode Kit
	217	163	108	26	30	127	671	normal
	-	-	1	-	-	1	2	2-4 mg/dl
	-	-	-	-	-	0	0	> 4 mg/dl

Teilnehmerzahl

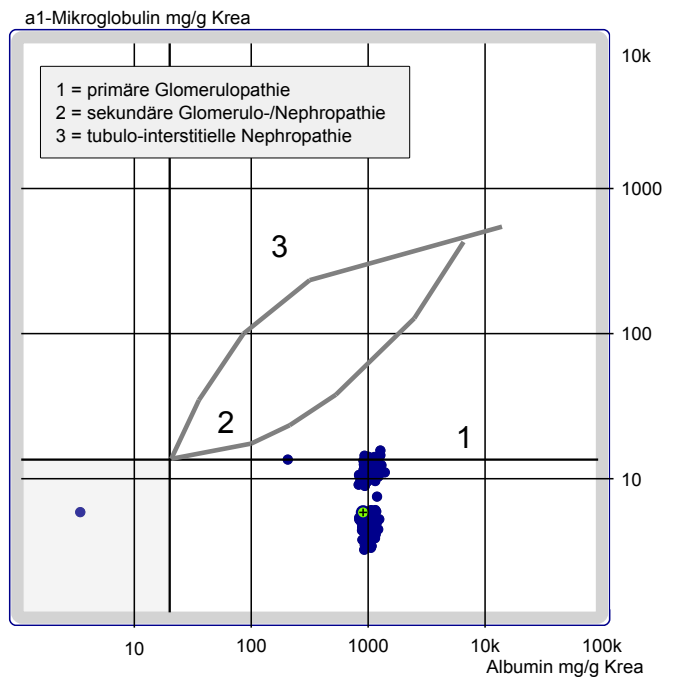
673

Analyt	Diagn.-Graph B
Methode	



Teilnehmerzahl	149
Abszisse/Ordinate	Albumin mg/g Krea a1-Mikrogl.
Median	2.98 5.00

Analyt	Diagn.-Graph A
Methode	



Teilnehmerzahl	149
Abszisse/Ordinate	Albumin mg/g Krea a1-Mikrogl.
Median	1029 5.05